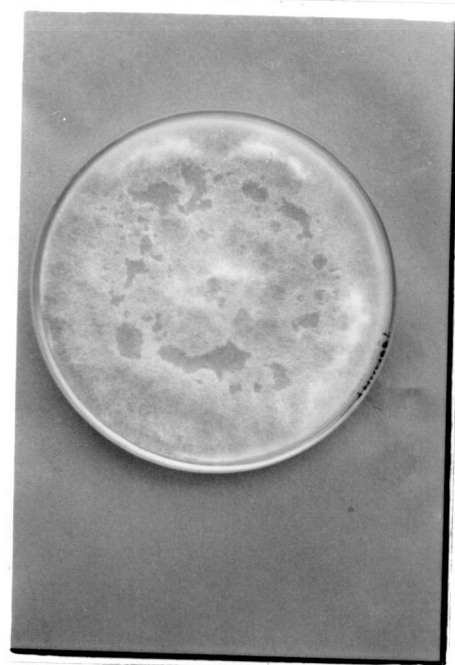


บทที่ 3

ผลการทดลองและวิจารณ์

1. สายพันธุ์เห็ดที่ใช้ในการทดลอง และการทำกล้าเชื้อ

เลี้ยงสายใยของเห็ดโคนลักษณะดังรูป 1.1 และเห็ดฟางลักษณะดังรูป 1.2 บนอาหาร
พีดีเอ ที่อุณหภูมิห้อง (30 ± 2 ° ซ.) เป็นเวลา 5-7 วัน สายใยจะเจริญเต็มผิวหน้าอาหารแข็ง
เตรียมสายใยเหล่านี้ไว้เป็นกล้าเชื้อ



รูปที่ 1.1 แสดงสายใยของเห็ดโคน บนพีดีเอ

รูปที่ 1.2 แสดงสายใยเห็ดฟาง บนพีดีเอ

2. การเตรียมสายใยในอาหารเหลว

2.1 อัตราการเจริญของเห็ดโคนในอาหารเหลว

ผลการเจริญของเห็ดโคนในอาหารเหลวนิติบิ ได้แสดงไว้ในรูปที่ 2 พบว่าน้ำหนักของสายใยในวันที่ 1 ถึง 4 มีการเพิ่มซึ่งอยู่ในช่วงระยะทวีคูณ (log phase) น้ำหนักสดประมาณ 0.0056-0.007 กรัม/มล. สำหรับวันที่ 4 น้ำหนักสดของสายใยสูงสุด 0.01 กรัม/มล. และน้ำหนักสดของสายใยช่วงวันที่ 7-9 จะถึงช่วงคงที่ (stationary phase) 0.0107-0.0109 กรัม/มล. ในการเตรียมโปรโตพลาสต์พบว่า อายุของสายใยที่เหมาะสมคือ การเจริญของเซลล์ในช่วงระยะทวีคูณ จึงเลือกอายุของสายใย 4 วันเตรียมโปรโตพลาสต์ ซึ่งผลที่ได้สอดคล้องกับรายงานของ Peberdy and Ferenczy (1985)

2.2 การเตรียมสายใยเห็ดฟางในอาหารเหลว

ผลจากการเลี้ยงสายใยเห็ดฟางในอาหารเหลวนิติบิ ซึ่งมีการเติมลูกแก้วเส้นผ่าศูนย์กลาง 0.3 ซม. ลงไปด้วย ทำให้การกระจายของสายใยดีขึ้น โดยบ่มบนเครื่องเขย่าอุณหภูมิห้อง ที่ความเร็ว 200 รอบ/นาที นาน 4 วัน พบว่าสายใยกระจายทั่วได้ น้ำหนักสดประมาณ 0.12 กรัม/มล. ซึ่งผลการทดลองที่ได้ น้ำหนักสายใยในวันที่ 4 จะต่ำกว่าผลการทดลองของ วิรวรรณ และสมาลี (2534) ในการเลี้ยงสายใยเห็ดฟางที่ภาวะเดียวกัน ซึ่งพบว่าน้ำหนักสดของสายใยในวันที่ 4 จะได้ประมาณ 0.2 กรัม/มล.

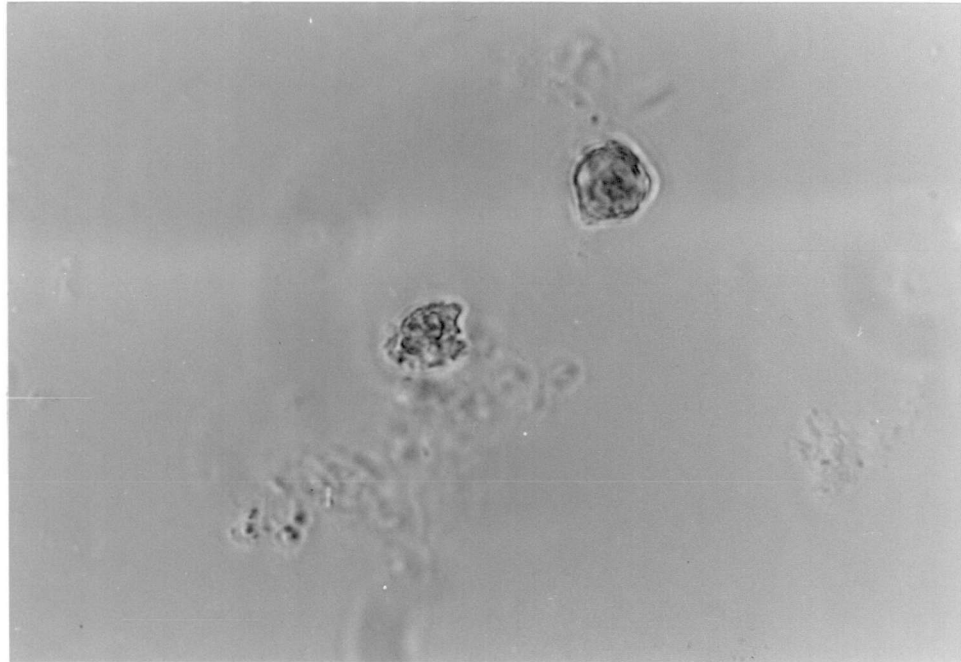
3. การเตรียมโปรโตพลาสต์จากสายใยเห็ดโคน

3.1 ชนิดและความเข้มข้นของเอนไซม์

3.1.1 เอนไซม์ชนิดเดียว

ผลการนับจำนวนโปรโตพลาสต์ที่มีลักษณะดังรูปที่ 3 เกิดจากการบ่มสายใยกับเอนไซม์

เดี่ยว 4 ชนิดคือ โนวัวไซม์ 188 เบตา-กลูคูโรนิเดส โซไมไลเอส และไลซิงเอนไซม์ ซึ่งเอนไซม์แต่ละชนิดมีการแปรความเข้มข้น

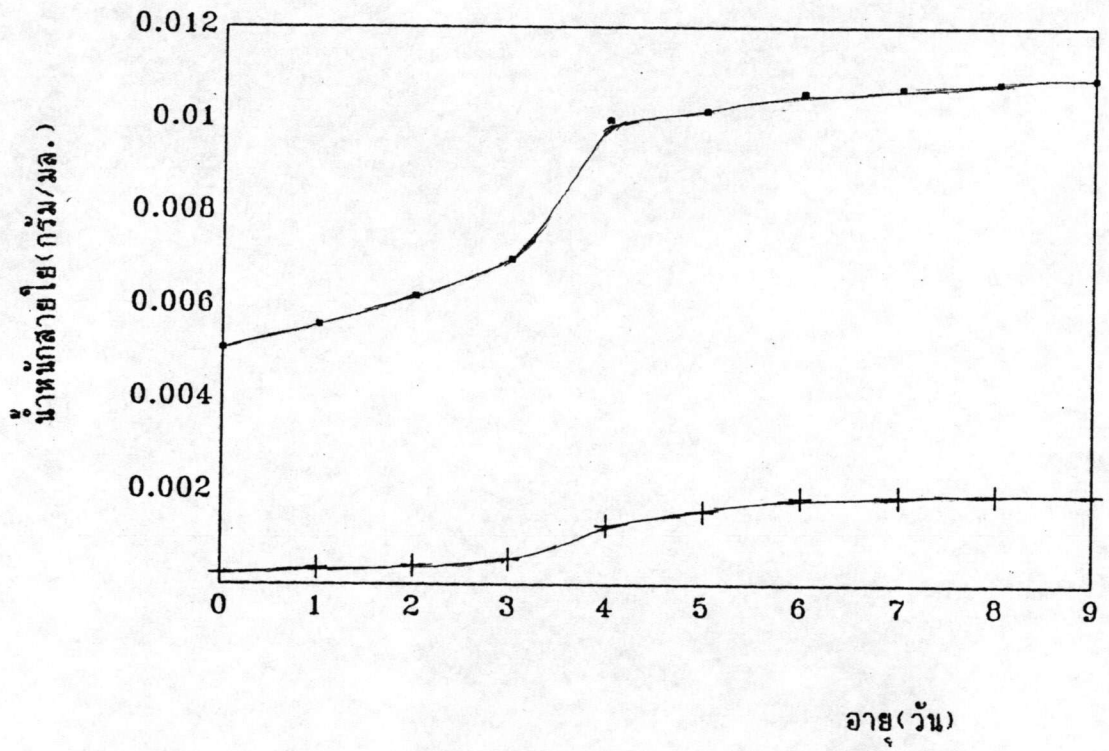


รูปที่ 3 แสดงโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน กำลังขยาย 400 เท่า

การใช้เอนไซม์โนวัวไซม์ 188 แสดงในรูปที่ 4 ผลการนับจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดขึ้นในเวลาต่างๆของการบ่ม พบว่าโนวัวไซม์ความเข้มข้น 20% บ่มเป็นเวลา 4 ชม. ได้จำนวนโปรโตพลาสต์สูงสุดเท่ากับ 7×10^4 เซลล์/มล. จากสายใยสดน้ำหนัก 500 มก.

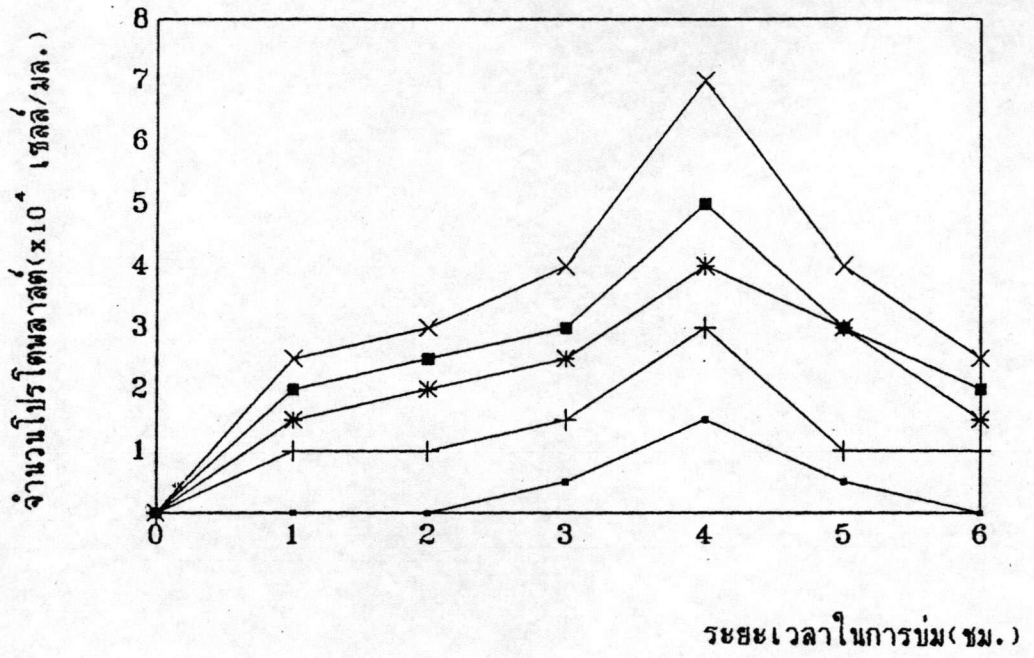
การใช้เบตา-กลูคูโรนิเดสในการเตรียมโปรโตพลาสต์โดยแปรความเข้มข้น ดังแสดงในรูปที่ 5 พบว่าจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดได้สูงสุด 3.5×10^4 เซลล์/มล. โดยใช้สายใยน้ำหนักสด 500 มก. จะเกิดในชั่วโมงที่ 4 ของการบ่มที่อุณหภูมิ 30° ซ. ที่ความเข้มข้นของเบตา-กลูคูโรนิเดสเท่ากับ 4 มก./มล.

