



ผลการทดลอง

1. การหาค่า MIC ของเชื้อ *E. coli* ATCC 25922

ตารางที่ 9 แสดงค่า MIC ของ *E. coli* ATCC 25922 ที่หาได้จากการทดลองเปรียบเทียบกับค่า MIC มาตรฐาน และค่า MIC ของ *E. coli* W667

2. อัตราการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* ตัวอย่าง

อัตราการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก คน ไก่ และแหล่งน้ำธรรมชาติแสดงในตารางที่ 10

2.1 อัตราการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* แยกได้จากคนป่วย และคนปกติ

ในกลุ่มเชื้อที่แยกได้จากคนป่วย พบว่ามีอัตราการดื้อยาที่ใช้ในการทดสอบถึง 100.0 % โดยพบว่าจะดื้อยา SLD, SLX และ ABP สูงกว่ายาตัวอื่นคือเท่ากับ 92.0 %, 90.0 % และ 84.0 % ตามลำดับ ขณะที่จะดื้อยาพวก quinolone น้อยที่สุดคือ ดื้อยา NA 6.0 % และ OA 8.0 % รองมาได้แก่พวก aminoglycoside ได้แก่ SM, KM, NM และ GM ซึ่งอัตราการดื้อยาเหล่านี้เท่ากับ 66.0, 32.0, 28.0 และ 10.0 % ตามลำดับ

ในกลุ่มคนปกติ พบว่าการดื้อยาจะต่ำกว่าในกลุ่มคนป่วยมาก โดยมีอัตราการดื้อยา 46.7 % และในกลุ่มเชื้อที่ดื้อยาจะดื้อยา ABP สูงสุดคือ 30.0 % รองมาได้แก่ SLD และ SLX ซึ่งเท่ากับ 20.0 % และไม่พบสายพันธุ์ที่ดื้อยา NA, OA และพวก aminoglycoside คือ GM, KM, NM, SM และ DC เมื่อศึกษาเฉพาะในเด็กแรกเกิด - 18 เดือนพบการดื้อยาเพียง 30.0 % และทั้งหมดดื้อยา ABP สำหรับในกลุ่มช่วงอายุ 20-25 ปี พบว่าจะดื้อยา ABP, SLD และ SLX เป็นส่วนใหญ่

การเปรียบเทียบค่า MIC ของยาด้านจุลชีพที่ใช้ในการทดสอบต่อเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จากคนป่วย และคนปกติพบว่าในกลุ่มเชื้อที่แยกได้จากคนป่วยจะมีค่า MIC สูงกว่ากลุ่มเชื้อที่แยกได้จากคนปกติ (รูปที่ 3 - 5 และตารางที่ 11)

ตารางที่ 9 แสดงค่าความเข้มข้นต่ำสุดที่สามารถยับยั้งเชื้อ *E. coli* ATCC 25922, *E. coli* W 667 ของยาแต่ละชนิดที่ใช้ในการทดสอบ (MIC)

ยาที่ใช้ในการทดสอบ	ค่า MIC ต่อเชื้อ <i>E. coli</i> ATCC 25922 (มก/มล)		ค่า MIC ต่อเชื้อ <i>E. coli</i> W 667 (มก/มล)
	ค่ามาตรฐาน*	ค่าที่หาได้จากการทดลอง	ค่าที่ได้จากการทดลอง
ABP	4 - 8	8	2
CP	4 - 8	4	0.5
CT	1 - 2	0.5	< 0.5
DC	0.5 - 2	1	< 0.5
GM	0.12- 1	0.5	< 0.125
KM	1 - 4	2	< 0.125
NM	1 - 4	2	< 0.125
NA	1 - 2	2	1
OA	0.16**	0.16	0.08
SLD	19	19	4.75
SLX	19	19	4.75
SM	1 - 2	2	> 32***
TC	1 - 2	2	< 0.5
TP	4 - 8	8	2
TMP	0.26	0.26	0.13

* ค่า MIC มาตรฐาน ได้จากผลการทดลองในห้องปฏิบัติการ โดยวิธี Agar dilution หรือ Broth microdilution (Finegold และ Willam 1982; Reimer, Stration และ Reller ,1981; Fass และ Barnishan ,1979)

** เนื่องจาก OA เป็นยาใหม่ไม่มีค่ามาตรฐาน จึงใช้ค่าที่หาได้จากการทดลอง

*** เชื้อ *E. coli* W667 มีคุณสมบัติคือต่อยา Streptomycin

2.2 อัตราการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จากไก่ป่วยและไก่ปกติ
เชื้อ *E. coli* ที่แยกได้ทั้งในไก่ป่วยและไก่ปกติจะมีอัตราการดื้อยา
สูง คือ เท่ากับ 99.2 % และ 86.0 % ตามลำดับ ในไก่ป่วยจะดื้อยา SLD และ
SLX เป็นอันดับหนึ่ง (90.0 %) รองมาได้แก่ TC (83.0 %) และดื้อยา NA และ
OA น้อยที่สุด คือมีอัตราการดื้อยาเท่ากับ 11.8 % และ 3.4 % ตามลำดับ และไม่พบ
การดื้อยา GM

ในไก่ปกติ พบว่าสามารถตรวจพบสายพันธุ์ที่ดื้อยาในไก่อายุ 3 วัน และพบ
ว่ามีอัตราการดื้อยา SLD และ SLX สูงถึง 50.0 % และ อัตราการดื้อยาจะสูงขึ้นเป็น
ลำดับ เมื่อตรวจสอบในไก่ที่อายุมากขึ้น ในไก่อายุ 1 เดือน พบว่าอัตราการดื้อยา
ส่วนใหญ่ที่ใช้ในการทดสอบจะมีค่าใกล้เคียงกันในไก่ป่วย

การเปรียบเทียบค่า MIC ของยาด้านจุลชีพต่อเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้
จากไก่ป่วย และไก่ปกติพบว่า ในกลุ่มเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จากไก่ป่วยจะมีค่า
MIC สูงกว่ากลุ่มเชื้อที่แยกได้จากไก่ปกติ (รูปที่ 6 - 8 และตารางที่ 11)

2.3 อัตราการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จากแหล่งน้ำธรรมชาติ
จากการศึกษาพบว่าเชื้อ *E. coli* ส่วนใหญ่ คือ 56.7% ไม่ดื้อยาที่
ใช้ทดสอบและในส่วนที่ดื้อยา พบว่าจะดื้อยา TC, DC, SLD และ SLX เป็นส่วนใหญ่
และพบว่าจะดื้อยาที่ความเข้มข้นต่ำคือมีค่า MIC ต่ำ (รูปที่ 9 - 11 และตารางที่
11)

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 10 แสดงอัตราการติดเชื้อ (x) ของเชื้อ E. coli ที่แยกได้จาก คมปกติ คมป่วย ไซโทปกติ ไซโทป่วย และแหล่งน้ำธรรมชาติ

ลำดับรายชื่อ	คมปกติ			คมป่วย	ไซโทปกติ				ไซโทป่วย	แหล่งน้ำธรรมชาติ
	แรกเกิด-18เดือน (10)		รวม (30)		อายุ 3 วัน (18)	1 สัปดาห์ (16)	1 เดือน (16)	รวม (50)		
	20-25 ปี (20)	รวม (30)								
ABP	30.0	30.0	30.0	84.0	0.0	31.2	68.7	32.0	65.0	9.9
OM	0.0	0.0	0.0	10.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
KH	0.0	0.0	0.0	32.0	0.0	12.5	25.0	14.0	20.9	3.3
NH	0.0	0.0	0.0	28.0	5.5	12.5	25.0	12.0	21.0	3.3
SM	0.0	0.0	0.0	66.0	16.6	31.2	68.7	42.0	68.88	6.6
DC	0.0	0.0	0.0	80.0	16.6	18.7	50.0	22.0	70.0	23.3
TC	0.0	10.0	6.7	76.0	5.5	37.5	62.5	34.0	83.0	23.3

() ตัวเลขในวงเล็บเป็นจำนวนเชื้อทดสอบ

ตารางที่ 10 (ต่อ)

ลำดับข้อ	คนปกติ			คนป่วย	โรคปกติ				โรคป่วย	แหล่งนำ ตรวจซ้ำ
	แรกเกิด-18เดือน (10)	20-25 ปี (20)	รวม (30)		อายุ 3 วัน (18)	1 สัปดาห์ (16)	1 เดือน (16)	รวม (50)		
SLD	0.0	30.0	20.0	92.0	50.0	75.0	68.7	64.0	90.0	13.3
SLX	0.0	30.0	20.0	90.0	50.0	75.0	68.7	64.0	90.0	13.3
TMP	0.0	5.0	3.3	82.0	16.7	37.5	88.7	40.0	61.3	0.0
CT	0.0	5.0	3.3	46.0	0.0	25.0	56.2	26.0	52.8	0.0
CP	0.0	10.0	6.7	84.0	11.1	56.3	68.7	34.0	47.88	6.7
TP	0.0	25.0	16.6	78.0	11.1	50.0	56.3	30.0	52.9	6.7
NA	0.0	0.0	0.0	6.0	0.0	0.0	11.5	4.0	3.36	3.3
OA	0.0	0.0	0.0	8.0	0.0	0.0	11.5	4.0	11.76	3.3

