

ความหลากหลายทางพันธุกรรมของ *Bacillus subtilis* โดยเทคนิค RANDOMLY AMPLIFIED
POLYMORPHIC DNA



นาย นิพัทธ์ มณีโชติ

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต

สาขาวิชาพันธุศาสตร์ ภาควิชาพฤกษศาสตร์

คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ปีการศึกษา 2544

ISBN 974-17-0220-5

ลิขสิทธิ์ของจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

GENETIC DIVERSITY OF *Bacillus subtilis* BY RANDOMLY AMPLIFIED POLYMORPHIC DNA

Mr. Nipat Maneechote

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements

for the Degree of Master of Science in Genetics

Department of Botany

Faculty of science

Chulalongkorn University

Academic year 2001

ISBN 974-17-0220-5

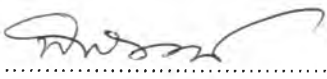
หัวข้อวิทยานิพนธ์ ความหลากหลายทางพันธุกรรมของ *Bacillus subtilis* โดยเทคนิค
RANDOMLY AMPLIFIED POLYMORPHIC DNA

โดย นาย นิพัทธ์ มณีโชติ


สาขาวิชา พันธุศาสตร์


อาจารย์ที่ปรึกษา รองศาสตราจารย์ ดร. วรวุฒิ จุฬาลักษณ์านุกูล

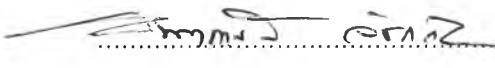
คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย อนุมัติให้บัณฑิตวิทยาลัยรับนี้เป็นส่วน
หนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต

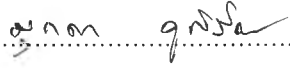

.....รองคณบดีฝ่ายบริหาร
(รองศาสตราจารย์ ดร. พิพัฒน์ การเที่ยง) รักษาราชการแทนคณบดีคณะวิทยาศาสตร์

คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์


.....ประธานกรรมการ
(รองศาสตราจารย์สุมิตรา คงชื่นสิน)


.....อาจารย์ที่ปรึกษา
(รองศาสตราจารย์ ดร. วรวุฒิ จุฬาลักษณ์านุกูล)


.....กรรมการ
(ศาสตราจารย์มนตรี มณฑานติ วัชรากัย)


.....กรรมการ
(รองศาสตราจารย์มุกดา คูหิรัญ)

นายนิพัทธ์ มณีโชติ : ความหลากหลายทางพันธุกรรมของ *Bacillus subtilis* โดยเทคนิค
RANDOMLY AMPLIFIED POLYMORPHIC DNA. (GENETIC DIVERSITY OF
Bacillus subtilis BY RANDOMLY AMPLIFIED POLYMORPHIC DNA) อาจารย์ที่
ปรึกษา : รองศาสตราจารย์ ดร. วรุฒิ จุฬาลักษณ์านุกูล, 99 หน้า.
ISBN 974-17-0220-5

การศึกษาปริมาณแบคทีเรียในดินตัวอย่างที่เก็บได้จากพื้นที่ต่างๆ ในบริเวณศูนย์ศึกษาพัฒนา
ห้วยฮ่องไคร้ อันเนื่องมาจากพระราชดำริ พบว่ามีปริมาณแบคทีเรียทั้งหมดแปรผันอยู่ระหว่าง $2.7 \times 10^5 - 5.2 \times 10^7$ โคโลนี/กรัมของดิน ดินตัวอย่างมีความชื้นอยู่ในช่วงร้อยละ 4.03 - 37.13 ค่าพีเอช
อยู่ในช่วง 5.0 - 7.69 เฟอร์ริเซ็นต์และค่าอินทรีย์สารอยู่ในช่วง 7.12 - 15.73 เฟอร์ริเซ็นต์ *B. subtilis*
ที่คัดแยกได้จำนวน 35 ไอโซเลท เมื่อทดสอบความสามารถในการยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อรา
Fusarium oxysporum, *Phytophthora parasitica*, *Phytophthora palmivora*, *Bipolaris oryzae*,
Pyricularia grisea และ *Collectotrichum gyeosporioides* พบว่าเชื้อแต่ละไอโซเลท สามารถยับยั้ง
การเจริญเติบโตของเชื้อราได้แตกต่างกัน เมื่อตรวจสอบลายพิมพ์ดีเอ็นเอ โดยใช้เทคนิค RAPD-
PCR ด้วยไพรเมอร์ 10 ชนิด พบว่าไพรเมอร์ 8 ชนิด สามารถให้ผลผลิตพีซีอาร์ได้ หลังจากนั้นได้
เลือกไพรเมอร์ 4 ชนิด ที่สามารถเพิ่มปริมาณผลผลิตของพีซีอาร์ได้ชัดเจน มาตรวจสอบลายพิมพ์ดี
เอ็นเอของ *B. subtilis* 35 ไอโซเลท พบว่าสามารถแยกความแตกต่างของ *B. subtilis* แต่ละไอโซ
เลทได้อย่างชัดเจน และพบว่าบางไอโซเลทมีลายพิมพ์ดีเอ็นเอเหมือนกัน เมื่อวิเคราะห์ความสัมพันธ์
โดยใช้คอมพิวเตอร์โปรแกรม RAPDistance สามารถยืนยันได้ว่าเชื้อที่มีลายพิมพ์ดีเอ็นเอเหมือนกัน
เป็นเชื้อเดียวกัน และแบ่งกลุ่ม *B. subtilis* ทั้ง 35 ไอโซเลท ออกเป็น 4 กลุ่ม ซึ่งพบว่าการแบ่ง
กลุ่มโดยวิธี RAPD มีความสัมพันธ์กับผลการยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อราโรคพืช 5 ชนิด