จากรูปที่ 6 แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากการใช้เอนไซม์โซไมไลเอส ซึ่งแปรผันความเข้มข้น 0.2 0.5 1 2 และ 4 บ่มกับสายใยเห็ดโคนที่มีน้ำหนักสด 500 มก. อายุ 4 วัน



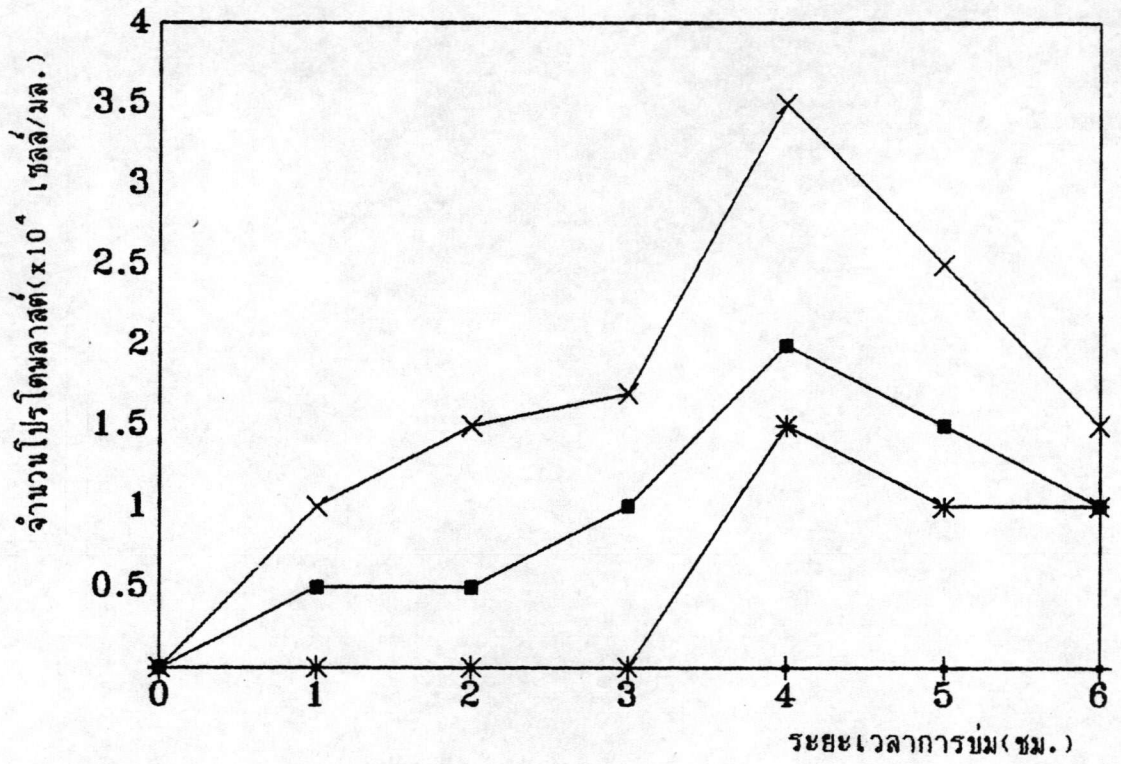
รูปที่ 2 แสดงการเจริญเติบโตของสายใยเห็ดโคนในอาหารชนิดบี อุณหภูมิห้องที่ความเร็ว 200 รอบ/นาที

■ น้ำนักสด
+ น้ำนักแห้ง



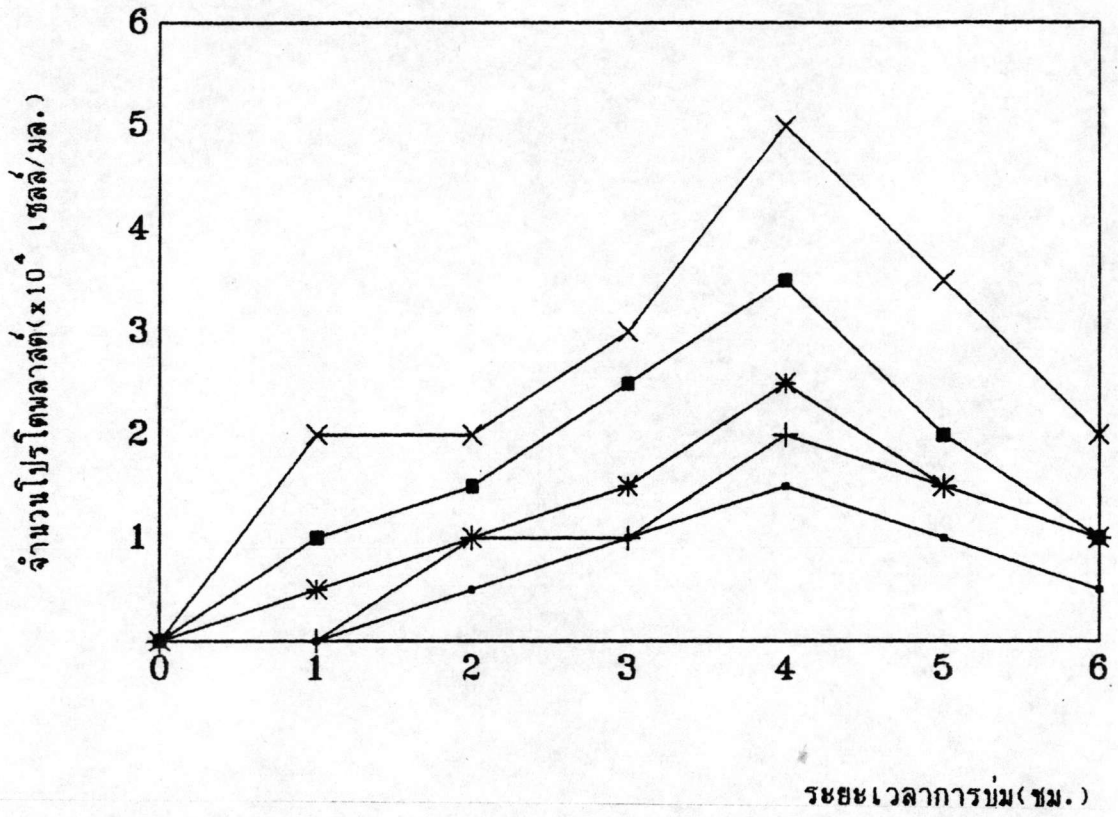
รูปที่ 4 แสดงจำนวนโปรตีนเลสท์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้เอนไซม์โนโวไซม์ 188 ที่ความเข้มข้น 2.5-20%

- 2.5%
- + 5.0%
- * 10%
- 15%
- × 20%



รูปที่ 5 แสดงจำนวนโปรตอนลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคนโดยใช้เบตา-กลูโคโรนิตเอส ที่ความเข้มข้น 0.2-4 มก/มล.

- 0.2 มก/มล.
- + 0.5 มก/มล.
- * 1.0 มก/มล.
- 2.0 มก/มล.
- x 4.0 มก/มล.



รูปที่ 6 แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้ไซโมไลเอส ที่ความเข้มข้น 0.2-4 มก/มล.

- 0.2 มก/มล.
- + 0.5 มก/มล.
- * 1.0 มก/มล.
- 2.0 มก/มล.
- × 4.0 มก/มล.

พบว่าจำนวนโปรโตพลาสต์เกิดขึ้น 5×10^4 เซลล์/มล. เป็นจำนวนสูงสุดเกิดในชม.ที่ 4 ของการบ่ม โดยใช้ไซโมไลเอสความเข้มข้น 4 มก/มล. ผลการทดลองนี้สอดคล้องกับงานวิจัยของ วิรวุฒิและสุมาลี (2534) ที่เตรียมโปรโตพลาสต์จากสาหร่ายเห็ดนาง โดยไซโมไลเอส ความเข้มข้น 0.2 มก/มล. พบว่าเมื่อบ่มเป็นเวลา 4 ชม. จะพบโปรโตพลาสต์สูงสุด 6.5×10^4 เซลล์/มล.

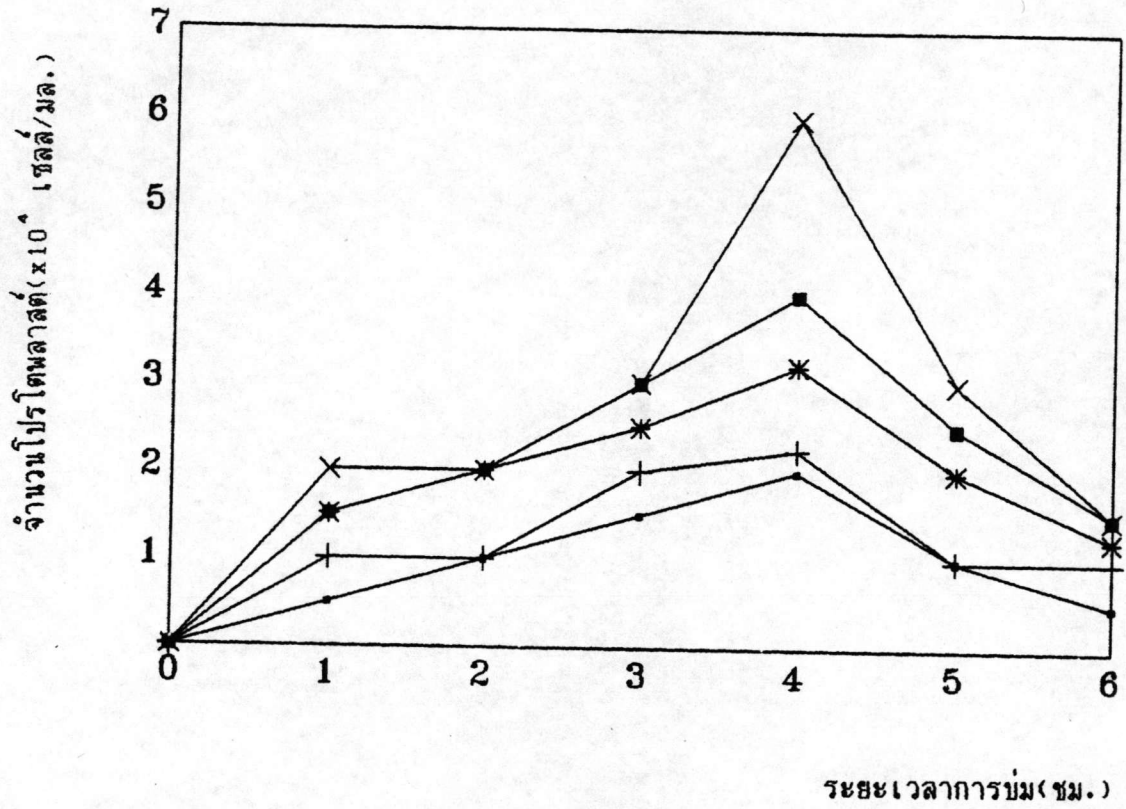
จำนวนโปรโตพลาสต์ ที่เกิดจากการบ่มสาหร่ายเห็ดโคน 500 มก. ด้วยเอนไซม์ไลซิงเอนไซม์ที่แปรความเข้มข้นเท่ากับ 0.2 0.5 1 2 และ 4 แสดงในรูปที่ 7 พบว่าไลซิงเอนไซม์ที่ ความเข้มข้น 4 มก/มล. ทำให้เกิดโปรโตพลาสต์ได้สูงสุด 6×10^4 เซลล์/มล. ในชม.ที่ 4 ของการบ่ม

จำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากการใช้เอนไซม์เดี่ยว 4 ชนิด คือ โนโวไซม์ 188 เบตา-กลูคูโรนิเตส ไซโมไลเอส และไลซิงเอนไซม์ พบว่า โนโวไซม์ความเข้มข้น 20 % ให้โปรโตพลาสต์มากที่สุด 7×10^4 เซลล์/มล. ดังผลแสดงในรูปที่ 8

3.1.2 เอนไซม์ผสม

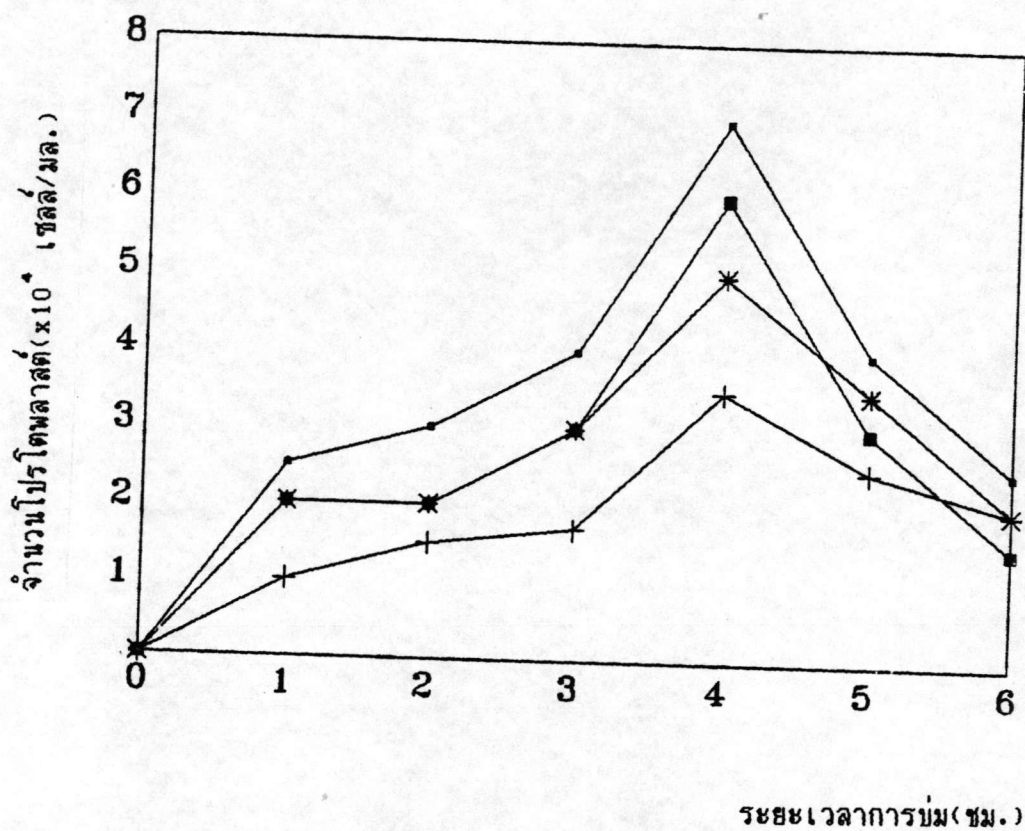
การใช้เอนไซม์ผสมเป็นคู่ระหว่างโนโวไซม์-เซลลูเลส เบตา-กลูคูโรนิเตส-เซลลูเลส ไซโมไลเอส-เซลลูเลส และไลซิงเอนไซม์-เซลลูเลส ได้ผลดังนี้

ผลของการใช้เอนไซม์ผสมระหว่าง โนโวไซม์ 188 20% กับแปรผันความเข้มข้นของเซลลูเลสที่ 1 และ 2 มก/มล. แสดงไว้ในรูปที่ 9 โดยใช้สาหร่าย 500 มก. ที่อุณหภูมิ 30° ซ. พบว่าจำนวนโปรโตพลาสต์ในชม. 3 ของการบ่มจะได้จำนวนสูงสุด 2.25×10^5 เซลล์/มล. และเมื่อใช้เอนไซม์ผสมของโนโวไซม์กับเซลลูเลส 2 มก/มล. จำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดขึ้นจะมากกว่าจำนวนโปรโตพลาสต์ ที่เกิดจากการใช้เอนไซม์โนโวไซม์เดี่ยวประมาณ 1.85×10^5 เซลล์/มล. เมื่อบ่มในเวลานานเท่ากัน ซึ่งสอดคล้องกับการวิจัยของ Mukherjee and Sengupta (1988) เกี่ยวกับการใช้เอนไซม์ชนิดเดี่ยวและชนิดผสมในการเตรียมโปรโตพลาสต์จาก *Termitomyces clypeatus* พบว่าสาหร่ายที่มีน้ำหนักแห้ง 200 มก. ย่อยสลายด้วยสารละลายเอนไซม์ผสมของโนโวไซม์ 234 ความเข้มข้น 10 มก/มล. เซลลูเลส 6 U/มล. และ โคติเนส 4 U/มล. ที่อุณหภูมิ 30° ซ. เกิดโปรโตพลาสต์ 2.3×10^5 เซลล์/มล. ในชม.ที่ 3 ของการบ่ม แต่ถ้าใช้สารละลายเอนไซม์โนโวไซม์ 234 ชนิดเดี่ยวบ่มกับสาหร่ายปริมาณเท่ากันภาวะเดียวกัน พบโปรโตพลาสต์เพียง 1×10^5 เซลล์/มล.