() ตัวเลขในวงเล็บเป็นจำนวนแยกสอบ

ตารางที่ 11 แสดงค่า MIC ๕๐ และ MIC ๑๐ ของสายพันธุ์จุลินทรีย์ ต่อเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก สมุนไพร สมุนไพร โทบักโค โทบักโค และแหล่งน้ำธรรมชาติ

สายพันธุ์	สมุนไพร (30)				สมุนไพร (50)		โทบักโค (50)						โทบักโค (119)		แหล่งน้ำธรรมชาติ (30)		
	แรกเกิด - 18 เดือน		20 - 25 ปี		MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	อายุ 3 วัน		อายุ 1 สัปดาห์		อายุ 1 เดือน		MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	
	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐}	
ABP	3.3	>128	13.2	128.0	>128	>128	2.8	6.5	6.3	>128	>128	>128	>128	106.8	>128	2.5	31.6
GM	0.2	0.4	0.3	0.5	0.3	45.0	<0.12	0.39	0.18	0.28	0.17	0.23	0.2	0.4	0.3	0.3	0.5
KM	1.5	2.8	1.5	2.8	6.7	>32.0	0.74	1.62	1.41	>32	1.74	>32	1.5	>32.0	2.6	3.9	
NM	1.3	1.8	1.5	2.8	8.5	>32.0	0.56	1.46	1.10	>32	2.00	>32	1.5	>32.0	1.4	4.0	
SM	2.2	3.5	3.0	5.6	28.97	>32.0	1.78	>32	1.85	>32	11.31	>32	>32.0	>32.0	2.8	5.7	
DC	<0.5	<0.5	1.5	2.0	17.3	55.7	<0.5	4.3	3.4	11.1	8.0	18.4	18.57	97.60	1.4	16.1	
TC	<0.5	<0.5	1.5	4.0	67.2	>128	0.5	9.3	4.0	22.1	10.1	24.2	46.2	>128	1.7	48.7	

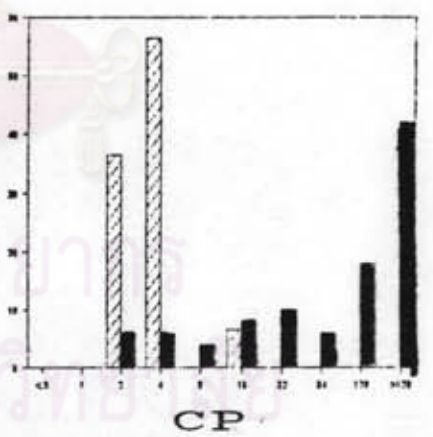
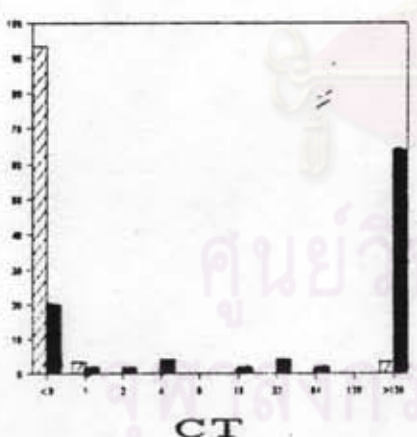
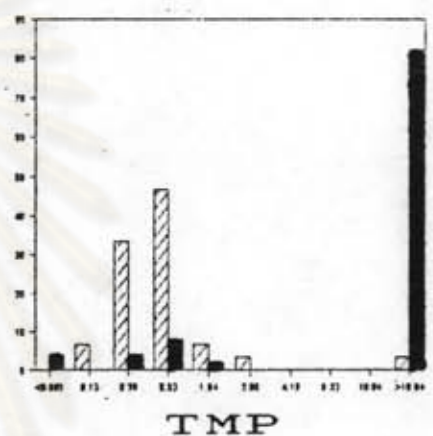
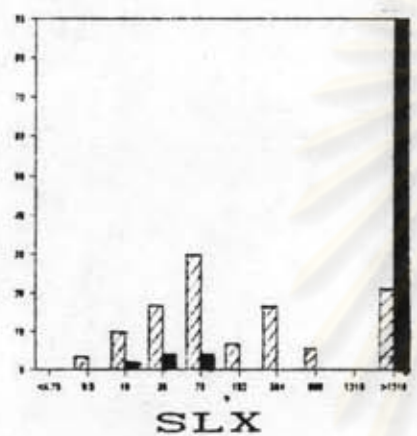
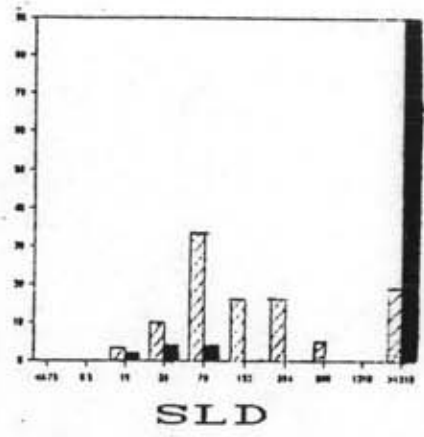
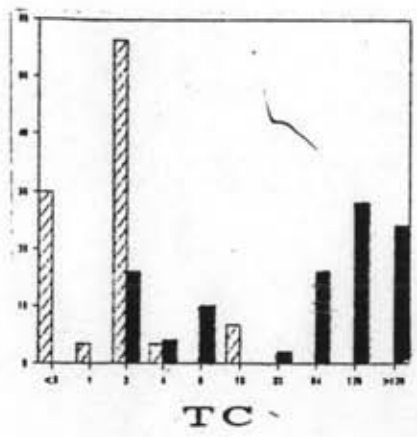
() ค่าเฉลี่ยวงเล็บเป็นจำนวนเชื้อทดสอบ

ตารางที่ 11 (ต่อ)

ลำดับ จุด	คนปกติ (30)			คนป่วย (50)		ทารก (50)						ทารก (119)		แหล่งน้ำ ธรรมชาติ(30)		
	แรกเกิด-18เดือน		MIC _{๕๐} MIC _{๑๐๐}	MIC _{๕๐} MIC _{๑๐๐}	MIC _{๕๐} MIC _{๑๐๐}	อายุ 3 วัน		อายุ 1 สัปดาห์		อายุ 1 เดือน		MIC _{๕๐} MIC _{๑๐๐}	MIC _{๕๐} MIC _{๑๐๐}	MIC _{๕๐} MIC _{๑๐๐}	MIC _{๕๐} MIC _{๑๐๐}	
	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐๐}				MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐๐}	MIC _{๕๐}	MIC _{๑๐๐}					MIC _{๕๐}
SLD	46.6	76.0	173.78	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	6.0	>1216
SLX	23.9	60.3	173.78	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	>1216	4.7	>1216
TMP	0.2	0.3	0.3	1.0	>16.6	>16.6	0.3	>16.6	>16.6	>16.6	>16.6	>16.6	>16.6	>16.6	0.1	0.3
CT	<0.5	<0.5	<0.5	0.5	>128	>128	0.3	0.7	>128	>128	>128	>128	>128	>128	74.9	2.5
CP	1.5	2.0	2.8	4.0	94.1	>128	8.0	8.0	>128	128	>128	128	>128	>128	14.7	4.0
TP	4.9	7.2	6.3	32.0	>128	>128	8.0	8.0	>128	128	>128	128	>128	22.0	4.4	8.1
NA	1.4	1.8	2.7	3.7	1.8	5.6	1.5	3.0	1.0	>64	1.0	>64	1.5	2.0	1.3	1.9
OA	0.09	0.14	0.04	0.14	0.12	0.29	0.11	0.11	0.10	0.10	0.10	>2.56	0.12	1.7	0.14	0.15

() ตัวเลขในวงเล็บแสดงจำนวนเชื้อที่ทดสอบ

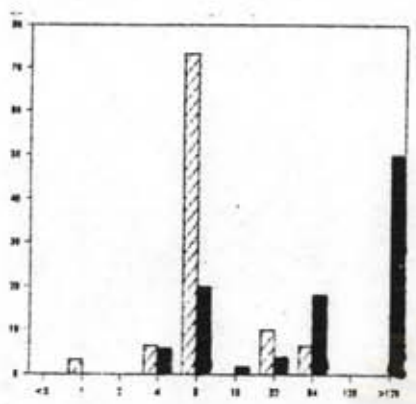
จำนวนเชื้อ (%)