ภาควิชา พฤกษศาสตร์
สาขาวิชา พันธุศาสตร์
ปีการศึกษา 2544

ลายมือชื่อนิสิต.....

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....

4172330123 : MAJOR GENETICS

KEY WORDS : RAPD/PHYLOGENETIC TREE/ANTIFUNGAL/ DNA FINGERPRINTING

NIPAT MANEECHOTE : GENETIC DIVERSITY OF *Bacillus subtilis* BY
RANDOMLY AMPLIFIED POLYMORPHIC DNA. THESIS ADVISOR : ASSOC.
PROF. WARAWUT CHULALAKSANANUKUL, Ph.D. 99 pp.
ISBN 974-17-0220-5

Total bacterial numbers in soil samples collected from various areas in the Huay Hong Krai Royal Development Study Centre were determined. The results showed that the total numbers of bacteria were between 2.7×10^5 - 5.2×10^7 cfu/g of soil, moisture content of soil ranged between 4.03-17.13%, pH ranged between 5.00-7.69, and organic matter content ranged between 7.12-15.73%. The ability of *Bacillus subtilis* bacterial isolates to inhibit the molds *Fusarium oxysporum*, *Phytophthora parasitica*, *Phytophthora palmivora*, *Bipolaris oryzae*, *Pyricularia grisea*, and *Collectotrichum gloeosporioides* were tested. These bacterial isolates showed differential antagonistic property against the mold. Randomly amplified polymorphic DNA assay for DNA fingerprinting of *B. subtilis* using ten primers found that only eight gave reproducible PCR products. Four primers that showed the most distinct amplified reproducible PCR products were chosen to differentiate 35 *B. subtilis* isolates in the RAPD DNA fingerprinting assay. The RAPD profiles of the 35 isolates were analysed using the RAPDistance program with the clustering method of profile relatedness. *B. subtilis* isolates possessing a similar banding pattern were grouped together in the same cluster. This study could classify *B. subtilis* into four clusters according to the close relationship of the nearest neighbour analysis and the results of their antagonistic property against five mold species.

Department

Botany

Student's signature

Field of study

Genetics

Advisor's signature.....

Academic year

2001

กิตติกรรมประกาศ

ข้าพเจ้าขอกราบขอบพระคุณ รองศาสตราจารย์ ดร. วรวิทย์ จุฬาลักษณ์านุกูล ที่กรุณาเป็นที่ปรึกษาและให้คำแนะนำในด้านต่างๆ รวมถึงตรวจแก้ไขวิทยานิพนธ์ฉบับนี้ ขอกราบขอบพระคุณ รองศาสตราจารย์สุมิตรา คงชื่นสิน ประธานกรรมการสอบวิทยานิพนธ์ ศาสตราจารย์มนทกานติ วัชรากัย และรองศาสตราจารย์มุกดา คูหิรัญ กรรมการสอบวิทยานิพนธ์ ที่กรุณาให้คำปรึกษา และแนะนำในด้านต่างๆ รวมถึงตรวจแก้ไขวิทยานิพนธ์ฉบับนี้ให้สมบูรณ์ยิ่งขึ้น

ขอกราบขอบพระคุณอาจารย์นภาศรี สุวรรณศิษฐ์ ผู้ช่วยศาสตราจารย์ไฉศรี เปี่ยมสุภทรัพย์ อาจารย์ถัดดา ไหม่มมงคล และอาจารย์ยั้งศักดิ์ นิตยฤกษ์ ที่กรุณาอำนวยความสะดวกในการใช้สถานที่ และให้กำลังใจในการทำวิทยานิพนธ์