รูปที่ 7 แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้ไลซิ่งเอนไซม์ ที่ความเข้มข้น 0.2-4 มก/มล.

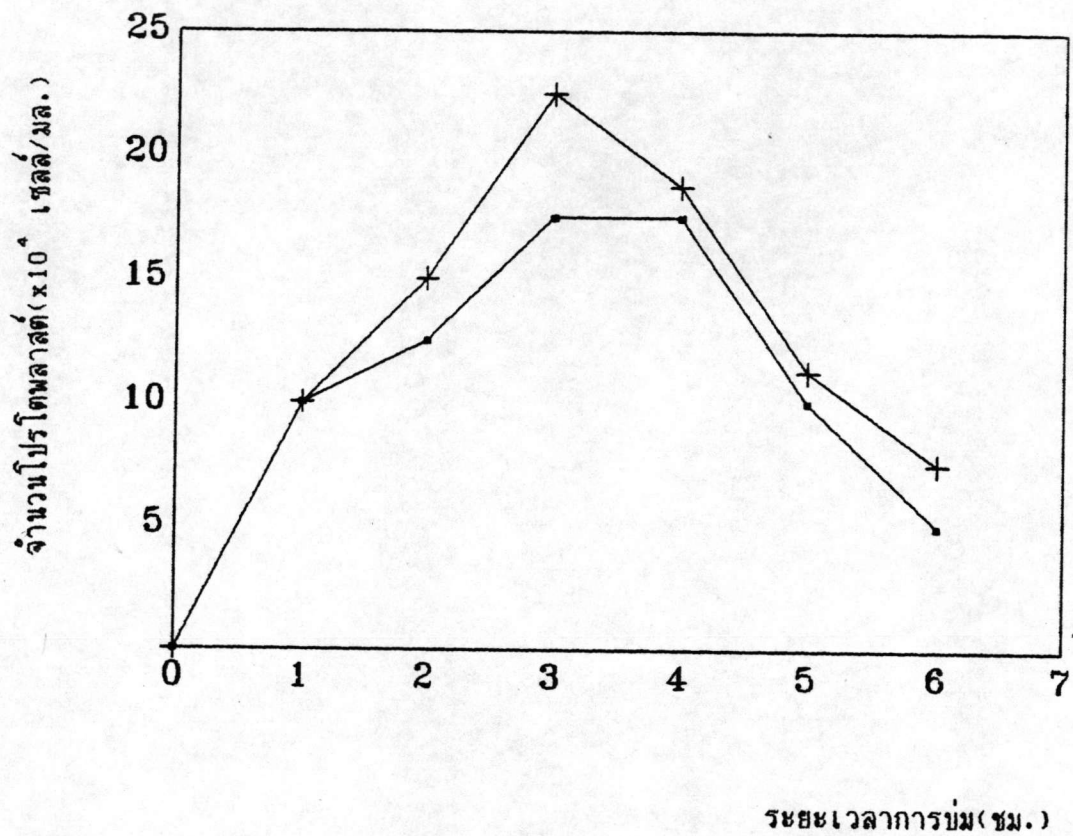
- 0.2 มก/มล.
- + 0.5 มก/มล.
- * 1.0 มก/มล.
- 2.0 มก/มล.
- × 4.0 มก/มล.



รูปที่ 8 แสดงจำนวนโปรตีนลาคต์ที่เกิดจากสายไฮเท็ดโคน โดยใช้เอนไซม์ชนิดต่างๆ

4 ชนิด

- โนวไซม์ 20%
- + เบตา-กลูคูโรนิเดส 4 มก/มล.
- * ไซโมไลเอส 4 มก/มล.
- ไลซิงเอนไซม์ 4 มก/มล.



รูปที่ 9 แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้เอนไซม์ผสม ระหว่างโนโวไซม์และเซลลูลอส

- โนวोไซม์ 20%+เซลลูลอส 1 มก/มล.
- + โนวอไซม์ 20%+เซลลูลอส 2 มก/มล.

จำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากเอนไซม์ผสมระหว่าง เบตา-กลูคูโรนิเตส ความเข้มข้น 4 มก/มล. กับ เซลลูเลสแปรความเข้มข้น 1 และ 2 มก/มล. ปรากฏในรูปที่ 10 พบว่าการใช้ เอนไซม์ผสมของ เบตา-กลูคูโรนิเตส 4 มก/มล. และ 2 มก/มล. ของเซลลูเลส บ่มสายใยใน ชม. ที่ 4 นับจำนวนได้สูงสุด 1.75×10^5 เซลล์/มล. ต่อสายใย 500 มก. ซึ่งสอดคล้องกับ งานวิจัยของ Hashiba and Yamada (1982) ที่พบว่า เซลลูเลส 'ONOZUKA' R-10 20 มก/มล. และเบตา-กลูคูโรนิเตส 0.06 มก/มล. สามารถทำให้เกิดโปรโตพลาสต์ถึง 3×10^7 เซลล์/กรัมของสายใย ในชม. ที่ 3 ของการบ่มสายใย *Rhizoctonia solani* ปริมาณ 1 กรัม

จากการทดลองใช้เอนไซม์ผสมของไซโมไลเอส และเซลลูเลสแสดงในรูปที่ 11 พบว่า เกิดโปรโตพลาสต์มากที่สุด 1.5×10^5 เซลล์/มล. ที่ความเข้มข้นไซโมไลเอส 4 มก/มล. และ เซลลูเลส 2 มก/มล. โปรโตพลาสต์จำนวนนี้มากกว่าการใช้เอนไซม์ไซโมไลเอสชนิดเดียวบ่ม สายใยในภาวะเดียวกันซึ่งได้จำนวนโปรโตพลาสต์ ประมาณ 1.0×10^5 เซลล์/มล.

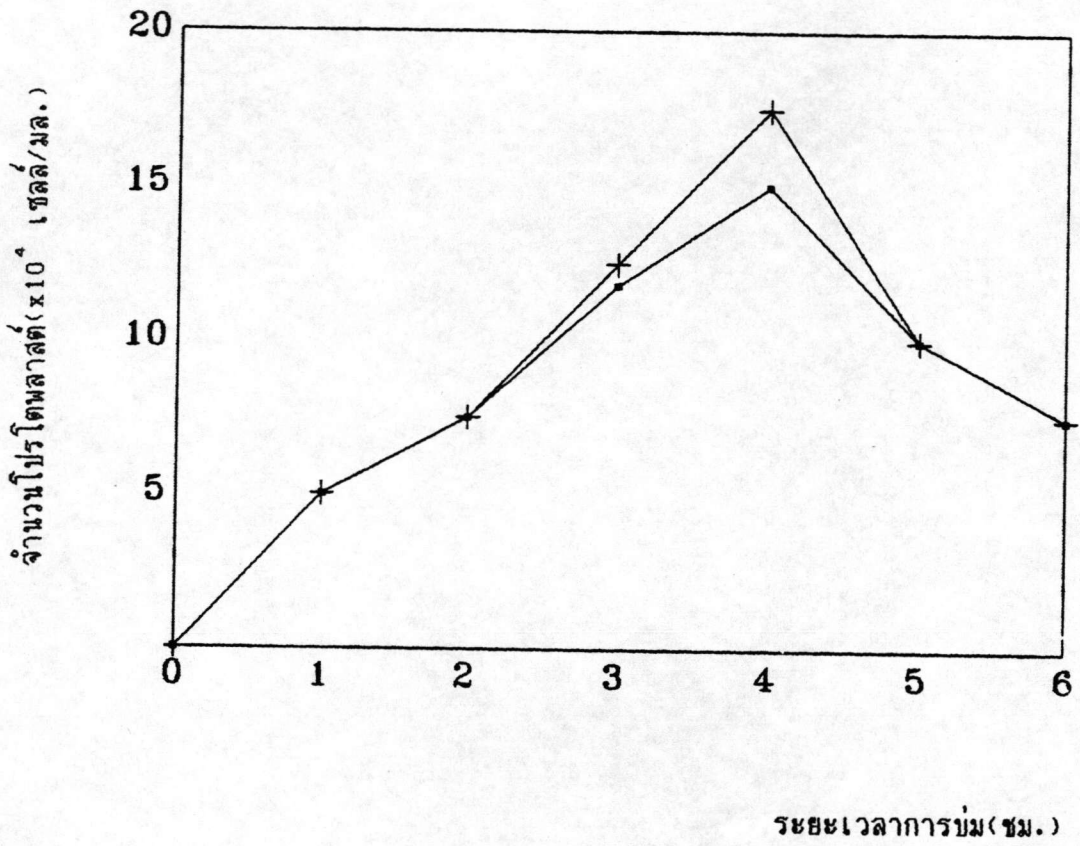
ผลการใช้เอนไซม์ผสมอีกคู่หนึ่งคือ ไลซิงเอนไซม์ 4 มก/มล. และแปรผันเซลลูเลส 1 และ 2 มก/มล. บ่มสายใยเห็ดโคน พบว่าการบ่มสายใยเห็ดโคนด้วยไลซิงเอนไซม์ 4 มก/มล. ผสมกับเซลลูเลส 2 มก/มล. นาน 4 ชม. เกิดโปรโตพลาสต์จำนวนมากสุดประมาณ 1.8×10^5 เซลล์/มล. แสดงในรูปที่ 12 ซึ่งโปรโตพลาสต์จำนวนนี้มากกว่าจำนวนโปรโตพลาสต์ ที่เกิดจากการใช้เอนไซม์ไลซิงเอนไซม์ชนิดเดียว 4 มก/มล. บ่มกับสายใยในภาวะเดียวกัน ประมาณ 1.2×10^5 เซลล์/มล.

การใช้เอนไซม์ผสมระหว่างโนโวไซม์ 20% และเซลลูเลส 2 มก/มล. จะให้ผลสูงสุด ดังแสดงในรูปที่ 13 และนำเอนไซม์ผสมนี้มาทำการทดลองต่อไป

3.2 อุณหภูมิ

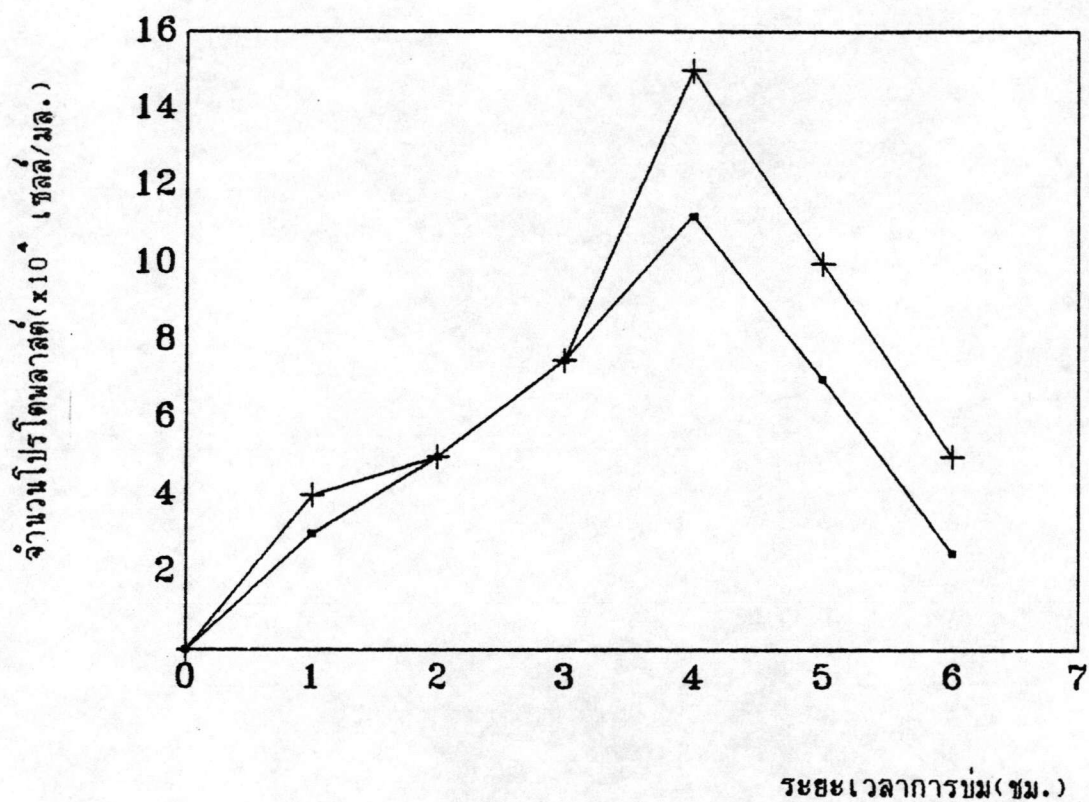
ผลของการเปรียบเทียบอุณหภูมิ ที่ใช้ในการบ่มต่อการเกิดโปรโตพลาสต์ของสายใย เห็ดโคนอายุ 4 วัน ในอาหารเหลว น้ำหนัก 500 มก. ในสารละลายเอนไซม์ผสมระหว่าง โนโวไซม์ 20% และเซลลูเลส 2 มก/มล. เป็นเวลา 6 ชม. ที่อุณหภูมิ 22 30 และ 40 ° ซ. ได้ผลดังนี้

จากรูปที่ 14 ในชม. ที่ 3 ของการบ่ม พบว่าที่อุณหภูมิ 30 ° ซ. นับจำนวน โปรโตพลาสต์ 2.25×10^5 เซลล์/มล. ซึ่งมีจำนวนสูงกว่าการบ่มสายใยที่อุณหภูมิ 22 และ 40 ° ซ. เมื่อใช้ภาวะในการบ่มเดียวกัน