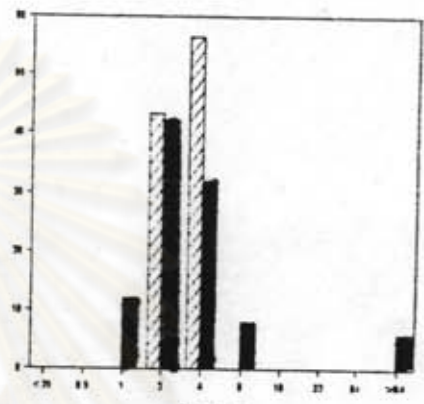
(ug/ml)

รูปที่ 4 ค่า MIC ของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก คนปกติ จำนวน 30 สายพันธุ์ และคนป่วย จำนวน 50 สายพันธุ์

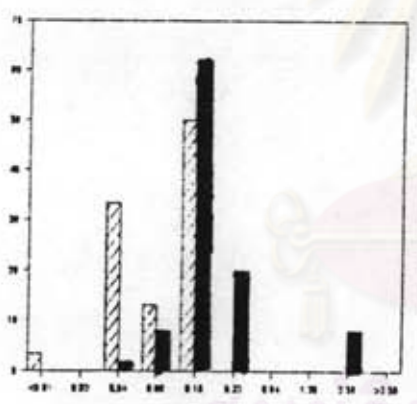
จำนวนเชื้อ (%)



TP





NA



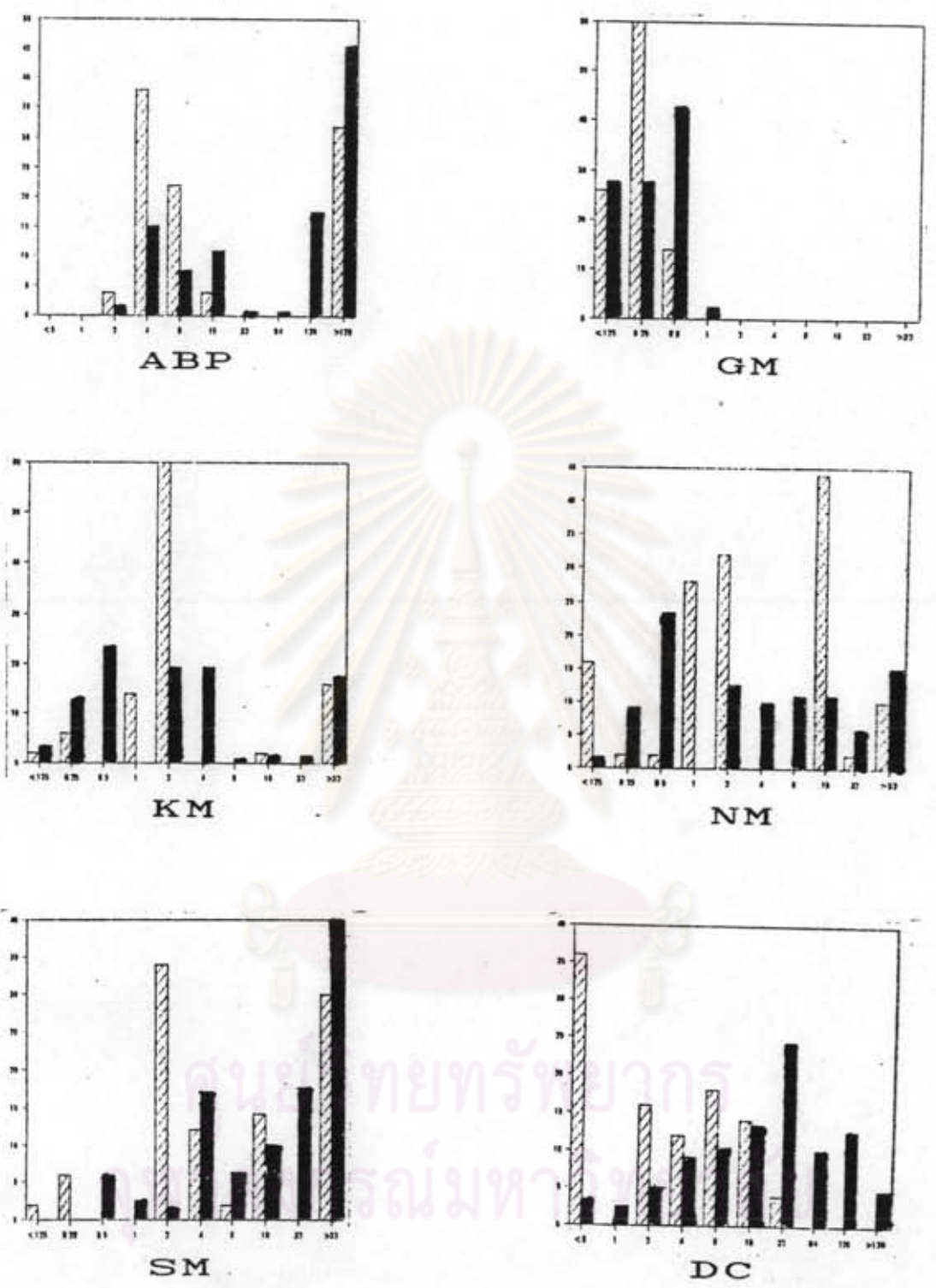
OA

(ug/ml)

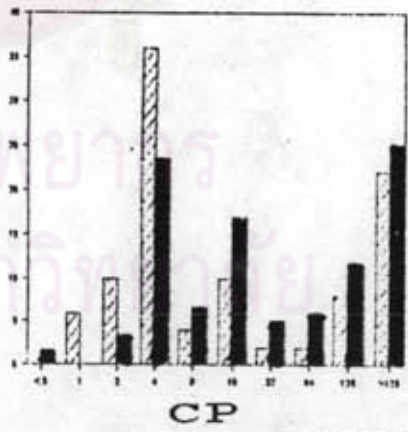
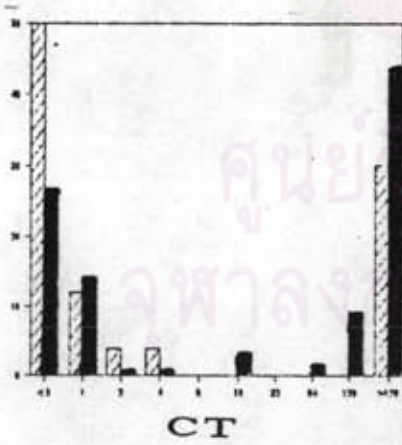
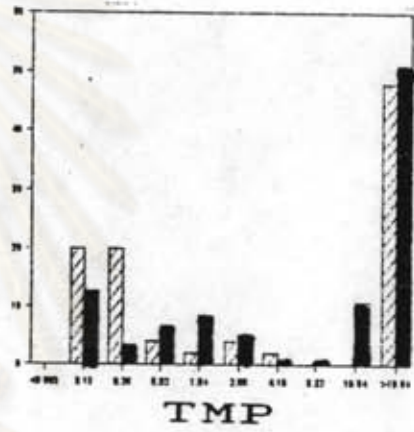
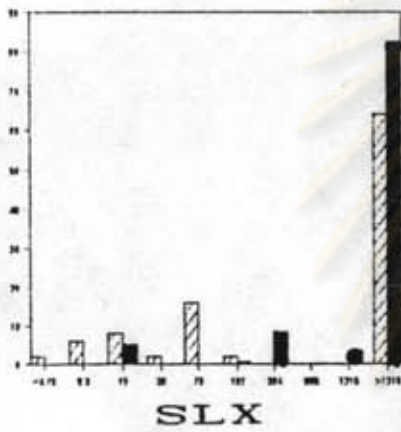
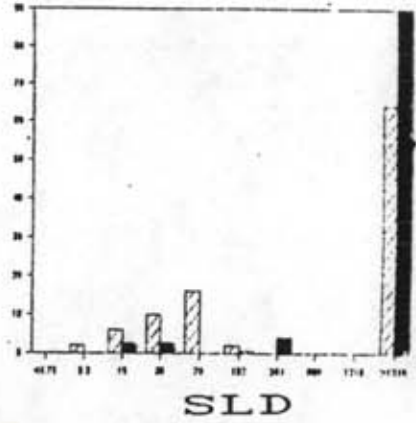
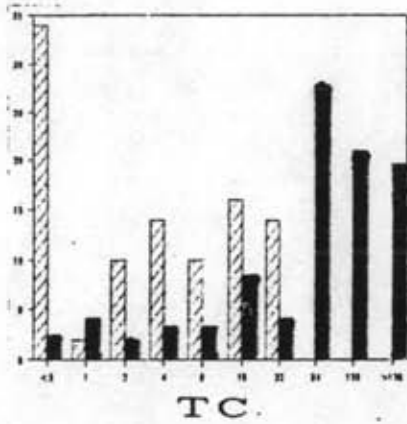
ศูนย์เวชศาสตร์พยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

รูปที่ 5 ค่า MIC ของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก คนปกติ  จำนวน 30 สายพันธุ์ และคนป่วย  จำนวน 50 สายพันธุ์