ขอขอบคุณศูนย์ศึกษาพัฒนาห้วยฮ่องไคร้ อันเนื่องมาจากพระราชดำริ อำเภอคอยสะเกิด จังหวัดเชียงใหม่ที่อนุเคราะห์สถานที่ในการเก็บตัวอย่าง รวมถึงอำนวยความสะดวกในด้านที่พักและการเดินทางเข้าไปยังพื้นที่

ขอขอบคุณกองโรคพืช และจุลชีววิทยา กรมวิชาการเกษตรที่อนุเคราะห์เชื้อราสายพันธุ์มาตรฐาน เพื่อนำมาใช้ทดสอบประสิทธิภาพการยับยั้ง

ขอขอบคุณภาควิชาชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันราชภัฏธนบุรี ที่อนุเคราะห์เครื่องมืออุปกรณ์ และสถานที่ในการทำทดลองครั้งนี้

สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย.....	ง
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	จ
กิตติกรรมประกาศ.....	ฉ
สารบัญ.....	ช
สารบัญตาราง.....	ช
สารบัญรูปภาพ.....	ณ
บทที่ 1 บทนำ.....	1
บทที่ 2 เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง.....	3
บทที่ 3 อุปกรณ์และวิธีการศึกษา.....	14
อุปกรณ์การศึกษา.....	14
วิธีการศึกษา.....	16
บทที่ 4 ผลการศึกษา.....	26
การศึกษาจำนวนแบคทีเรียจากดินในพื้นที่ศูนย์ศึกษาพัฒนาห้วยฮ่องไคร้อันเนื่อง มาจากพระราชดำริ.....	26
การศึกษาชนิดของ <i>Bacillus</i>	30
การศึกษาความสามารถของ <i>B. subtilis</i> 35 ไอโซเลท โดยทดสอบประสิทธิภาพ การยับยั้งเชื้อราสาเหตุของโรคพืช.....	34
การเตรียมดีเอ็นเอและศึกษาสภาวะที่เหมาะสมต่อปฏิกิริยา RAPD-PCR.....	..51
การศึกษาลายพิมพ์ดีเอ็นเอของ <i>B. subtilis</i> โดยวิธี RAPD-PCR.....	52
การวิเคราะห์ความแปรผันทางพันธุกรรมและการวิเคราะห์กลุ่มด้วยวิธี cluster.....	..53
บทที่ 5 อภิปรายผลการศึกษา.....	67
บทที่ 6 สรุปผลการศึกษา.....	72
รายการอ้างอิง.....	74
ภาคผนวก.....	80
ประวัติผู้เขียนวิทยานิพนธ์.....	99

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
1. สารปฏิชีวนะที่ผลิตได้โดย <i>B. subtilis</i>	7
2. การเตรียมความเข้มข้นของปฏิกิริยา RAPD-PCR.....	24
3. จำนวนแบคทีเรียทั้งหมดในดินพื้นที่ศูนย์ศึกษาการพัฒนาห้วยฮ่องไคร้อันเนื่องมาจากพระราชดำริ ในพื้นที่ป่าสงวนแห่งชาติป่าขุนแม่กวง อำเภอดอยสะเก็ด จังหวัดเชียงใหม่.....	28
4. สมบัติทางกายภาพของดินตัวอย่าง ในพื้นที่ศูนย์ศึกษาการพัฒนาห้วยฮ่องไคร้อันเนื่องมาจากพระราชดำริ ป่าสงวนแห่งชาติป่าขุนแม่กวง อำเภอดอยสะเก็ด จังหวัดเชียงใหม่.....	29
5. สมบัติทางสัณฐานวิทยา และทางชีวเคมีของ <i>B. subtilis</i> ทั้ง 35 ไอโซเลท.....	31
6. จำนวน <i>B. subtilis</i> ที่จัดจำแนกได้ 35 ไอโซเลท จากดิน 5 แปลง.....	32
7. ประสิทธิภาพของ <i>B. subtilis</i> ทั้ง 35 ไอโซเลท จากดิน 5 แปลง ที่สามารถยับยั้งการเจริญของเชื้อรา 6 ชนิด.....	36
8. คุณภาพและปริมาณดีเอ็นเอของ <i>B. subtilis</i> 35 ไอโซเลท ที่เตรียมได้.....	54
9. ความเหมือนกันทางพันธุกรรมโดย Jaccard ระหว่างคู่แต่ละคู่ของสายพันธุ์.....	65
 ตารางภาคผนวกที่	
1. ผลการยับยั้งเชื้อราสาเหตุโรคพืช 6 ชนิด โดย <i>B. subtilis</i> ทั้ง 35 ชนิด ที่คัดเลือกได้ จากดินทั้ง 5 แปลง.....	91
2. แอบริเอ็นเอทั้งหมดที่พบใน <i>B. subtilis</i> 35 ไอโซเลท ที่ได้จากการตรวจนับการปรากฏ (1) และไม่ปรากฏ (0) วิเคราะห์โดยวิธี RAPD ด้วยไพรเมอร์ที่แตกต่างกัน 4 ชนิด.....	95