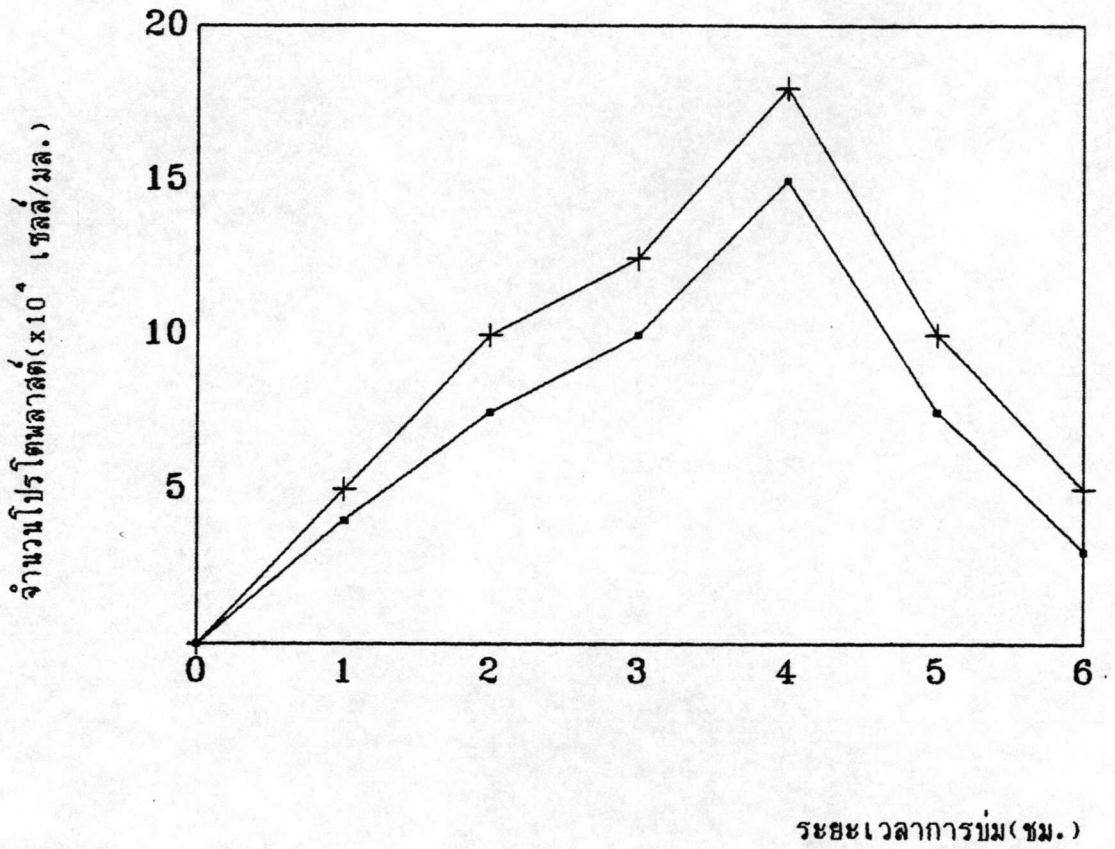
รูปที่ 10 แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้เอนไซม์ผสม ระหว่างเบตา-กลูคูโรนิเตสและเซลลูเลส

- เบตา-กลูคูโรนิเตส 4 มก/มล.+เซลลูเลส 1มก/มล.
- + เบตา-กลูคูโรนิเตส 4 มก/มล.+เซลลูเลส 2มก/มล.



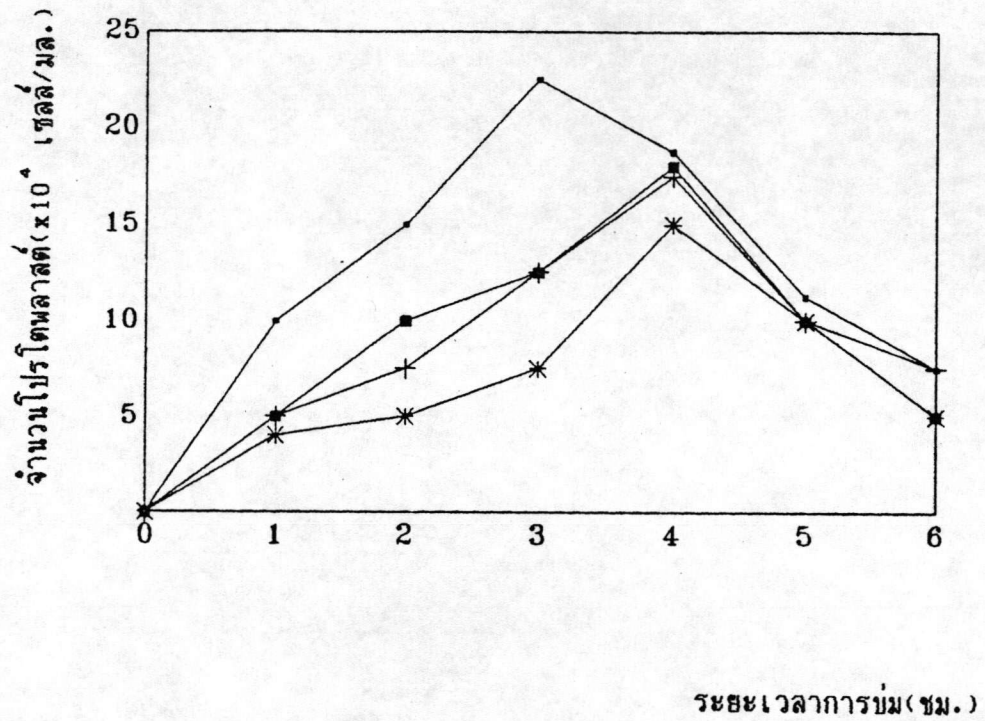
รูปที่ 11 แสดงจำนวนโปรตีนพลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้เอนไซม์ผสม ระหว่างไซโมไลเอสและเฮปาริน

- ไซโมไลเอส 4 มก/มล.+เฮปาริน 1 มก/มล.
- + ไซโมไลเอส 4 มก/มล.+เฮปาริน 2 มก/มล.



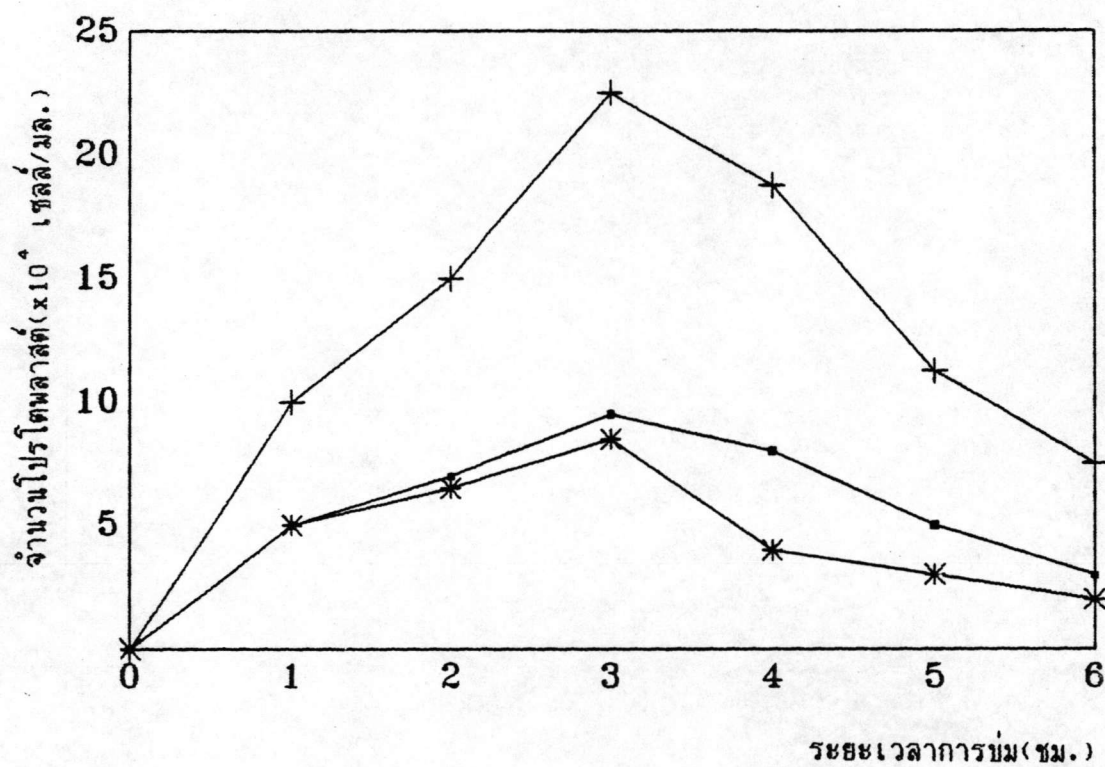
รูปที่ 12 แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้เอนไซม์ผสม ระหว่างไลซิงเอนไซม์และเซลลูเลส

- ไลซิงเอนไซม์ 4 มก/มล.+เซลลูเลส 1 มก/มล.
- + ไลซิงเอนไซม์ 4 มก/มล.+เซลลูเลส 2 มก/มล.



รูปที่ 13 แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้เอนไซม์ผสมชนิดต่างๆ

- โนวไซม์ 20% + เซลลูโลส 2 มก./มล.
- + เบตา-กลูคูโรนิตเอส 4 มก./มล. + เซลลูโลส 2 มก./มล.
- * ไซโมโลเอส 4 มก./มล. + เซลลูโลส 2 มก./มล.
- โลซิงเอนไซม์ 4 มก./มล. + เซลลูโลส 2 มก./มล.



รูปที่ 14 แสดงจำนวนโปรตีนเลสส์ที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้เอนไซม์ผสมระหว่างโนโวไซม์ 20% และเซลลูเลส 2มก/มล. ที่อุณหภูมิ 22 30 และ 40 °ซ.

- 22 ° ซ.
- + 30 ° ซ.
- * 40 ° ซ.

3.3 ความเป็นกรดต่าง ต่อการเกิดโปรโตพลาสต์

ผลของความเป็นกรด ต่างต่อการเกิดโปรโตพลาสต์ โดยใช้สารละลายเอนไซม์ผสมของโนโวไซม์ 20 % และเซลล์เลส 2 มก/มล. บ่มสายใยเห็ดโคนน้ำหนัก 500 มก. อายุ 4 วันนับจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดขึ้นทุกชั่วโมง เป็นเวลา 6 ชม. ได้แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ในรูปที่ 15 พบว่าที่ พีเอช 7.5 ทำให้เกิดโปรโตพลาสต์ได้ถึง 2.25×10^5 เซลล์/มล.

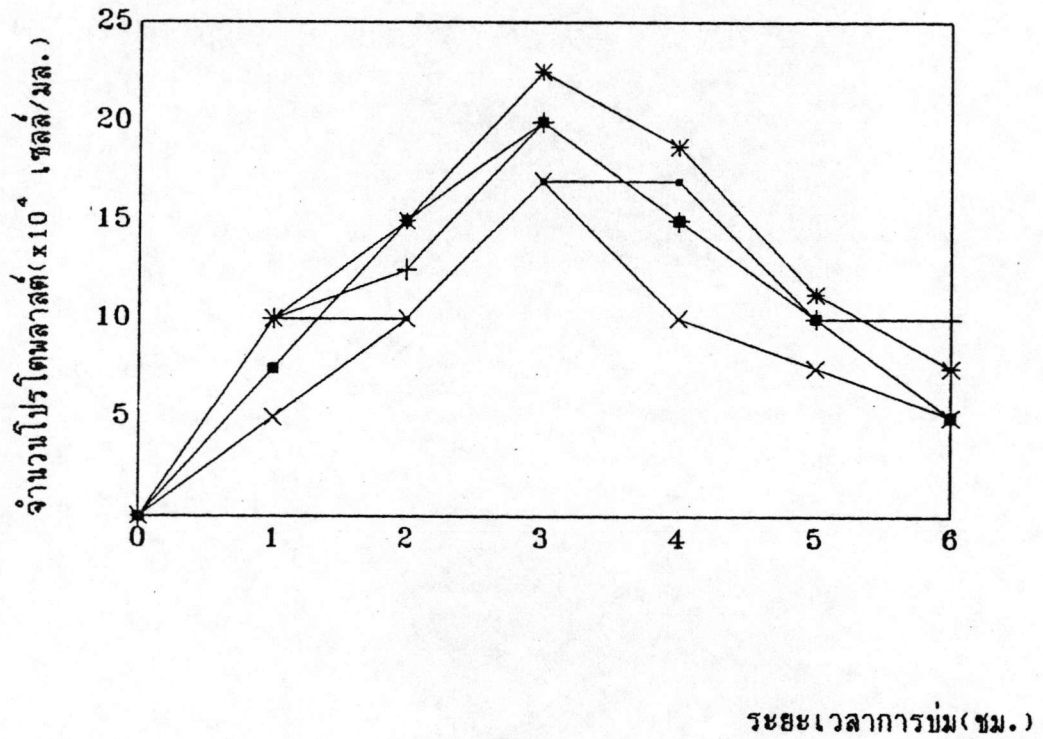
จากรายงานของ Hou and Jong (1985) ได้ทำการแปรผัน พีเอช ของบัฟเฟอร์ในช่วง 4-8 ของสารละลายเอนไซม์ โดยใช้เอนไซม์จาก *Trichoderma harzianum* บ่มกับสายใย 50-100 มก. สารละลายเอนไซม์ 1 มล. พบว่าในชม.ที่ 4 ของการบ่มสายใยที่ 30° ซ. ที่พีเอช 6 เกิดโปรโตพลาสต์สูงสุดประมาณ 5×10^5 เซลล์/มล.

3.4 ออสโมติกสเทบีไลต์เซอร์

ผลของออสโมติกสเทบีไลต์เซอร์ที่ใช้ 2 ชนิด เปรียบเทียบกันโดยเลือก 0.6 โมลาร์ โปแตสเซียมคลอไรด์ (Tseuboi, 1985) และ 0.8 โมลาร์ซอร์บิทอล (Peberdy, 1980) ต่อการเกิดโปรโตพลาสต์ ได้แสดงในรูปที่ 16 จำนวนโปรโตพลาสต์จากการใช้โปแตสเซียมคลอไรด์ 2.25×10^5 เซลล์/มล. จากน้ำหนักเปียกของสายใย 500 มก. จะมากกว่าการใช้ซอร์บิทอล เมื่อบ่มสายใยอายุ 4 วัน นาน 3 ชม. ในเอนไซม์ผสมของโนโวไซม์ 20 % กับเซลล์เลส 2 มก/มล. พีเอช 7.5 ซึ่งผลการทดลองนี้สอดคล้องกับงานวิจัยของ Santiago (1982) ที่เตรียมโปรโตพลาสต์จากสายใยเห็ดนาง โดยใช้ออสโมติกสเทบีไลต์เซอร์หลายชนิดที่มีความเข้มข้นต่างๆละลายในเอนไซม์ที่สกัดจาก *Trichoderma harzianum* พบว่า 0.6 โมลาร์ โปแตสเซียมคลอไรด์ ทำให้เกิดโปรโตพลาสต์ 4×10^5 เซลล์/มล. และ ในซอร์บิทอล 0.8 โมลาร์ ทำให้เกิดโปรโตพลาสต์ 2.8×10^5 เซลล์/มล. ซึ่งน้อยกว่าการใช้โปแตสเซียมคลอไรด์ 1.2×10^5 เซลล์/มล. เมื่อบ่มนาน 4 ชม. ที่อุณหภูมิ 28° ซ.