จำนวนเชื้อ (%)



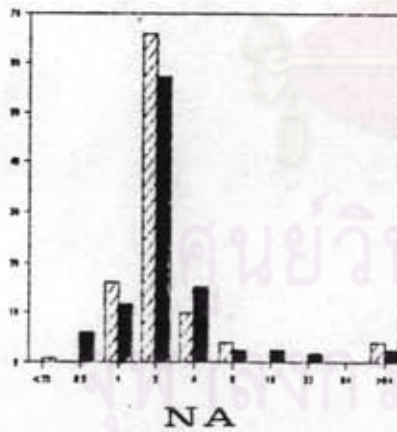
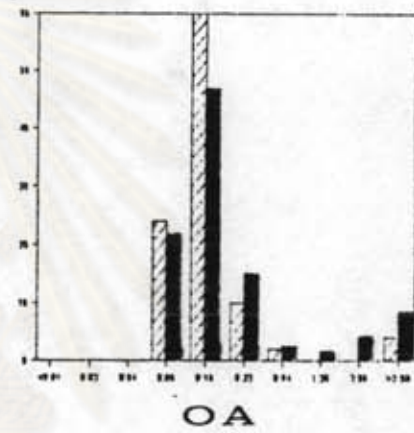
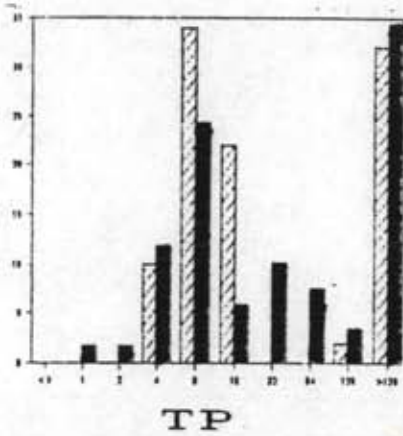
จำนวนเชื้อ (%)





(ug/ml)

รูปที่ 7 ค่า MIC ของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก ไก่ปกติ  จำนวน 50 สายพันธุ์ และไก่ป่วย  จำนวน 119 สายพันธุ์

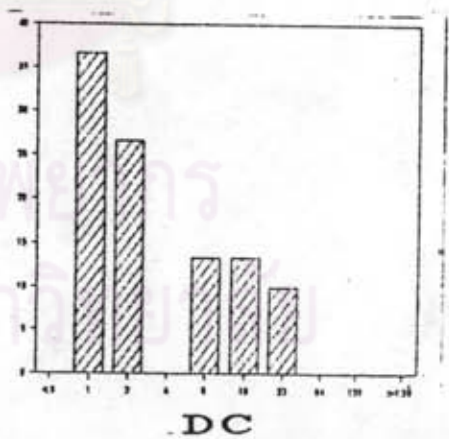
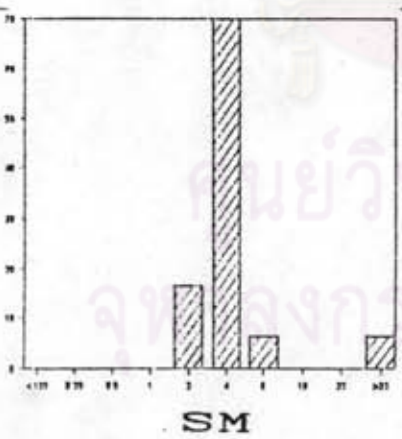
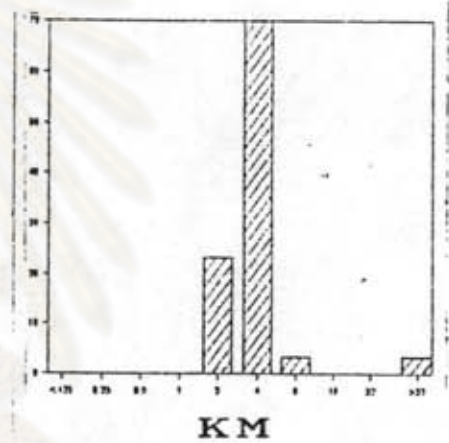
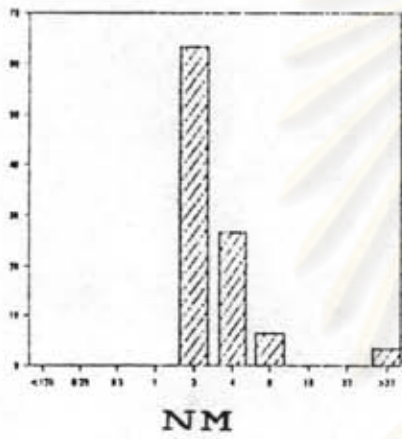
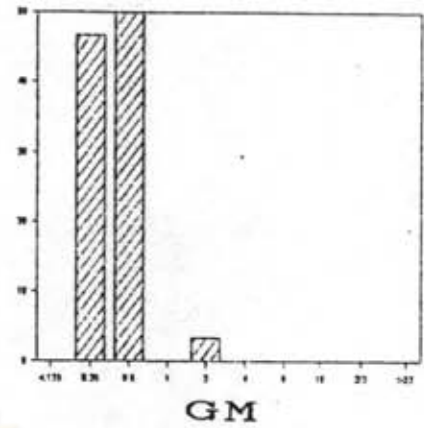
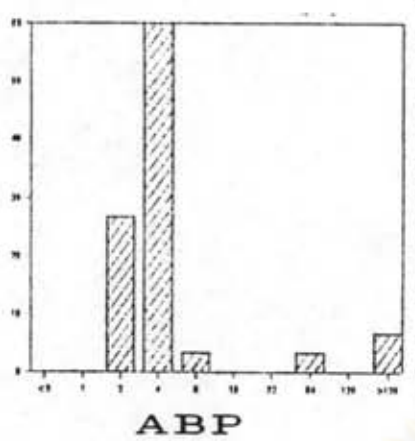
จำนวนเชื้อ (%)



(ug/ml)

รูปที่ 8 ค่า MIC ของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก ไก่ปกติ  จำนวน 50 สายพันธุ์ และไก่ป่วย  จำนวน 119 สายพันธุ์

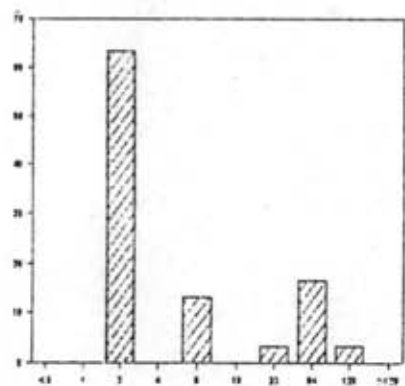
จำนวนเชื้อ (%)



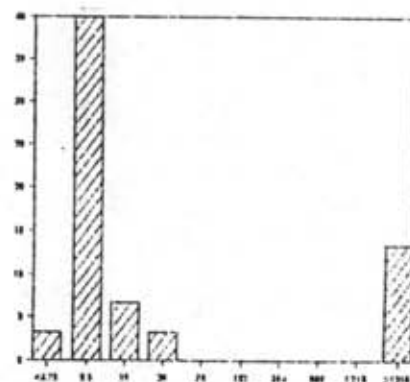
(ug/ml)

รูปที่ 9 ค่า MIC ของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก แหล่งน้ำธรรมชาติ จำนวน 30 สายพันธุ์

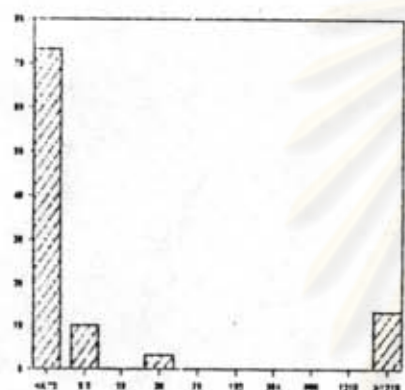
จำนวนเชื้อ (%)