สารบัญรูปภาพ

รูปภาพที่	หน้า
1. ตำแหน่งเก็บดินจากพื้นที่แปลงศึกษาตามแนวตะแยงมม.....	17
2. วิธีการทดสอบความเป็นปฏิปักษ์ของเชื้อแบคทีเรียต่อเชื้อรา.....	21
3. กราฟแท่งเปรียบเทียบจำนวนแบคทีเรียในดินแต่ละแปลง ทั้ง 3 ครั้ง.....	28
4. ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของ <i>B. subtilis</i> PS5202-3	33
5. การยับยั้งการเจริญของเชื้อราทั้ง 6 ชนิด บนอาหาร PDA โดย <i>B. subtilis</i> PS5202-2.....	35
6. ผลการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา <i>P. parasitica</i> DOA-PPF 30-1 โดย <i>B. subtilis</i> ทั้ง 35 ไอโซเลท.....	39
7. ผลการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา <i>P. palmivora</i> DOA-PPF 38-4 โดย <i>B. subtilis</i> ทั้ง 35 ไอโซเลท.....	41
8. ผลการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา <i>P. grisea</i> DOA-PPF 43-108 โดย <i>B. subtilis</i> ทั้ง 35 ไอโซเลท.....	43
9. ผลการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา <i>B. oryzae</i> DOA-PPF 43-21 โดย <i>B. subtilis</i> 35 ไอโซเลท.....	45
10. ผลการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา <i>C. gloeosporioides</i> DOA-PPF 43-136 โดย <i>B. subtilis</i> 35 ไอโซเลท.....	47
11. ผลการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา <i>F. oxysporum</i> DOA-PPF 43-138 โดย <i>B. subtilis</i> 35 ไอโซเลท.....	49
12. RAPD profiles โดยใช้ปริมาณเอ็นไซม์ Taq Polymerase ที่ระดับ ความเข้มข้น 0.625 U, 1 U และ 1.25 U ร่วมกับปริมาณความเข้มข้น ของไพรเมอร์ ที่ระดับ 12.5 pmol และ 25 pmol และ Annealing temperatere ที่ 32 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 20 วินาที (A) ที่ 36 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 20 วินาที (B) ที่ 36 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 วินาที (C) ที่ 40 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 20 วินาที (D)	56

สารบัญรูปภาพ (ต่อ)

รูปภาพที่	หน้า
13. RAPD profiles ของ <i>B. subtilis</i> 3 ไอโซเลท ที่ระดับความเข้มข้น $MgCl_2$ ที่ 3 mM, 4 mM และ 4.5 mM ร่วมกับ Taq Polymerase ที่ ความเข้มข้น 0.625 U (A), 1 U (B) และ 1.25 U (C) ที่ระดับความเข้มข้นไพรมเมอร์ 25 pM และ 12.5 pM.....	57
14. RAPD profile ของ <i>B. subtilis</i> 4 ไอโซเลท ด้วยไพรมเมอร์ 8 ชนิด โดยใช้ความเข้มข้น $MgCl$ 4 mM ร่วมกับ Taq Polymerase ที่ความเข้มข้น 1 U และไพรมเมอร์เข้มข้น 25 pM.....	58
15. แถบดีเอ็นเอที่เกิดจากการเพิ่มปริมาณโดยใช้ไพรมเมอร์ OPR1.....	59
16. แถบดีเอ็นเอที่เกิดจากการเพิ่มปริมาณโดยใช้ไพรมเมอร์ OPR13.....	60
17. แถบดีเอ็นเอที่เกิดจากการเพิ่มปริมาณโดยใช้ไพรมเมอร์ OPR16.....	61
18. แถบดีเอ็นเอที่เกิดจากการเพิ่มปริมาณโดยใช้ไพรมเมอร์ 1247.....	62
19. Dendrogram โดยคอมพิวเตอร์โปรแกรม RAPDistance.....	66