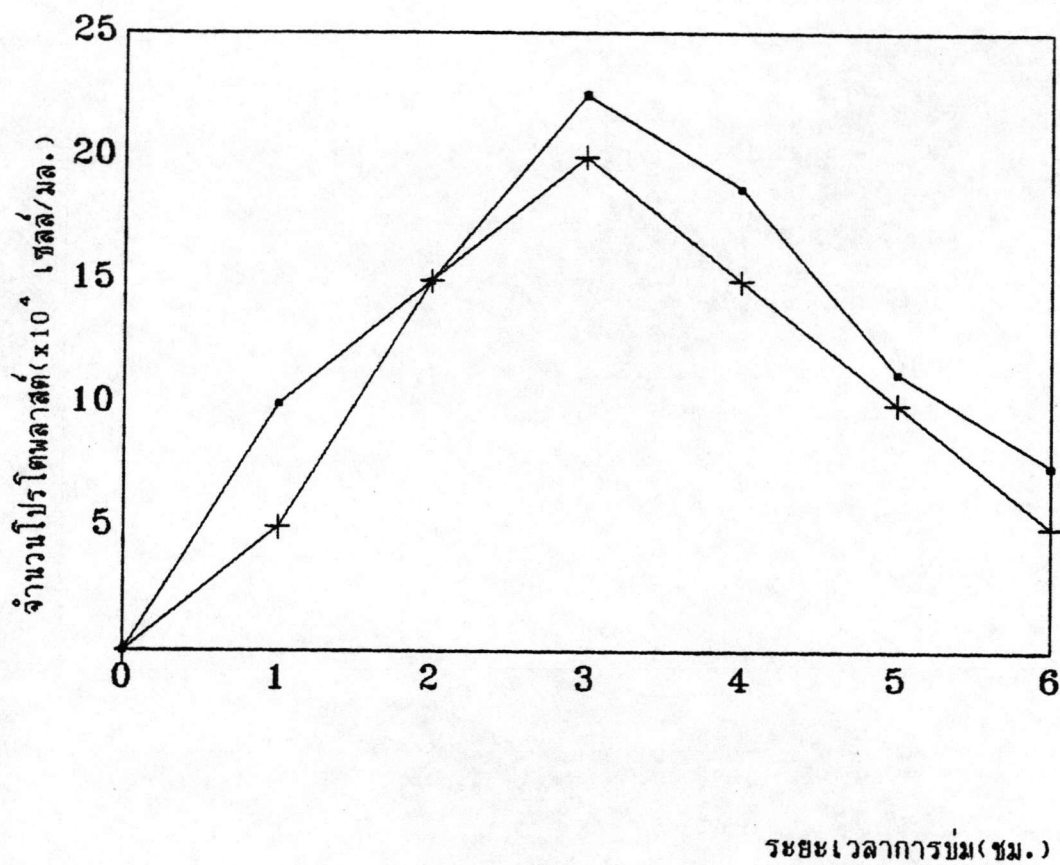
3.5 ระยะเวลาการบ่มสายใยด้วยเอนไซม์

จำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดจาก การใช้ภาวะที่เหมาะสมจากการทดลองคือ การใช้เอนไซม์ผสมระหว่าง 20 % โนโวไซม์ผสมกับเซลล์เลส 2 มก/มล. บ่มที่อุณหภูมิ 30° ซ. พีเอช



รูปที่ 15 แสดงจำนวนโปรตีนเลสที่เกิดจากสายใยเห็ดโคน โดยใช้เอนไซม์ผสม ระหว่างโนโวไซม์ 20% และเซลล์เลส 2 มก/มล. ที่อุณหภูมิ 30 °ซ. โดยแปรพีเอชช่วง 7-8

- พีเอช 7.0
- + พีเอช 7.25
- * พีเอช 7.5
- พีเอช 7.75
- × พีเอช 8.0



รูปที่ 16 เปรียบเทียบจำนวนโปรตีนเลสส์ที่เกิดจากการใช้ฮอลโมติกสเทบิลไลท์เซอร์ 2 ชนิดผสมในเอนไซม์ผสมระหว่างโนโวไซม์ 20% และเซลลูเลส 2 มก/มล. บ่มสายใยเห็ดโคนที่อุณหภูมิ 30°C.

- 0.6 โมลาร์ไปแตสเซียมคลอไรด์
- + 0.8 โมลาร์ซอร์บิทอล

7.5 และใช้ 0.6 โมลาร์โปรแตสเซียมคลอไรด์เป็นออสโมติกสเตบิลไลท์เซอร์ บ่มสายใยเห็ดโคน น้ำหนัก 500 มก. อายุ 4 วัน ในเวลาต่างๆคือ 1 2 3 4 5 6 8 และ 10 ชม. แสดงผลในรูปที่ 17 พบว่าจำนวนโปรโตพลาสต์สูงสุด 2.25×10^5 เซลล์/มล. เกิดในชม.ที่ 3 ของการบ่มและหลังจากนั้นจำนวนโปรโตพลาสต์จะลดลง ในชม.ที่ 10 จะพบโปรโตพลาสต์เพียง 1.5×10^4 เซลล์/มล. ที่เป็นเช่นนี้อาจอธิบายได้ว่าเป็นเพราะโปรโตพลาสต์จะมีการสร้างและปล่อยเอนไซม์ออกมา องค์ประกอบของสารบางตัวในเอนไซม์ มีผลทำให้โปรโตพลาสต์แตกได้ (Kuo and Lampen, 1971)

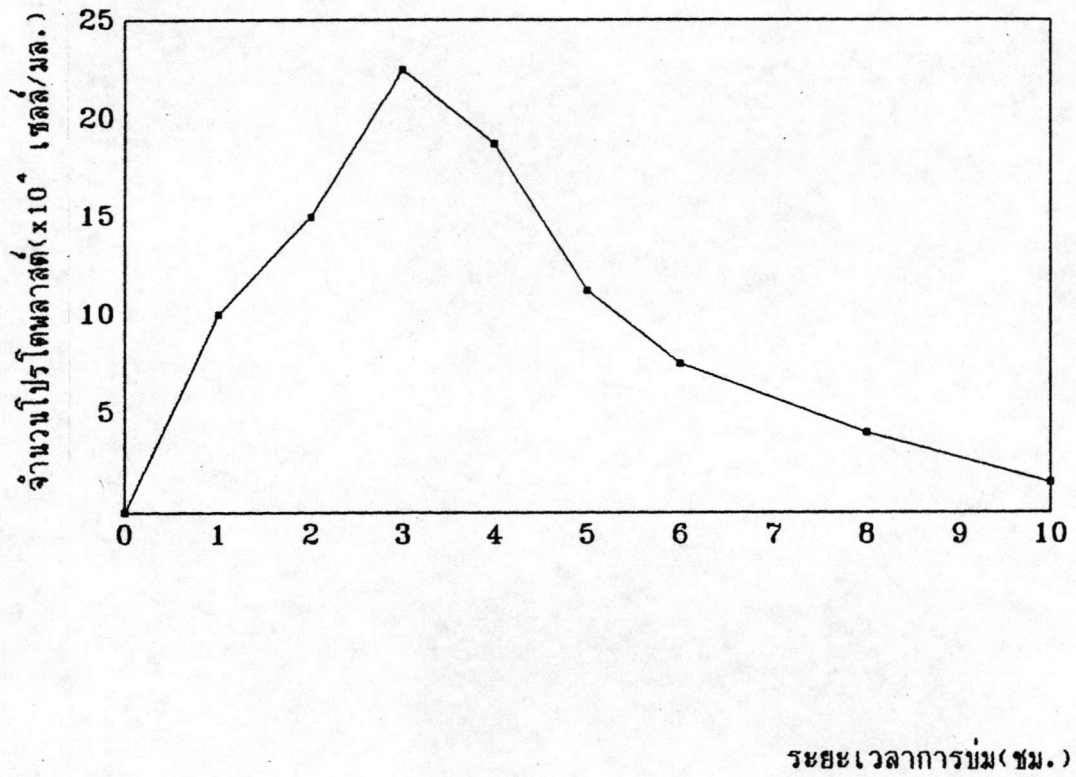
4. การคืนกลับสู่สภาพเซลล์

4.1 เปอร์เซ็นต์การคืนกลับเซลล์ของโปรโตพลาสต์เห็ดโคน

เปอร์เซ็นต์ของการคืนกลับของโปรโตพลาสต์ เป็นเซลล์ปกติโดยสังเกตจากโคโลนีที่เกิดบนอาหารชนิดต่างๆ แสดงในตารางที่ 1

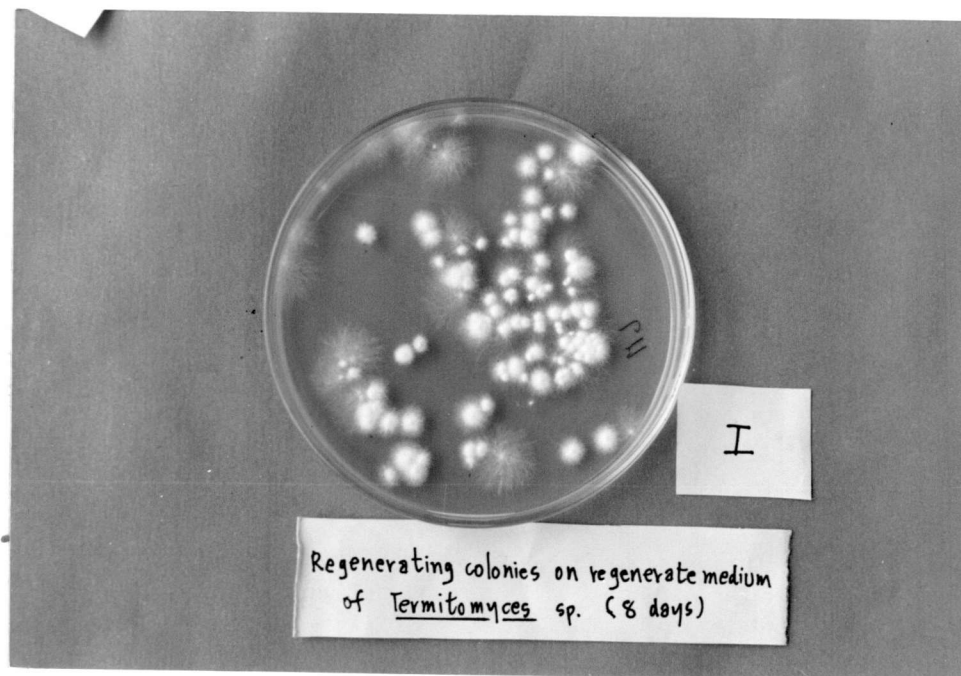
ตารางที่ 1 แสดงเปอร์เซ็นต์ของการคืนกลับเป็นเซลล์ของโปรโตพลาสต์เห็ดโคนบนอาหาร 3 ชนิด

ชนิดของอาหาร	ชนิดของออสโมติกสเตบิลไลท์เซอร์	เปอร์เซ็นต์การกลับเป็นเซลล์	ระยะเวลาการกลับเป็นเซลล์(วัน)
สูตร 1 (สูตร3 ภาคผนวก1.1)	1 โมลาร์ซอร์บิทอล	0.53	5
สูตร 2 (สูตร4 ภาคผนวก1.1)	0.5 โมลาร์โปรแตสเซียมคลอไรด์	0.17	5
สูตร 3 (สูตร5 ภาคผนวก1.1)	-	0.4	3

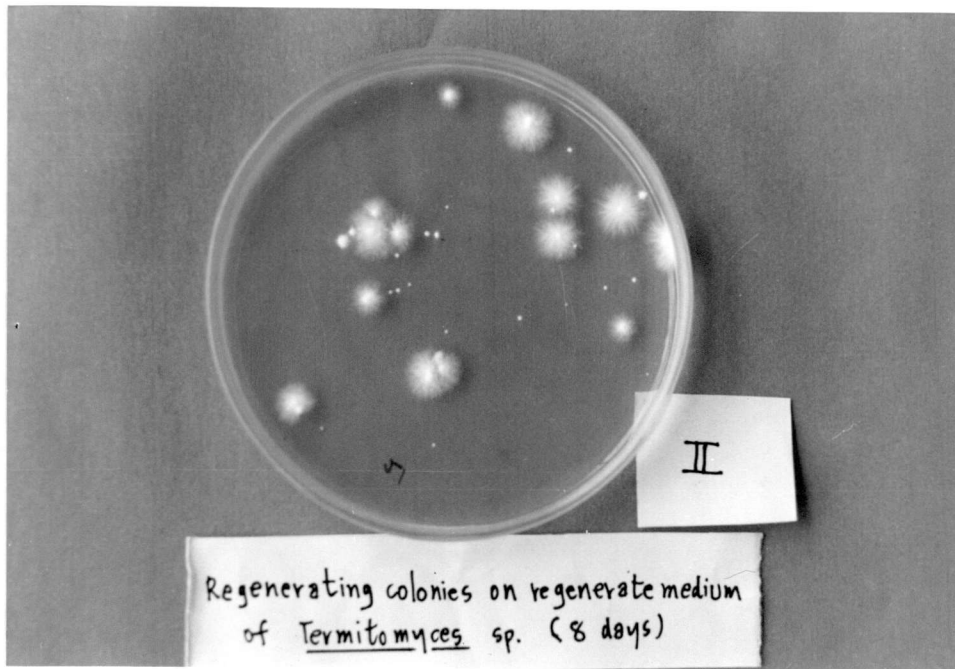


รูปที่ 17 แสดงจำนวนโปรโตพลาสต์ที่เกิดขึ้นในระยะเวลาต่างๆของการบ่มสายใยด้วย เอนไซม์ผสมระหว่างโนโวไซม์ 20% และเซลลูเลส 2 มก/มล. พีเอช 7.5 และมี 0.6 โมลาร์ โปแตสเซียมคลอไรด์เป็นออสโมติกสแตบิไลซ์เซอร์ ที่อุณหภูมิ 30°C.