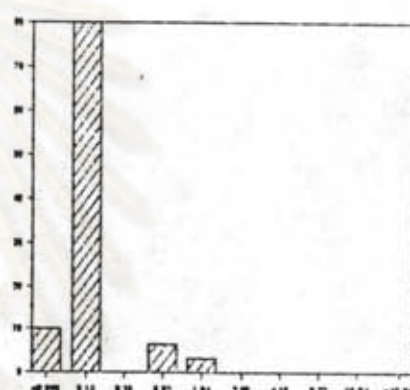
TC



SLD



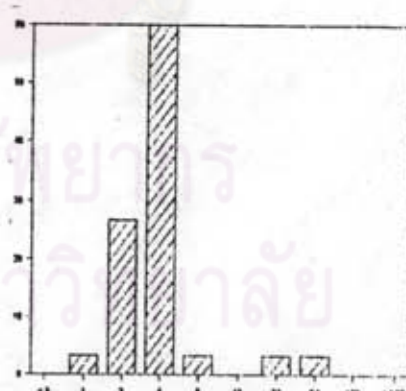
SLX



TMP



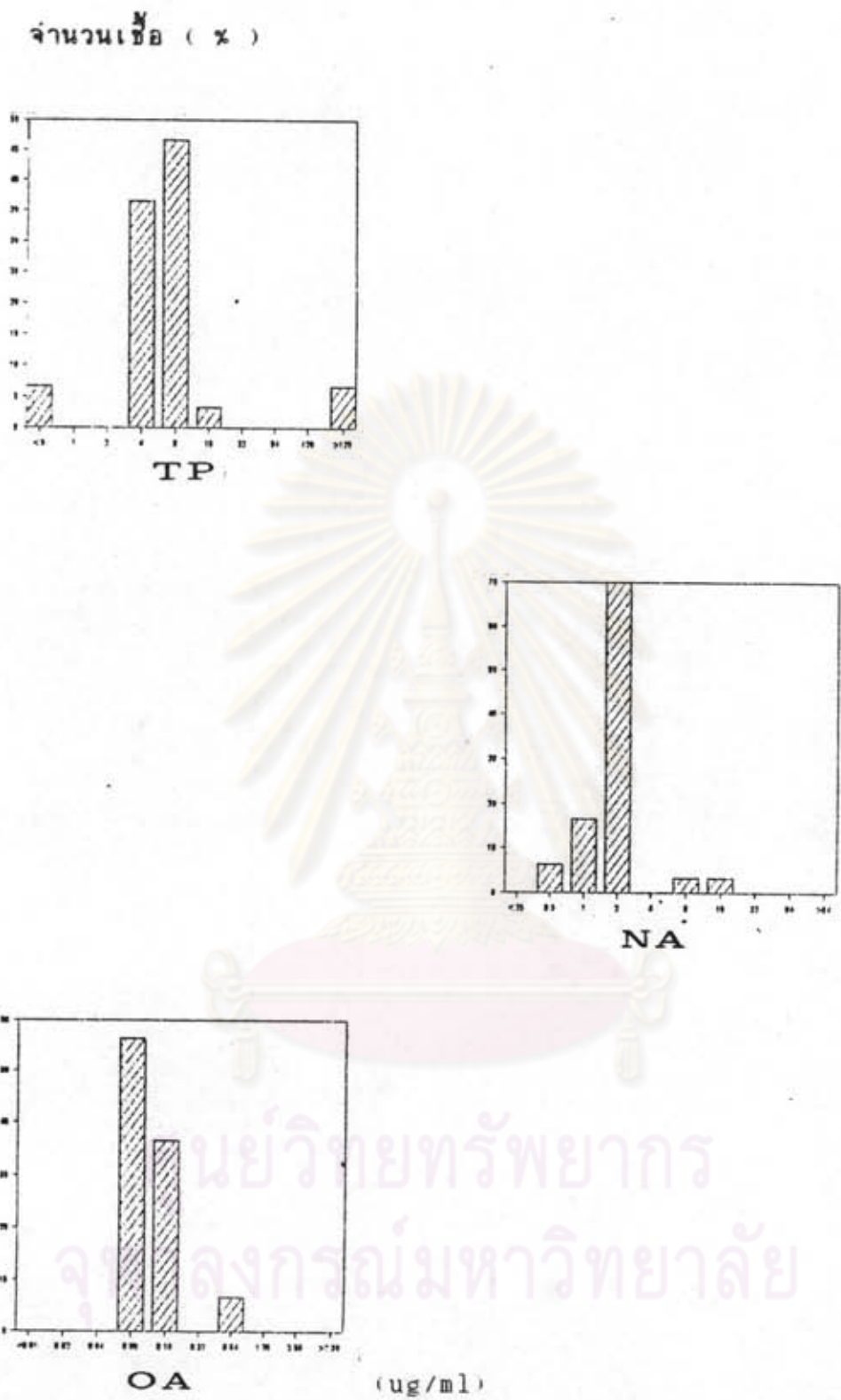
CT



CP

(ug/ml)

รูปที่ 10 ค่า MIC ของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก แหล่งน้ำธรรมชาติ
จำนวน 30 สายพันธุ์



รูปที่ 11 ค่า MIC ของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก แหล่งน้ำธรรมชาติ
จำนวน 30 สายพันธุ์

3. รูปแบบการคื้อฮา

3.1 รูปแบบการคื้อฮาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จากคนป่วยและคนปกติ ผลการศึกษาในรูปแบบการคื้อฮาของเชื้อ *E. coli* จากคนป่วยและคนปกติแสดงในตารางที่ 12 ในคนปกติพบว่าเชื้อ *E. coli* จะคื้อฮาที่ใช้ทดสอบ 46.7 % โดยเกือบครึ่งหนึ่งจะคื้อฮาเพียง 1 ชนิด และที่พบรองมาได้แก่การคื้อฮา 2 ชนิดเท่ากับ 16.7 % และมีเพียง 3.0 % ที่คื้อฮามากกว่า 3 ชนิด การคื้อฮา SLD, SLX เป็นรูปแบบที่พบได้บ่อยในเชื้อที่คื้อฮาตั้งแต่ 2 ตัวขึ้นไป

ในคนป่วยพบว่าเชื้อ *E. coli* จะคื้อฮาหลาย ๆ ชนิด โดยมากกว่าครึ่งหนึ่งของเชื้อทั้งหมด จะคื้อฮาตั้งแต่ 9 ชนิดขึ้นไป โดย 20.0 % จะคื้อฮา 9 ชนิด 22.0 % จะคื้อฮา 10 ชนิดและ 12.0 % จะคื้อฮา 11 ชนิด และมีเพียง 6.0 % ที่คื้อฮาเท่ากับ 3 ชนิดหรือน้อยกว่า

3.2 รูปแบบการคื้อฮาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จากไก่ป่วยและไก่ปกติ ผลการศึกษาในรูปแบบการคื้อฮาของเชื้อ *E. coli* จากไก่ป่วยและไก่ปกติ แสดงในตารางที่ 13 ในไก่ปกติเชื้อ *E. coli* ส่วนใหญ่จะคื้อฮาเพียง 2 - 3 ชนิด โดยพบว่า 20.0 % จะคื้อฮา 2 ชนิด และ 16.0 % จะคื้อฮา 3 ชนิด โดยการคื้อฮา SLD, SLX เป็นรูปแบบที่พบได้บ่อยที่สุดในการคื้อฮา 2 - 3 ชนิด อย่างไรก็ตามก็พบว่าเชื้อถึง 40.0 % ที่คื้อฮาตั้งแต่ 5 ชนิดขึ้นไป

ในไก่ป่วยเชื้อ *E. coli* ส่วนใหญ่จะคื้อฮาหลาย ๆ ชนิดโดยพบว่าเชื้อจำนวน 17.6, 15.1, 14.3 และ 12.6 % คื้อฮา 9, 6, 7 และ 8 ชนิดตามลำดับ และมีเชื้อ เพียง 5.9 % ที่คื้อฮาไม่เกิน 3 ชนิด

3.3 รูปแบบการคื้อฮาของเชื้อที่แยกได้จากแหล่งน้ำธรรมชาติ

ผลการศึกษาในรูปแบบการคื้อฮาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จากแหล่งน้ำธรรมชาติ แสดงในตารางที่ 14 พบว่าเชื้อ *E. coli* ส่วนใหญ่ (56.7%) ัวคื้อฮาที่ใช้ในการทดสอบ ในกลุ่มที่คื้อฮาพบว่าส่วนใหญ่คือ 26.7% คื้อฮาเพียง 1 ชนิด ขณะที่พบว่าเชื้อเพียง 3.3% ที่คื้อฮา 6 ชนิด และที่เหลือ 3.3% คื้อฮา 9 ชนิด

ตารางที่ 12 แสดงรูปแบบการค้อชาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก
คนปกติ (30 สายพันธุ์) และ คนป่วย (50 สายพันธุ์)

รูปแบบการค้อชา	คนปกติ	คนป่วย
	จำนวนสายพันธุ์ (%)	จำนวนสายพันธุ์ (%)
ไม่ค้อชา	16 (53.3)	0
ค้อชา 1 ชนิด	6 (20.0)	0
ABP	6 (20.0)	0
ค้อชา 2 ชนิด	5 (16.7)	1 (2.0)
ABP, TP	1 (3.3)	1 (2.0)
SLD, SLX	4 (13.3)	0
ค้อชา 3 ชนิด	2 (6.7)	2 (4.0)
ABP, SLD, SLX	1 (3.3)	0
ABP, TC, TP	1 (3.3)	0
DC, SM, TC	0	1 (2.0)
DC, TC, TP	0	1 (2.0)
ค้อชา 4 ชนิด	0	2 (4.0)
ABP, DC, TC, TP	0	1 (2.0)
DC, SLD, TC, TP	0	1 (2.0)
ค้อชา 5 ชนิด	0	3 (6.0)
ABP, CT, SLD, SLX, TMP	0	1 (2.0)
ABP, KM, NM, SLD, SLX	0	1 (2.0)
CP, DC, SLD, SLX, TMP	0	1 (2.0)
ค้อชา 6 ชนิด	1 (3.3)	2 (4.0)
ABP, CP, SLD, SLX, SM, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, SLD, SLX, TC, TP	0	1 (2.0)
CT, SLD, SLX, TC, TP, TMP	1 (3.3)	0