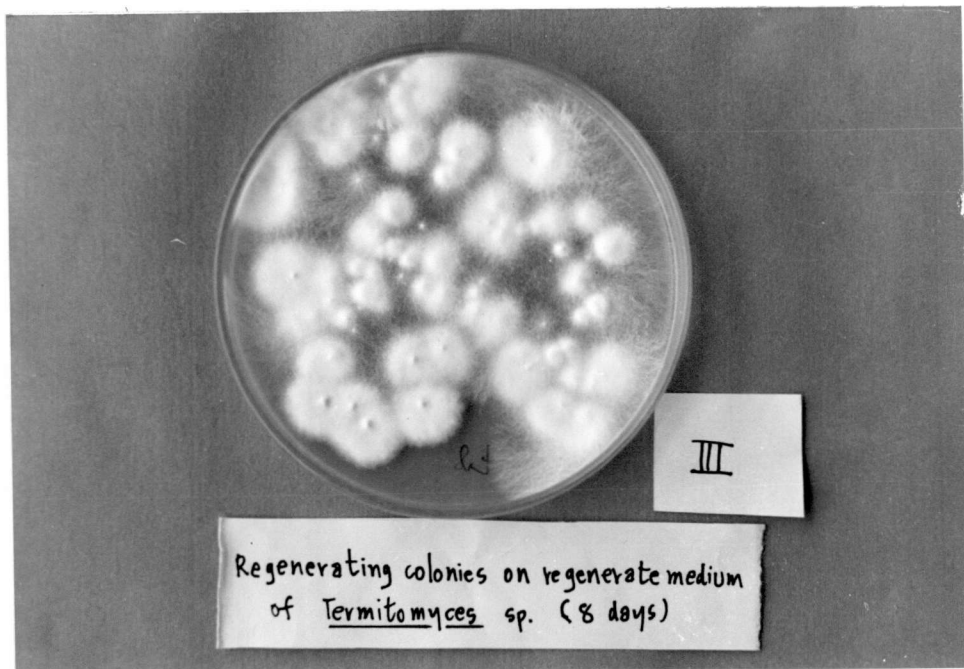
จากตารางที่ 1 พบว่าอาหารแข็งสูตร 1 นับจำนวนโคโลนีที่เกิดขึ้นและคำนวณการคืนกลับเป็นเซลล์ได้ร้อยละ 0.53 (ลักษณะโคโลนีตั้งรูปที่ 18 ก) รองลงมาคือ อาหารแข็งสูตร 3 การคืนกลับเป็นเซลล์ร้อยละ 0.4 (ลักษณะโคโลนี ตั้งรูปที่ 18 ค) และอาหารแข็งสูตร 2 การคืนกลับเป็นเซลล์ร้อยละ 0.17 (ลักษณะโคโลนี ตั้งรูปที่ 18 ข) องค์ประกอบของอาหารชักนำการสร้างผนังเซลล์ มีผลต่อการคืนกลับเป็นเซลล์ ได้มีรายงานของ Das et al. (1988) ที่สอดคล้องกับผลการทดลองนี้คือ การคืนกลับเป็นเซลล์ของโปรโตพลาสต์ *Aspergillus niger* บนอาหารชักนำการสร้างเซลล์ (Regenerating medium) ที่เติมออสโมติกสเตรปีไลท์เซอร์ชนิดต่างๆ โดยอาหารที่ใช้ในการคืนกลับของเซลล์ที่เติม 0.6 โมลาร์โปแตสเซียมคลอไรด์ ร้อยละของการคืนกลับเป็นเซลล์จะต่ำกว่า 1%



รูปที่ 18 ก แสดงลักษณะโคโลนีของเซลล์โปรโตพลาสต์เห็ดโคน อายุ 8 วัน บนอาหารแข็ง (Regenerating medium) สูตร 1



รูปที่ 18 ข แสดงลักษณะโคโลนีของเซลล์โปรโตพลาสต์เห็ดโคน อายุ 8 วัน บนอาหาร
แข็ง สูตร 2

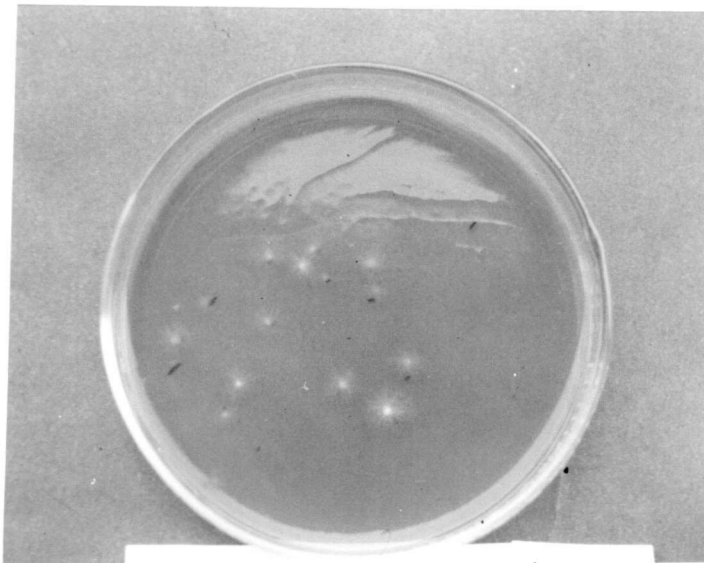


รูปที่ 18 ค แสดงลักษณะโคโลนีของเซลล์โปรโตพลาสต์เห็ดโคน อายุ 8 วัน บน
อาหารแข็ง สูตร 3

4.2 เปอร์เซ็นต์การคืนกลับเป็นเซลล์โปรตีนลาสต์ของเห็ดฟาง

จำนวนโปรตีนลาสต์ของเห็ดฟางที่เกิดจากการบ่มสายใยเห็ดฟาง 0.12 กรัม/มล. ด้วยเอนไซม์ผสมของไซโมไลเอส 0.2 มก/มล. และเซลลูเลส (Sigma) 2 มก/มล. บ่มเป็นเวลา 4 ชม. ที่อุณหภูมิ 30 ° ซ. นับจำนวนโปรตีนลาสต์ได้ 2×10^4 เซลล์/มล. และนำโปรตีนลาสต์มาเลี้ยงให้คืนกลับเป็นเซลล์บนอาหารแข็งสูตร 3 ลักษณะโคโลนี แสดงดังรูปที่ 19

คำนวณเปอร์เซ็นต์การกลับเป็นเซลล์ได้ 0.17 ซึ่งผลการทดลองนี้ได้ผลต่างไปจากงานวิจัยของ วิรวุฒิ และสมาลี (2534) การเตรียมโปรตีนลาสต์จากสายใยเห็ดฟางอายุ 4 วัน น้ำหนัก 0.2 มก/มล. โดยใช้เอนไซม์ผสมของ 0.2 มก/มล. ของ ไซโมไลเอส และ 2 % เซลลูเลส (Novo) นับจำนวนโปรตีนลาสต์ได้ 7.5×10^4 เซลล์/มล. การคืนกลับเป็นเซลล์ของโปรตีนลาสต์เห็ดฟางบนอาหารแข็งสูตร 3 คิดเป็นร้อยละ 3.1



รูปที่ 19 แสดงลักษณะโคโลนีของเซลล์โปรตีนลาสต์เห็ดฟาง บนอาหารแข็ง สูตร 3

5. การรวมโปรตีนลาสต์

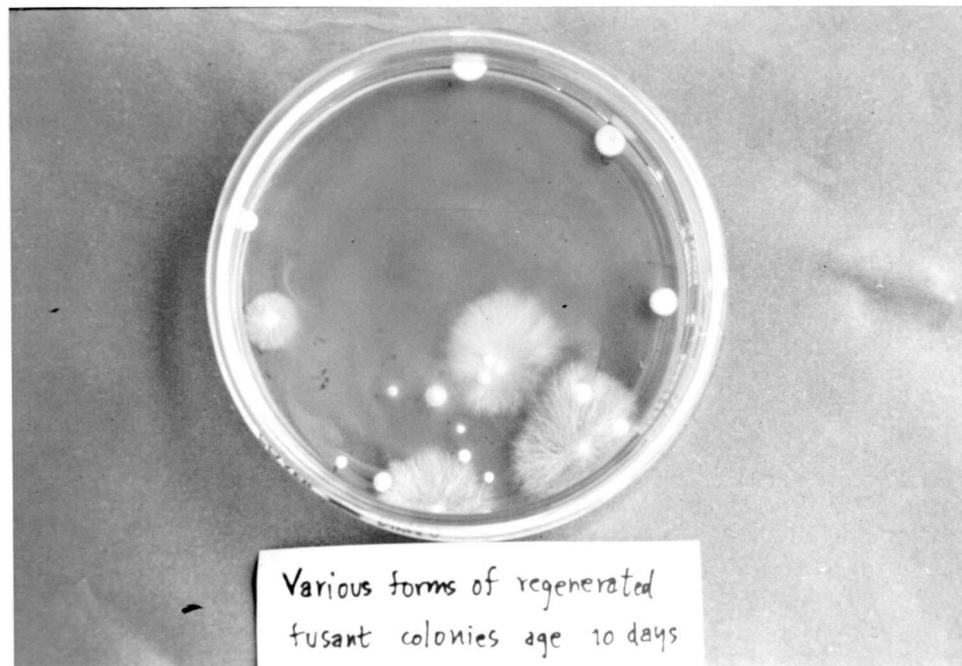
หลังจากการรวมโปรตีนลาสต์ใน PEG แล้วคำนวณการคืนกลับของนิวแอสท์

5.1 เปอร์เซ็นต์การคืนกลับเซลล์ของโปรตีนลาสต์

หลังจากรวมใน PEG และเลี้ยงให้โปรตีนลาสต์คืนกลับเป็นเซลล์บนอาหารแข็งสูตรต่างๆ 3 ชนิด ได้นับจำนวนและคำนวณเปอร์เซ็นต์การคืนกลับเซลล์ ดังแสดงในตาราง 2

ตารางที่ 2 แสดงเปอร์เซ็นต์การคืนกลับของเซลล์ของโปรตีนลาสต์ที่รวมกันระหว่างโปรตีนลาสต์ของเห็ดโคนและเห็ดฟางบนอาหารแข็ง 3 ชนิด

อาหารแข็งสูตรต่างๆ	เปอร์เซ็นต์ของการคืนกลับเป็นเซลล์	ระยะเวลาการคืนกลับเป็นเซลล์ (วัน)
สูตร 1	0.0046	7
สูตร 2	0.0028	7
สูตร 3	0.0033	5



รูปที่ 20 แสดงลักษณะต่างๆของโคโลนีฟิวสแลนท์อายุ 10 วัน บนอาหารแข็ง

จากรายงานการรวมโปรโตพลาสต์ของราต่างชนิด (Interspecific fusion) ของ Anne (1976) ระหว่างออกซิโทรมิวแตนท์ของ *Penicillium chrysogenum* ที่มีคำหีนที่ $lys^- pro^- / arg^-$ กับ *P. notatum* cys^- พบว่าการคืนกลับเป็นเซลล์ของฟิวสแลนท์ประมาณ 0.18 % ซึ่งพบว่ามีเปอร์เซ็นต์การคืนกลับเป็นเซลล์สูงกว่าการคืนกลับเป็นเซลล์ของโปรโตพลาสต์รวมของเห็ดโคนและเห็ดฟาง ทั้งนี้อาจเป็นเพราะ การรวมโปรโตพลาสต์แบบนี้มีความคงตัวกว่าการรวมโปรโตพลาสต์แบบ Intergeneric fusion เนื่องจากความแตกต่างทางพันธุกรรมของสายพันธุ์ต้นแบบมีน้อยกว่า

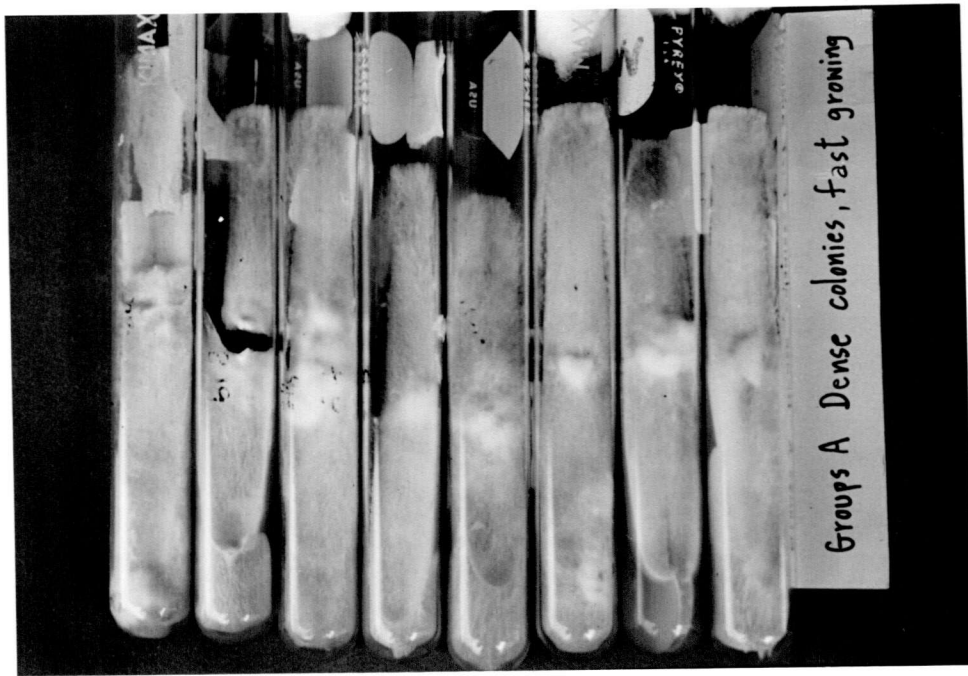
6. การตรวจสอบสมบัติของฟิวสแลนท์

ได้เก็บโคโลนีของฟิวสแลนท์อายุ 10 วันซึ่งมีลักษณะดังรูปที่ 20 จำนวน 150 โคโลนี โดยเก็บตามลักษณะดังแสดงในวิธีการทดลอง แล้วถ่ายเชื้อลงในอาหารแข็งพี ดี เอ ปล่อยให้

เจริญในหลอดทดลอง คัดเลือกสายพันธุ์ที่เจริญได้ 52 โคโลนี ลักษณะโคโลนีของฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 1 ที่เจริญได้ช้า (a) ตั้งรูปที่ 21ก และลักษณะโคโลนีที่เจริญปกติ (A) ตั้งรูปที่ 21ข ฟิวสแลนท์ในกลุ่ม 2 มีลักษณะโคโลนี ตั้งในรูปที่ 21ค กลุ่ม 3 ลักษณะโคโลนีแสดงในรูปที่ 21ง หาปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมด เทียบกับสายพันธุ์ต้นแบบ