ตารางที่ 12 (ต่อ)

รูปแบบการค่อชา	คนปกติ	คนป่วย
	จำนวนสายพันธุ์(%)	จำนวนสายพันธุ์(%)
ค่อชา 7 ชนิด	0	6 (12.0)
ABP, CP, CT, SLD, SLX, TP, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, DC, SLD, SLX, TC, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, SLD, SLX, SM, TC, TP	0	1 (2.0)
ABP, CP, GM, SLD, SLX, SM, TP	0	1 (2.0)
ABP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TMP	0	1 (2.0)
ABP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (2.0)
ค่อชา 8 ชนิด	0	3 (6.0)
ABP, CP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CT, GM, SLD, SLX, SM, TP, TMP	0	1 (2.0)
ค่อชา 9 ชนิด	0	10 (20.0)
ABP, CP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, CT, DC, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, DC, GM, KM, SLD, SLX, SM, TMP	0	2 (4.0)
ABP, CP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	2 (4.0)
ABP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
CP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	2 (4.0)
ค่อชา 10 ชนิด	0	11 (22.0)
ABP, CP, CT, DC, KM, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, CT, DC, NM, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	3 (6.0)

ตารางที่ 12 (ต่อ)

รูปแบบการค้ชช	คนปกติ	คนป่วย
	จำนวนสายพันธุ์(%)	จำนวนสายพันธุ์(%)
ABP, CP, CT, KM, NM, SLD, SLX, SM, TP, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, CT, NA, OA, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	2 (4.0)
ABP, CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TP	0	1 (2.0)
ABP, CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (2.0)
CP, CT, DC, KM, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
^M ค้ชช 11 ชนิด	0	6 (12.0)
ABP, CP, CT, DC, GM, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, CT, DC, NM, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
ABP, CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	4 (8.0)
^M ค้ชช 12 ชนิด	0	3 (6.0)
ABP, CP, CT, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM TC, TP, TMP	0	2 (4.0)
ABP, CP, CT, DC, GM, OA, SLD, SLX, SM TC, TP, TMP	0	1 (2.0)
^M ค้ชช 13 ชนิด	0	1 (2.0)
ABP, CP, CT, DC, NM, NA, OA, SLD, SLX SM, TC, TP, TMP	0	1 (2.0)

ตารางที่ 13 แสดงรูปแบบการคอสซาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จากไก่ปกติ
จำนวน 50 สายพันธุ์ และไก่ป่วย จำนวน 119 สายพันธุ์

รูปแบบการคอสซา	ไก่ปกติ	ไก่ป่วย
	จำนวนสายพันธุ์ (%)	จำนวนสายพันธุ์ (%)
เชื้อไม่คอสซา	7 (14.0)	1 (0.8)
คอสซา 1 ชนิด	3 (6.0)	1 (0.8)
CT	0	1 (0.8)
SM	3 (6.0)	0
คอสซา 2 ชนิด	10 (20.0)	1 (0.8)
ABP, TC	0	1 (0.8)
SLD, SLX	8 (16.0)	0
TC, TMP	2 (4.0)	0
คอสซา 3 ชนิด	8 (16.0)	4 (3.4)
ABP, DC, TC	0	3 (2.5)
CP, SLD, SLX	2 (4.0)	0
CP, TP, TMP	1 (2.0)	0
SLD, SLX, SM	2 (4.0)	0
SLD, SLX, TC	1 (2.0)	1 (0.8)
SLD, SLX, TP	1 (2.0)	0
SLD, SLX, TMP	1 (2.0)	0
คอสซา 4 ชนิด	2 (4.0)	7 (5.9)
ABP, CT, DC, TP	1 (2.0)	0
ABP, CT, SLD, SLX	0	1 (0.8)
ABP, CT, SM, TC	0	1 (0.8)
ABP, SLD, SLX, SM	1 (2.0)	1 (0.8)
ABP, SLD, SLX, TMP	0	1 (0.8)

ตารางที่ 13 (ต่อ)

รูปแบบการตอบ	โก่งปกติ	โก่งปวช
	จำนวนสายพันธุ์ (%)	จำนวนสายพันธุ์ (%)
CT, KM, NM, SM	0	1 (0.8)
SLD, SLX, SM, TP	0	1 (0.8)
SLD, SLX, SM, TMP	0	1 (0.8)
ตอบ 5 ชนิด	1 (2.0)	12 (10.1)
ABP, CT, SLD, SLX, TMP	0	1 (0.8)
ABP, DC, SLD, SLX, TC	0	1 (0.8)
ABP, SLD, SLX, SM, TMP	0	3 (2.5)
CP, DC, SM, TC, TMP	0	1 (0.8)
CP, SLD, SLX, SM, TP	0	1 (0.8)
CT, SLD, SLX, SM, TMP	0	1 (0.8)
DC, SLD, SLX, SM, TC	0	1 (0.8)
DC, SLD, SLX, TC, TP	0	1 (0.8)
DC, SLD, SLX, TC, TMP	0	2 (1.7)
KM, SM, SLD, SLX, SM	1 (2.0)	0
ตอบ 6 ชนิด	5 (10.0)	18 (15.1)
ABP, CP, CT, SLD, SLX, TP	0	1 (0.8)
ABP, CP, CT, SM, TP, TMP	1 (2.0)	0
ABP, CP, DC, SM, TC, TP	0	1 (0.8)
ABP, CP, SLD, SLX, TP, TMP	0	1 (0.8)
ABP, CT, DC, SM, TC, TMP	1 (2.0)	0
ABP, CT, SLD, SLX, SM, TC	0	1 (0.8)
ABP, CT, SLD, SLX, SM, TMP	0	1 (0.8)

ตารางที่ 13 (ต่อ)

รูปแบบการค่อหา	โก่งกคค	โก่งป่ว
	จ่ำนวนส่ำนพันธุ์(%)	จ่ำนวนส่ำนพันธุ์(%)
ABP, DC, SLD, SLX, SM, TC	0	6 (5.0)
ABP, DC, SLD, SLX, TC, TMP	0	1 (0.8)
CP, CT, DC, SLD, TC, TP	0	1 (0.8)
CP, DC, SLD, SLX, TC, TP	0	1 (0.8)
CT, DC, SLD, SLX, TC, TP	0	1 (0.8)
CT, SLD, SLX, SM, TC, TMP	1 (2.0)	0
DC, NA, OA, SLD, SLX, TC	1 (2.0)	0
DC, SLD, SLX, SM, TC, TP	0	1 (0.8)
DC, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
KM, NM, SLD, SLX, SM, TC	1 (2.0)	0
NA, OA, SLD, SLX, TC, TP	0	1 (0.8)
ค่อหา 7 ช่นค	2 (4.0)	17 (14.3)
ABP, CP, CT, SLD, SLX, TP, TMP	1 (2.0)	2 (1.7)
ABP, CP, DC, SLD, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
ABP, CP, DC, SM, TC, TP, TMP	1 (2.0)	0
ABP, CP, SLD, SLX, SM, TP, TMP	0	2 (1.7)
ABP, CT, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	2 (1.7)
ABP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP	0	2 (1.7)
ABP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (0.8)
CP, CT, DC, SLD, SLX, TC, TP	0	2 (1.7)
CP, CT, DC, SLD, SLX, TC, TMP	0	1 (0.8)
CP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	2 (1.7)
CP, DC, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)

ตารางที่ 13 (ต่อ)

รูปแบบการก่อสร้าง	โก่งปกติ	โก่งป่วน
	จำนวนสายพันธุ์(%)	จำนวนสายพันธุ์(%)
CT, DC, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
^M คอก 8 ชั้น	6 (12.0)	15 (12.6)
ABP, CP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC,	1 (2.0)	0
ABP, CP, CT, KM, NM, SM, TC, TP	0	1 (0.8)
ABP, CP, CT, KM, NM, SM, TP, TMP	1 (2.0)	0
ABP, CP, CT, SLD, SLX, SM, TP, TMP	1 (2.0)	0
ABP, CP, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	1 (2.0)	0
ABP, CP, DC, Oa, SLD, SLX, SM, TC	0	1 (0.8)
ABP, CP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP	0	3 (2.5)
ABP, CP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TMP	1 (2.0)	0
ABP, CT, DC, Oa, SLD, SLX, SM, TC	0	1 (0.8)
ABP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	2 (1.7)
ABP, CT, DC, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	2 (1.7)
ABP, CT, NM, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (0.8)
CP, CT, KM, NM, SM, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
CT, DC, Oa, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (0.8)
CT, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TMP	1 (2.0)	1 (0.8)
DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TP	0	1 (0.8)
^M คอก 9 ชั้น	4 (8.0)	21 (17.6)
ABP, CP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP	0	2 (1.7)
ABP, CP, CT, KM, NM, SLD, SLX, TP, TMP	0	1 (0.8)
ABP, CP, CT, DC, SLD, SLX, TC, TP, TMP	3 (6.0)	5 (4.2)
ABP, CP, CT, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)

ตารางที่ 13 (ต่อ)

รูปแบบการก่อสร้าง	โก่งปกติ	โก่งป่วน
	จำนวนสายพันธุ์ (%)	จำนวนสายพันธุ์ (%)
ABP, CP, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	1 (2.0)	2 (1.7)
ABP, CT, DC, KM, NM, SLD, SLX, TC, TMP	0	1 (0.8)
ABP, CT, DC, NM, OA, SLD, SLX, SM, TC	0	1 (0.8)
ABP, CT, DC, OA, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	2 (1.7)
CP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	4 (3.4)
CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (0.8)
CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
คอก 10 ชนิด	2 (4.0)	12 (10.1)
ABP, CP, CT, DC, OA, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (0.8)
ABP, CP, CT, DC, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	5 (4.2)
ABP, CP, CT, KM, NM, SLD, SLX, SM, TP, TMP	1 (2.0)	0
ABP, CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (0.8)
ABP, CP, DC, OA, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
ABP, CT, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TMP	0	1 (0.8)
ABP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
CP, CT, DC, NA, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
CP, CT, NA, OA, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	1 (0.8)
CP, DC, KM, NM, NA, OA, SLD, SLX, TC, TMP	1 (2.0)	0
คอก 11 ชนิด	0	7 (5.9)
ABP, CP, CT, DC, KM, NM, SLD, SLX, TC, TP, TMP	0	2 (1.7)
ABP, CP, CT, DC, OA, SLD, SLX, SM, TC, TP, TMP	0	2 (1.7)

ตารางที่ 13 (ต่อ)

รูปแบบการค้อฮำ	ไถ่ปกติ	ไถ่ปวส
	จำนวนส่ำฮันธุ์(%)	จำนวนส่ำฮันธุ์(%)
ABP, CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC TP, TMP	0	2 (1.7)
CP, CT, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC TP, TMP	0	1 (0.8)
ค้อฮำ 12 ฮันด์	0	3 (2.5)
ABP, CP, CT, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM TC, TP, TMP	0	3 (2.5)

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 14 แสดงรูปแบบการค้อฮาของเชื้อ *E. coli* ที่แยกได้จาก แหล่งน้ำธรรมชาติ จำนวน 30 สายพันธุ์

รูปแบบการค้อฮา	จำนวนสายพันธุ์ (%)
เชื้อไม่ค้อฮา	17 (56.7)
ค้อฮา 1 ชนิด	8 (26.7)
ABP	3 (10.0)
DC	2 (6.7)
SM	1 (3.3)
TC	2 (6.7)
ค้อฮา 2 ชนิด	1 (3.3)
DC, TC	1 (3.3)
ค้อฮา 3 ชนิด	0 (0.0)
ค้อฮา 4 ชนิด	2 (6.7)
DC, SLD, SLX, TC	2 (6.7)
ค้อฮา 5 ชนิด	0
ค้อฮา 6 ชนิด	1 (3.3)
CP, DC, SLD, SLX, TC, TP	1 (3.3)
ค้อฮา 9 ชนิด	1 (3.3)
CP, DC, KM, NM, SLD, SLX, SM, TC, TP	1 (3.3)

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

4. ความสามารถในการถ่ายทอดพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยา

ความสามารถในการถ่ายทอดการดื้อยา จำนวนและรูปแบบการดื้อยาที่ถ่ายทอดแสดงในตารางที่ 15 - 19

4.1 การถ่ายทอดการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* จากคนป่วยและคนปกติ (ตารางที่ 15 - 16)

ในคนป่วย พบว่าเชื้อ *E. coli* จำนวน 16 สายพันธุ์ จากจำนวน 44 สายพันธุ์ (36.4 %) สามารถถ่ายทอดการดื้อยา และพบว่าส่วนใหญ่คือ 81.3 % เป็นพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยา 1 ชนิด 12.5% จะถ่ายทอดพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยา 2 ชนิด และพบ 1 สายพันธุ์ที่ถ่ายทอดพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยาถึง 5 ชนิด โดยรูปแบบการดื้อยาที่ถ่ายทอดคือ ABP, CP, KM, NM, TMP ชนิดของยาที่พบการถ่ายทอดได้บ่อย ได้แก่ การดื้อต่อยา TMP, ABP และ KM

ในคนปกติพบว่าอัตราการถ่ายทอดการดื้อยาค่าโดยพบการถ่ายทอดเพียง 1 สายพันธุ์หรือ 7.7 % และรูปแบบการดื้อยาที่ถ่ายทอดคือ SLX และพบว่าเชื้อทั้งที่แยกจากคนป่วย และคนปกติที่ดื้อต่อยาที่ความเข้มข้นสูง จะมีอัตราการถ่ายทอดการดื้อยาสูงกว่า เชื้อที่ดื้อต่อยาที่ความเข้มข้นต่ำ (ตารางที่ 20)

4.2 การถ่ายทอดการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* จากไก่ป่วยและไก่ปกติ (ตารางที่ 17 - 18)

ในไก่ป่วยพบว่าเชื้อ *E. coli* จำนวน 27 สายพันธุ์ จาก 63 สายพันธุ์ (42.9 %) สามารถถ่ายทอดการดื้อยา และพบว่า 74.1 % เป็นพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยาเพียง 1 ชนิด 22.2% เป็นพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยา 2 ชนิด และพบ 1 สายพันธุ์ (3.7 %) ที่ถ่ายทอดพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยา 4 ชนิดและมีรูปแบบเป็น ABP, CP, DC และ TC ชนิดของยาที่พบการถ่ายทอดการดื้อยาได้บ่อยคือ ABP, KM และ TC

ในไก่ปกติพบว่า อัตราการถ่ายทอดการดื้อยาใกล้เคียงกับในไก่ป่วยคือ 42.9 % และ 33.3 % เป็นพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยา 1 ชนิด 44.4% และ 22.2% เป็นพลาสมิดที่ควบคุมการดื้อยา 2 และ 3 ชนิดตามลำดับ ชนิดยาที่พบการถ่ายทอดการดื้อยาได้บ่อยคือ KM, ABP, TMP และ CP โดยพบว่าเชื้อที่ดื้อต่อยาที่ความ

เข้มข้นสูงจะมีอัตราการถ่ายถอดการดื้อยาสูงกว่า เชื้อที่ดื้อยาที่ความเข้มข้นต่ำ (ตารางที่ 20)

4.3 การถ่ายถอดการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* จากแหล่งน้ำธรรมชาติ
จากจำนวนเชื้อ *E. coli* ที่ดื้อยาชนิดต่างๆจำนวน 8 สายพันธุ์
ไม่พบการถ่ายถอดการดื้อยา (ตารางที่ 19)

โดยสรุปแล้วประมาณ 1 ใน 3 (35.6 %) ของเชื้อที่นำมาทดสอบการ
ถ่ายถอดการดื้อยาทั้งหมด สามารถถ่ายถอดการดื้อยาโดยรูปแบบการถ่ายถอดส่วนใหญ่จะ
ถ่ายถอดการดื้อยา 1, 2 และ 3 ชนิดตามลำดับ และยาที่พบการถ่ายถอดได้บ่อย ได้แก่
TMP, ABP และ KM และเชื้อที่ดื้อยาที่ความเข้มข้นสูง จะมีอัตราการถ่ายถอดการดื้อ
ยาสูงกว่าเชื้อที่ดื้อยาที่ความเข้มข้นต่ำ (ตารางที่ 20)

5. การศึกษาเปรียบเทียบความสามารถในการถ่ายถอดการดื้อยาของเชื้อที่ดื้อยาที่ความ
เข้มข้นสูงกับ เชื้อที่ดื้อยาที่ความเข้มข้นต่ำ

ผลการศึกษาอัตราการถ่ายถอดการดื้อยาเปรียบเทียบกันระหว่างกลุ่มเชื้อที่ดื้อ
ยาที่มีความเข้มข้นสูงกับกลุ่มเชื้อที่ดื้อยาที่มีความเข้มข้นต่ำ พบว่ากลุ่มเชื้อที่ดื้อยาที่มีความ
เข้มข้นสูง จะมีอัตราการถ่ายถอดการดื้อยาสูงกว่า

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 15 การถ่ายทอดการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* จาก คนปาว
จำนวน 44 สายพันธุ์