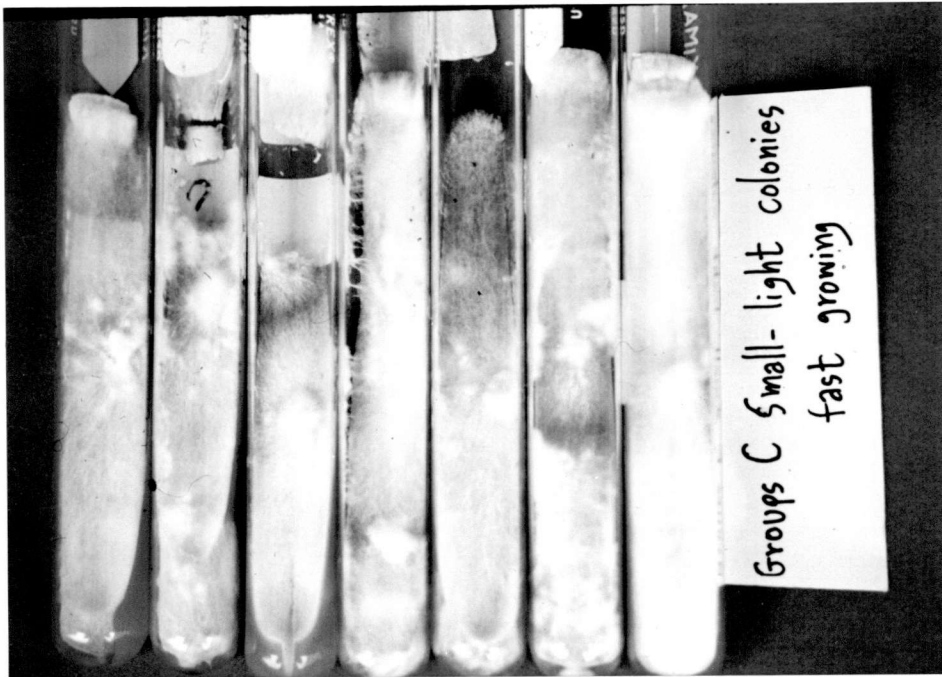
รูปที่ 21ก ลักษณะโคโลนีของฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 1 ที่เจริญช้า (a) บนพีดีเอ



รูปที่ 21 ข ลักษณะโคโลนีของฟิวแลนท์ในกลุ่มที่ 1 เจริญปกติ (A) บนพีดีเอ



รูปที่ 21 ค ลักษณะโคโลนีของฟิวแลนท์ในกลุ่มที่ 2 บนพีดีเอ



รูปที่ 21 ง ลักษณะโคโลนีของฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 3 บนพีดีเอ

6.1 การหาปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมดของฟิวสแลนท์เทียบกับสายพันธุ์พ่อแม่

จากฟิวสแลนท์ที่เก็บได้จำแนกเป็น 3 กลุ่ม ได้นำแต่ละกลุ่มมาหาปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมด โดยวิธีการสกัดดีเอ็นเอได้จาก Schneider (1945, 1946) และหาปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมด (Burton, 1956) แสดงในตารางที่ 3

ตารางที่ 3 แสดงปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมดในสายใย (มก/กรัม) ของฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 1 2 3 และสายพันธุ์ต้นแบบ

สายพันธุ์ ต้นแบบ	ปริมาณ ดีเอ็นเอ ทั้งหมด	ฟิวสแลนท์ กลุ่ม 1	ปริมาณ ดีเอ็นเอ ทั้งหมด	ฟิวสแลนท์ กลุ่ม 2	ปริมาณ ดีเอ็นเอ ทั้งหมด	ฟิวสแลนท์ กลุ่ม 3	ปริมาณ ดีเอ็นเอ ทั้งหมด
V	0.014	a1	0.102	B1	0.025	C1	0.047
T3	0.0305	a2	0.147	B2	0.085	C3	0.052
		a5	0.117	B3	0.08	C6	0.057
		a8	0.086	B4	0.055	C7	0.013
		a10	0.060	B5	0.035	C10	0.037
		a14	0.085	B7	0.057	C12	0.043
		a18	0.075	B8	0.045	C13	0.057
		a21	0.051	B9	0.030	C19	0.039
		A2	0.113	B10	0.067	C30	0.055
		A3	0.09	B11	0.050	C31	0.044
		A4	0.051	B12	0.060	C41	0.035
		A7	0.069	B13	0.075	C42	0.025
		A11	0.053	B14	0.065	C46	0.022
		A12	0.05	B15	0.087	C48	0.025
		A15	0.052	B16	0.058	C49	0.035
		A16	0.067	B17	0.085		
		A20	0.05				
		A27	0.051				
		A28	0.063				
		A29	0.057				
		A30	0.065				

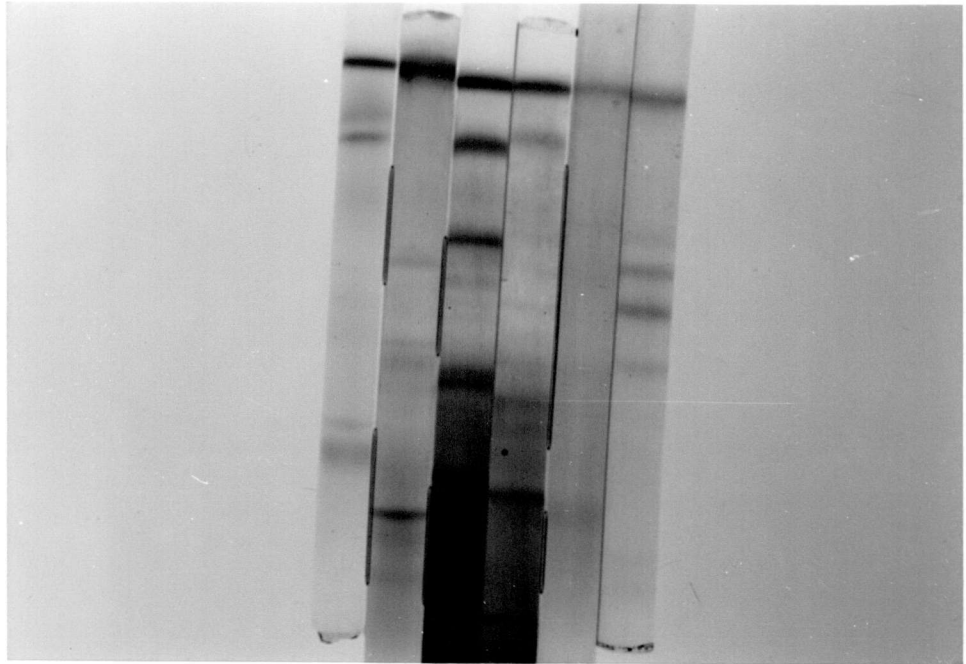
จากตารางที่ 3 ปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมดของฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 1 พบว่าค่าดีเอ็นเอทั้งหมด จะมากกว่าสายพันธุ์ต้นแบบ $V T_u$ ฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 1 ปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมด บางตัวมีค่าเป็น 2 หรือ 3 เท่าของสายพันธุ์ต้นแบบ คิดเป็น $4n$ และ $6n$ ตามลำดับ ฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 2 บางตัวมีค่าดีเอ็นเอทั้งหมดเป็น 2 เท่าของสายพันธุ์ต้นแบบ และบางตัวมีปริมาณดีเอ็นเอใกล้เคียงกับสายพันธุ์ต้นแบบ ส่วนฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 3 ปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมดใกล้เคียงกับสายพันธุ์ต้นแบบ(ภาคผนวก 3)

นำผลของปริมาณดีเอ็นเอแต่ละกลุ่มมาวิเคราะห์ทางสถิติ โดยทดสอบสมมติฐานเกี่ยวกับมัธยฐานเลขคณิตของฟิวสแลนท์ในแต่ละกลุ่ม โดยใช้การแจกแจงแบบ Student-t distribution ที่ระดับความเชื่อมั่น 95 % พบว่าฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 1 และ 2 ที่ระดับความเชื่อมั่น 95 % มีค่ามัธยฐานเลขคณิตเป็น 0.073 และ 0.058 ส่วนฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 3 มีค่ามัธยฐานเลขคณิตเป็น 0.038 ซึ่งต่ำกว่าขอบเขตของการยอมรับ(ภาคผนวก 4)

จากรายงานเกี่ยวกับ ปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมดของฟิวสแลนท์ ที่เกิดจากการรวมโปรตีนของเห็ดฟางสายพันธุ์ต่างๆ ซึ่งทำการวิจัยโดยวิวัฒน์ และสุมาลี (2534) พบว่าฟิวสแลนท์จะมีปริมาณดีเอ็นเอทั้งหมดมากเป็น 2 -3 เท่าของสายพันธุ์ต้นแบบ พบว่าจะสอดคล้องกับผลการทดลองที่ได้จากงานวิจัย

6. การหารูปแบบของโปรตีนด้วยดีเอสเจลอิลิโคโรโพรอส

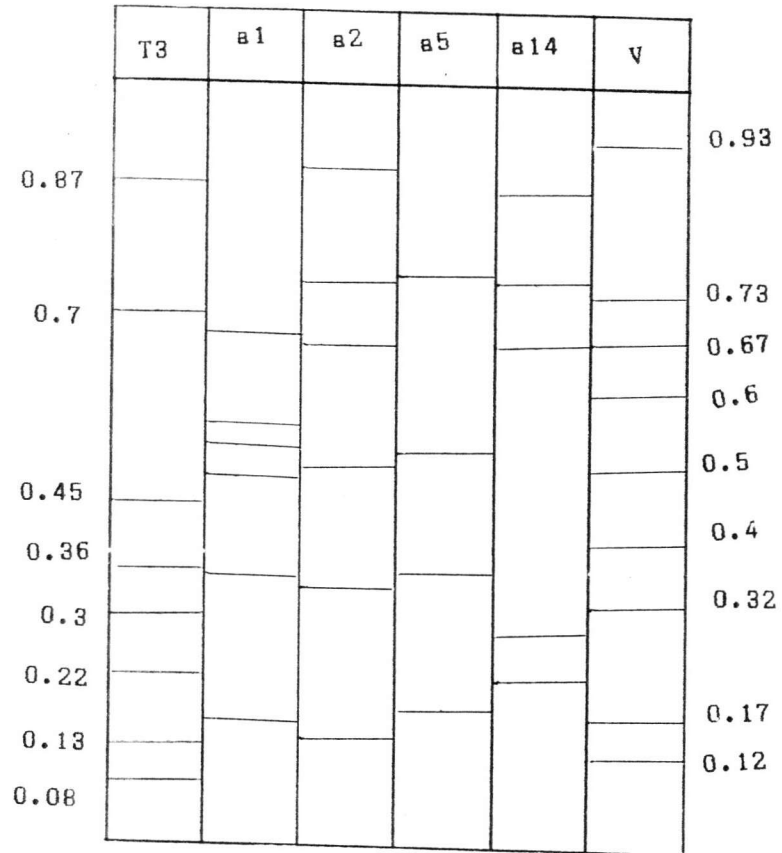
จากการสกัดโปรตีนของสายพันธุ์ฟิวสแลนท์ และหารูปแบบของโปรตีนทั้งหมดด้วยดีเอสเจลอิลิโคโรโพรอสปรากฏดังรูปเหล่านี้คือ รูปที่ 22 และ 22ก แสดงแถบโปรตีนและรูปอธิบายของฟิวสแลนท์ในกลุ่ม 1 (a) โคโลนีเจริญช้า รูปที่ 23 และ 23ก แสดงแถบโปรตีนและรูปอธิบายของฟิวสแลนท์ในกลุ่ม 1 (A) โคโลนีเจริญปกติ รูปที่ 24 และ 24 ก แสดงแถบโปรตีนและรูปอธิบายของฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 2 รูปที่ 25 และ 25ก แสดงแถบโปรตีนและรูปอธิบายของฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 3



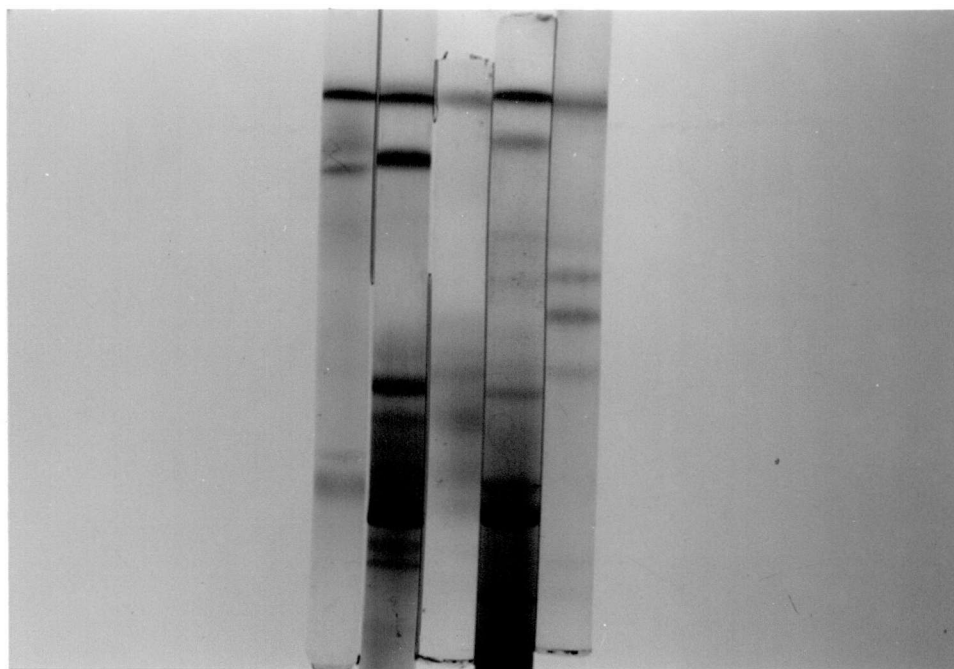
1 2 3 4 5 6

รูปที่ 22 แสดงแถบโปรตีนที่ปรากฏบนแท่งเจล ของฟิวสแลนท์ในกลุ่มที่ 1 (a) เทียบกับ
สายพันธุ์ต้นแบบ