รูปแบบการดื้อยา	จำนวนเชื้อ	จำนวนและรูปแบบการดื้อยาที่ถ่ายทอด
CT	2	0
TC	1	0
ABP, CT	1	0
CP, TC	1	0
CT, SLX	2	CT (1)
CT, TMP	1	0
DC, TC	2	0
KM, NM	1	0
ABP, CP, TMP	1	0
CP, CT, SLX	1	SLX (1)
ABP, CP, CT, TMP	1	TMP (1)
ABP, CP, DC, TMP	1	0
ABP, CP, KM, TMP	1	0
ABP, CP, SLX, TMP	1	0
CP, CT, SLX, TC	1	0
CP, CT, KM, SLX	1	0
CT, SLX, TC, TMP	1	TMP (1)
ABP, CP, CT, SLX, TMP	3	TMP (1)
ABP, CP, CT, TC, TMP	1	ABP (1)
ABP, CP, KM, NM, SLX	1	KM (1)
ABP, CT, DC, SLX, TMP	1	ABP, TMP (1)
ABP, CT, SLX, TC, TMP	1	TMP (1)


ตารางที่ 15 (ต่อ)

รูปแบบการค้ำช้ำ	จำนวนเชื้อ	จำนวนและรูปแบบการค้ำช้ำที่นำช้
CT, DC, KM, NM, SLX	1	0
ABP, CP, CT, NM, SLX, TMP	1	0
ABP, CP, CT, SLX, TC, TMP	3	TC (1)
ABP, CP, DC, KM, SLX, TC	1	0
ABP, CT, KM, NM, TC, TMP	1	ABP (1)
ABP, CP, CT, DC, SLX, TC, TMP	1	0
ABP, CP, CT, NM, SLX, TC, TMP	1	ABP (1)
CP, CT, DC, KM, NM, SLX, TC	1	CP (1)
ABP, CP, CT, DC, KM, NM, SLX, TMP	3	KM(1), NM, TMP(1) ABP, CP, KM, NM(1) TMP (1)
ABP, CP, CT, KM, NM, SLX, TC, TMP	2	0
ABP, CP, DC, KM, NM, SLX, TC, TMP	1	0
ABP, CP, CT, DC, KM, NM, SLX, TC, TMP	1	0

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 16 การถ่ายทอดการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* จากคนปกติ
จำนวน 13 สายพันธุ์

รูปแบบการดื้อยา	จำนวนเชื้อ	จำนวนและรูปแบบการดื้อยาที่ถ่ายทอด
ABP	5	0
SLX	6	SLX (1)
ABP, SLX	2	0



ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 17 การถ่ายทอดการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* จาก ไก่ป่วส
จำนวน 63 สายพันธุ์

รูปแบบการดื้อยา	จำนวนเชื้อ	จำนวนและรูปแบบการดื้อยาที่ถ่ายทอด
CT	2	0
NM	1	0
TC	2	TC (2)
TMP	1	0
CP, TC	2	0
DC, TC	2	DC, TC (1)
KM, NM	1	0
KM, SLX	1	KM (1)
NM, SLX	1	0
NM, TMP	1	0
TC, TMP	1	0
ABP, CP, DC	1	ABP (1)
ABP, CP, SLX	1	0
ABP, CP, TMP	4	ABP (1)
ABP, CT, SLX	1	CT, SLX (1)
ABP, DC, TMP	2	0
ABP, SLX, TMP	1	0
CP, TC, TMP	1	0
CT, DC, TMP	2	DC (1)
CT, KM, NM	1	KM (1)
DC, SLX, TC	1	TC (1)
ABP, CP, CT, SLX	1	ABP, CP (1)
ABP, CP, DC, TMP	1	DC (1)

ตารางที่ 17 (ต่อ)

รูปแบบการก่อสร้าง	จำนวนเชื้อ	จำนวนและรูปแบบการก่อสร้างที่ถ่ายทอด
CP, DC, TC, TMP	1	0
CT, DC, SLX, TC	2	CT (1)
CT, KM, NM, SLX	4	0
KM, NM, SLX, TC	1	0
KM, SLX, TC, TMP	1	KM, SLX (1)
ABP, CP, CT, DC, TC	2	ABP (1)
ABP, CP, DC, TC, TMP	1	0
ABP, CP, KM, NM, TMP	4	TMP (1)
ABP, CP, SLX, TC, TMP	1	0
CT, DC, NM, SLX, TC	1	SLX (1)
CT, DC, KM, TC, TMP	1	0
CT, KM, NM, SLX, TMP	1	TMP (1)
ABP, CP, CT, DC, SLX, TMP	2	CP, TMP (1)
		TMP (1)
ABP, CP, KM, NM, SLX, TMP	1	ABP (1)
CP, DC, KM, NM, TC, TMP	1	KM (1)
ABP, CP, CT, DC, SLX, TC, TMP	1	0
ABP, CP, KM, NM, SLX, TC, TMP	1	TC (1)
CP, DC, KM, NM, SLX, TC, TMP	1	CP (1)
CP, CT, DC, KM, NM, TC, TMP	1	0
ABP, CP, CT, KM, NM, SLX, TC, TMP	1	TMP (1)
ABP, CP, DC, KM, NM, SLX, TC, TMP	1	ABP, CP, DC, TC (1)
ABP, CP, CT, DC, KM, NM, SLX, TC, TMP	1	ABP, KM (1)

ตารางที่ 18 การถ่ายทอดการดื้อยาของเชื้อ *E. coli* จาก ไก่ปกติ
จำนวน 21 สายพันธุ์

รูปแบบการดื้อยา	จำนวนเชื้อ	จำนวนและรูปแบบการดื้อยาที่ถ่ายทอด
CP	1	0
TMP	1	TMP (1)
ABP, TMP	2	0
CP, CT	1	0
KM, NM	1	KM (1)
ABP, CP, TMP	1	0
ABP, CT, TMP	1	0
CT, SLX, TMP	2	0
KM, NM, SLX	1	NM, SLX (1)
ABP, CP, CT, SLX	1	0
ABP, CP, CT, TMP	1	TMP (1)
ABP, CP, SLX, TMP	1	0
ABP, CP, CT, SLX, TMP	2	CP, SLX, TMP (1)
ABP, CP, KM, SLX, TMP	1	0
CP, KM, NM, SLX, TMP	1	CP, KM (1)
ABP, CP, CT, KM, NM, TMP	1	ABP, NM (1)
ABP, CP, CT, KM, NM, SLX, TMP	2	ABP, KM (1) ABP, CP, KM (1)

ตารางที่ 19 การดําษทอคการคอสําของเชอ *E. coli* จาก แหลงนํ้าธรรมชาต
จํานวน 8 สําสพันซ์

รูปแบบการคอสํา	จํานวนเชอ	จํานวนและรูปแบบการคอสําที่ดําษทอค
ABP	2	0
TC	2	0
TC, SLX	3	0
CP, KM, NM, SLX, TC	1	0

ศูนย์วิทยทรพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาฬย

ตารางที่ 20 เปรียบเทียบ อัตราการถ่ายทอดการคือหาแต่ละชนิด ที่ความเข้มข้นสูง และ ความเข้มข้นต่ำ

สถานี จุดชีพ	อัตราการถ่ายทอดการคือหา											
	ที่ความเข้มข้นสูง						ที่ความเข้มข้นต่ำ					
	ก	ข	ค	ง	จ	รวม	ก	ข	ค	ง	จ	รวม
ABP	0/5*	5/30	3/13	6/21	0/2	14/71	0/3	0/0	0/0	0/7	0/0	0/17
CP	0/0	3/19	3/8	2/17	0/0	8/44	0/0	3/13	0/5	0/15	0/1	3/34
CT	0/0	2/22	1/12	2/23	0/0	5/57	0/0	0/9	0/0	1/4	0/0	1/13
DC	0/0	0/0	0/0	3/12	0/0	3/12	0/0	0/16	0/0	1/18	0/0	1/34
KH	0/0	3/13	4/7	3/23	0/1	10/44	0/0	0/3	0/0	0/4	0/0	0/7
NH	0/0	2/6	2/5	2/19	0/1	6/31	0/0	0/8	0/1	0/7	0/0	0/16
SLX	1/4	2/31	1/10	3/25	0/4	7/74	0/6	0/0	0/0	0/6	0/0	0/12
TC	0/0	1/9	0/0	5/10	0/0	6/19	0/0	0/15	0/0	1/19	0/6	1/40
TMP	0/0	8/29	3/18	5/32	0/0	16/79	0/0	0/0	0/0	0/7	0/0	0/7

ก = เชื้อที่แยกได้จาก คนปกติ

ข = เชื้อที่แยกได้จาก คนป่วย

ค = เชื้อที่แยกได้จาก ไก่ปกติ

ง = เชื้อที่แยกได้จาก ไก่ป่วย

จ = เชื้อที่แยกได้จาก แหล่งน้ำธรรมชาติ

* จำนวนเชื้อที่ถ่ายทอด/จำนวนเชื้อที่ใช้ทดสอบ