เจลแท่งที่ 1	โปรตีนของสายพันธุ์	T3
2	โปรตีนของสายพันธุ์	a1
3	โปรตีนของสายพันธุ์	a2
4	โปรตีนของสายพันธุ์	a5
5	โปรตีนของสายพันธุ์	a14
6	โปรตีนของสายพันธุ์	v



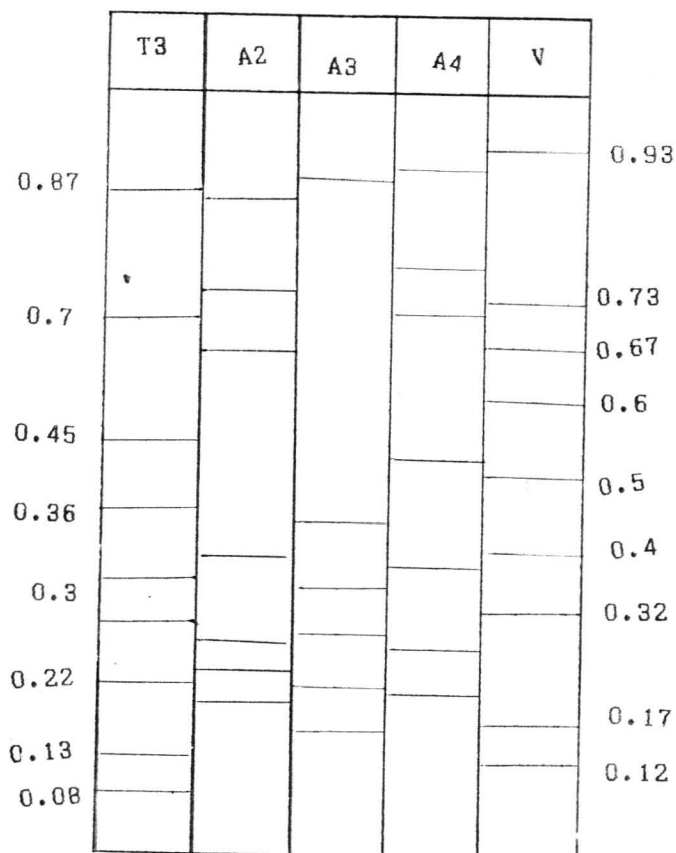
รูปที่ 22 ก ภาพอธิบายแถบโปรตีนที่ปรากฏเด่นชัดของสายพันธุ์ T3 a1 a2 a5 a14
V บนแท่งเจล



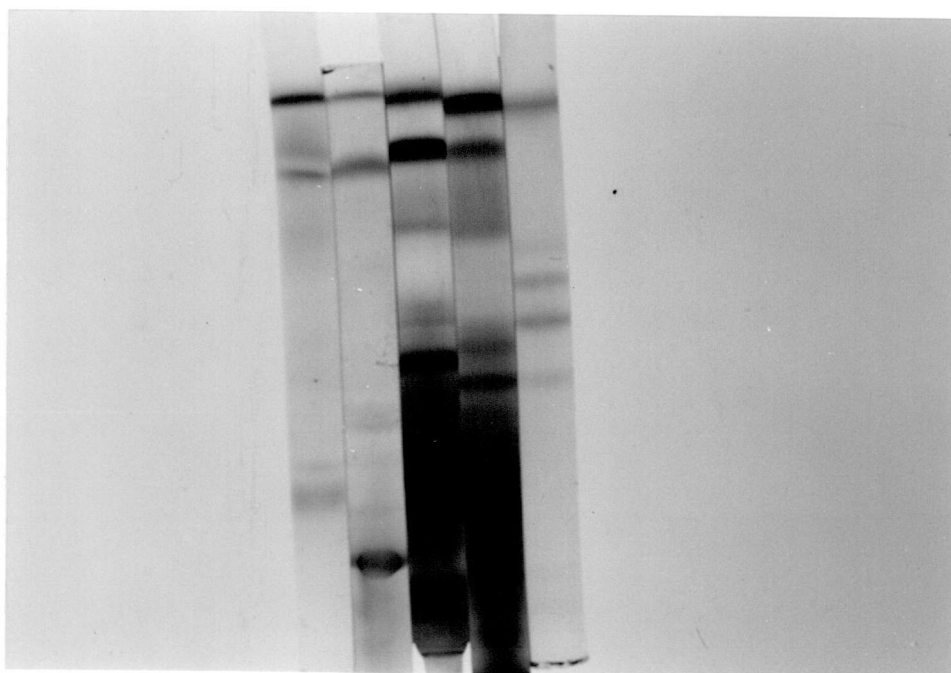
1 2 3 4 5

รูปที่ 23 แสดงแถบโปรตีนที่ปรากฏบนแท่งเจล ของฟิวแลนท์ในกลุ่มที่ 1 (A) เทียบกับ
สายพันธุ์ต้นแบบ

- เจลแท่งที่ 1 โปรตีนของ T3
 2 โปรตีนของ A2
 3 โปรตีนของ A3
 4 โปรตีนของ A4
 5 โปรตีนของ V



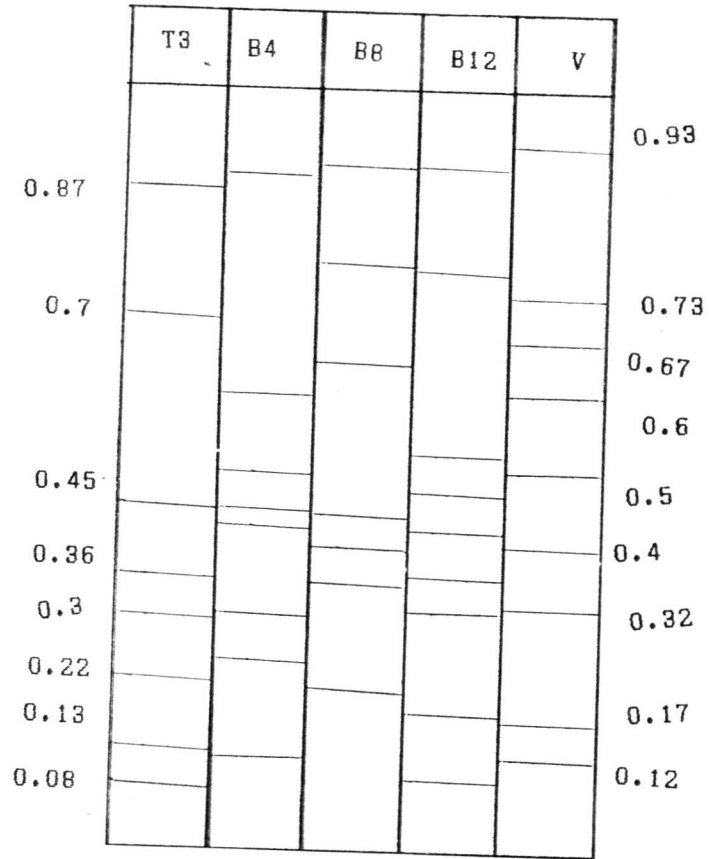
รูปที่ 23ก ภาพรวมอธิบายแถบโปรตีนที่ปรากฏเด่นชัดของสายพันธุ์ T3 A2 A3 A4 V บนแท่งเจล



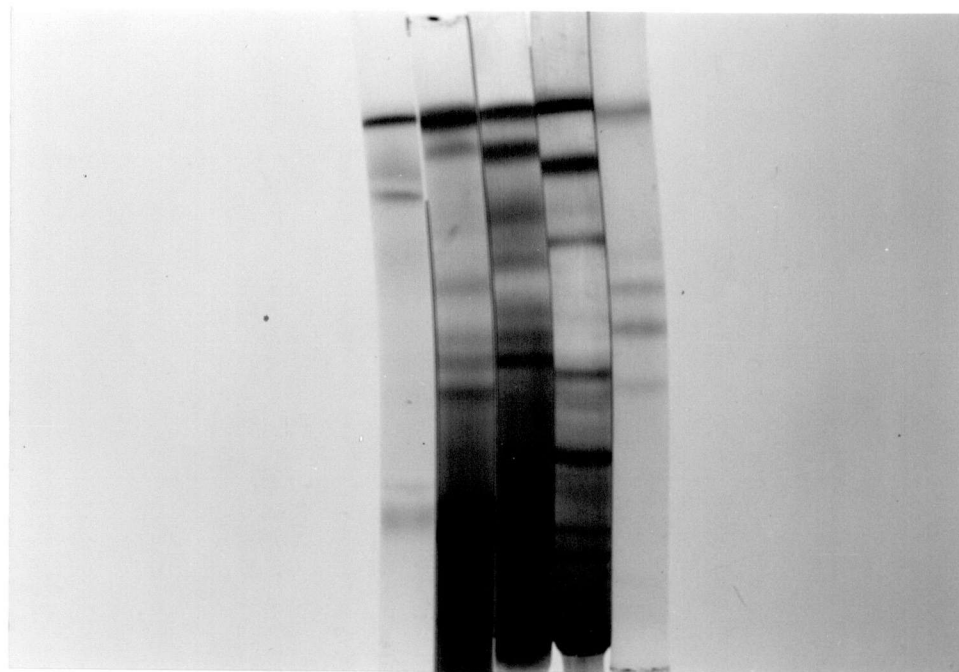
1 2 3 4 5

รูปที่ 24 แสดงแถบโปรตีนที่เกิดบนแท่งเจลของสายพันธุ์นิวแอสท์ในกลุ่มที่ 2 เทียบกับสายพันธุ์ต้นแบบ

- เจลแท่งที่ 1 โปรตีนของ T3
 2 โปรตีนของ B4
 3 โปรตีนของ B8
 4 โปรตีนของ B12
 5 โปรตีนของ V



รูปที่ 24 ก ภาพรวมอธิบายแถบโปรตีนที่ปรากฏเด่นชัดของสายพันธุ์ T3 B4 B8 B12 V บนแท่งเจล



1 2 3 4 5

รูปที่ 25 แสดงแถบโปรตีนที่เกิดขึ้นบนแท่งเจลของสายพันธุ์ผิวแลนท์ในกลุ่ม 3 เทียบกับสายพันธุ์ต้นแบบ

- เจลแท่งที่1 โปรตีนของ T3
- 2 โปรตีนของ C6
- 3 โปรตีนของ C13
- 4 โปรตีนของ C30
- 5 โปรตีนของ V

	T3	C6	C13	C30	V	
						0.93
0.87						
						0.73
0.7						0.67
						0.6
0.45						0.5
0.36						0.4
0.3						0.32
0.22						
0.13						0.17
0.08						0.12

รูปที่ 25 ก ภาพรวมอธิบายแถบโปรตีนที่ปรากฏเด่นชัดของสายพันธุ์ T3 C6 C13 C30
V บนแท่งเจล

ตารางที่ 4 แสดงค่า Rf จากแถบโปรตีนของเจลอิเล็กโตรโฟรีสิส

V	T3	a2	a1	a5	a14	A2	A3	A4	B4	B8	B12	C6	C13	C30
														.04
	.08										.09			.07
.12	.13	.14							.12					.15
.17		.16	.18			.20	.16				.18		.18	
	.22				.22	.24	.22	.21	.25	.21		.2	.22	.21
	.3				.28	.28	.29	.27	.31		.31			
.32												.32		
	.36	.34	.35	.36			.35		.35	.36		.34		.34
.4								.38	.43	.4	.42	.39		
	.45	.48					.44		.45	.44	.47			.45
.5	.5	.52	.52					.52	.5		.52		.5	.5
		.55										.56		.54
.6									.6			.58		
.67	.66	.67			.66	.66				.64		.63	.64	
	.7							.71						
.73	.74		.75	.74	.74							.73	.74	
								.77		.77	.76	.8		
	.87	.89			.86	.86	.89		.89			.83	.89	.84
								.90		.90	.90	.91		.91
.93												.95		

จากตารางที่ 4 และ รูปที่ 22-25 พบว่าสายพันธุ์ต้นแบบทั้ง V และ T3 ปรากฏแถบโปรตีนจำนวน 9 และ 8 แถบตามลำดับ ส่วนในกลุ่มผสมกลุ่มต่างๆพบว่า

นิวแชนท์ในกลุ่ม 1 คือ a1 a2 a5 a14 A2 A3 A4 พบแถบโปรตีน 6 6 4 5 6 6 และ 7 ตามลำดับ นิวแชนท์ในกลุ่มที่ 2 คือ B4 B8 B12 พบแถบโปรตีน 8 7 และ 9 ตามลำดับ ส่วนในนิวแชนท์กลุ่มที่ 3 คือ C6 C13 C30 พบแถบโปรตีน 11 7 และ 10 ตามลำดับ ตำแหน่งแถบของโปรตีนที่ปรากฏในนิวแชนท์เหล่านี้ พบว่า ส่วนใหญ่มีค่า Rf ใกล้เคียงกับสายพันธุ์ต้นแบบ บางแถบมีค่า Rf ต่างไปจากสายพันธุ์ต้นแบบคือ a1 ที่ตำแหน่ง 0.55 นิวแชนท์กลุ่ม 2 B8 ค่า Rf ที่ตำแหน่ง 0.77 และ 0.9 ส่วนใน B12 Rf ที่ตำแหน่ง 0.76 และ 0.9 นิวแชนท์กลุ่มที่ 3 C6 ค่า Rf ในตำแหน่งที่ 0.55 0.8 และ 0.9 C30 ค่า Rf ตำแหน่งที่ 0.04 0.54 0.913

การที่นิวแชนท์มีตำแหน่งของโปรตีนต่างจากสายพันธุ์ต้นแบบเป็นเพราะเกิดกระบวนการ Miotic crossing-over ขึ้นในวงชีวิตของสายพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศ ได้มีรายงานการหาแถบของเอนไซม์ แลคเคส (Laccase) ของ *Plurotus ostreatus* โดย Prillinger and Molitoris (1979) เปรียบเทียบระหว่าง *P. ostreatus* 2 สายพันธุ์ และนิวแชนท์ พบว่านิวแชนท์ 6 สายพันธุ์มีแถบเอนไซม์ตำแหน่งเดียวกับสายพันธุ์ต้นแบบ นิวแชนท์ 1 ตัวมีแถบที่ตำแหน่งเดียวกับทั้งในสายพันธุ์ต้นแบบทั้ง 2 และนิวแชนท์อีก 1 ตัว จะเห็นมีเนียงแถบบางๆเท่านั้น ซึ่งจากงานวิจัยนี้ สอดคล้องกับผลการทดลองหาค่า Rf จากตำแหน่งของแถบโปรตีนในเจล อิเล็กโตรโฟริสิส