

เอกสารอ้างอิง

1. Stewart, J., and Valtin, H. "Computer Simulation of Osmotic Gradient without Active Transport in Renal Inner Medulla. "Kidney International 8 (1972): 264-270.
2. Katayama, Y., and Murata, K. "Synaptic Integration and Input-Output Relations in Computer-Simulation Neuron." Bulletin of Tokyo Medicine Deut University 20 (1973): 1-17.
3. Valleron, J. A., and Frindel, E. "Computer Simulation of Growing Cell Populations. "Cell and Tissue Kinetics 6 (1973): 69-79.
4. Neville, C.M., Kelman, B.R., and Briese, W.F. "Monte Carlo Simulation of Co-operative Absorption of Ligands onto Polymers. "Journal of Theoretical Biology 35 (1972): 129-144.
5. Lumb, R. J., and MacFarland, L. B. "A Computer Simulation of the Production of Lymphocytes in the Thymus. "Research Journal of Reticuloendothelial Society 12 (1972): 80-89.
6. Lampkin, C. B., and MacWilliams, B. N. "Cell Kinetics in Human Acute Lymphoblastic Leukemia: Computer Simulation with Discrete Modeling Techniques. "Blood 41 (1973): 141-154.
7. Back, L. H., Buttery, J. P., and Gregson, K. "A New Method



for the Computation of Amino Acid Chromatograms."

Journal of Chromatography 68 (1972): 103-109.

8. Lamaziere, J., and Miglierina, R. "Computer Programs for Calculations in Amino Acid Analysis. "Journal of Chromatography 106 (1975): 191-195.
9. Hoare, G. D., "A Curve-Fitting Procedure Utilizing a Small Computer for Equation Containing Three or Four Unknown Constants. "Analytical Biochemistry 46 (1972): 604-615.
10. Taylor, R., and Davies, G.M. "A Fortan IV Computer Program for Automatic Calculation of Amino Acid Composition." Analytical Biochemistry 51 (1973): 180-192.
11. Garfinkel, D., et al. "Computer Applications to Biochemical Kinetics. "Annual Revise Biochemistry 39 (1970): 473-498.
12. Fan, H., and Panaman, S. "Regulation of Protein Synthesis in Mammalian Cells. II. Inhibition of Protein Synthesis at the Levels of Initiation during Mitosis. "Journal of Molecular Biology 50 (1970): 655-670.
13. McKeehan, W., and Hardesty, B. "The Mechanism of Cyclohexamide Inhibition of Protein Synthesis in Rabbit Reticulocytes." Biochemical and Biophysical Research Communication 36 (1969): 625-630.
14. Lehninger, L. A. Biochemistry: The Molecular Basis of Cell Structure and Function. New York: Worth Publishers, 1972.
15. Watson, J. D. Molecular Biology of the Gene. 2<sup>nd</sup> ed. New York:

- Benjamin, 1970.
16. สีรินทร์ วิโนกชลันดา และคนอื่นๆ. ชีวเคมี. กรุงเทพมหานคร โรงพิมพ์บูรุง-  
นูกูดิ, 22516.
17. Anukarahanonta, T. "Studies on Inhibition of Protein Synthesis  
in the Rat Liver Following D-Galactosamine  
Administration." Ph.D. dissertation, Department of  
Biochemistry, School of Medicine, University of  
Pittsburgh, 1973.
18. Gordon, R. "Polyribosome Dynamics at Steady State." Journal  
of Theoretical Biology 22 (1969): 515-532.
19. Warner, R. J., Rich, A., and Hall, E. C. "Electron Microscope  
Studies of Ribosomal Clusters Synthesizing Hemoglobin." Science 138 (1962): 1399-1403.
20. Takanami, M., and Zubay, G. "An Estimate of the Site of the  
Ribosomal Site for Messenger RNA Binding." Proceedings  
of the National Academy of Sciences of the United  
States of America 51 (1964): 834-839.
21. Kaempfer, R. "Dissociation of Ribosomes on Polypeptide Chain  
Termination and Origin of Single Ribosome." Nature 228  
(1970): 534-537.
22. Nomura, M., and Lowry, V. C. "Phage F<sub>2</sub> RNA-Directed Binding of  
Formylmethionyl-tRNA to Ribosomes and the Role of 30S  
Ribosomal Subunits in Initiation of Protein Synthesis." Proceedings  
of the National Academy of Sciences of the  
United States of America 58 (1967): 946-953.
23. Nomura, M., Lowry, V. C., and Guthrie, C. "The Initiation of

- Protein Synthesis: Joining of the 50S Ribosomal Subunit to the Initiation Complex. "Proceedings of the National Academy of Sciences of the United State of America 58 (1967): 1487-1493.
24. Guthrie, C., and Nomura, M. "Initiation of Protein Synthesis: a Critical Test of the 30S Subunit Model." Nature 219 (1968): 232-235.
25. Ibuki, F., Gasior, E., and Moldave, K. "The Interaction of Aminoacyl Soluble Ribonucleic Acid and Aminoacyl Transferase I." The Journal of Biological Chemistry 241 (1966): 2188-2193.
26. Ibuki, F., and Moldave, K. "The Effect of Guanosine Triphosphate, Other Nucleotides, and Aminoacyl Transfer Ribonucleic Acid on the Activity of Transferase I and on Its Binding to Ribosomes." The Journal of Biological Chemistry 243 (1968): 44-50.
27. Jerez, C., Sandoval, A., Allende, E. J., Henes, C., and Ofengand, J. "Specificity of the Interaction of Aminoacyl Ribonucleic Acid with a Protein-Guanosine Triphosphate Complex from Wheat Embryo." Biochemistry 8 (1969): 3006-3013.
28. Rao, P., and Moldave, K. "The Binding of Aminoacyl sRNA and GTP to Transferase I." Biochemical and Biophysical Research Communication 28 (1967): 909-913.
29. Richter, D. "Formulation of a Ternary Complex between Yeast Aminoacyl-tRNA Binding Factor, GTP, and Aminoacyl-tRNA."

Biochemical and Biophysical Research Communication 38  
(1970): 864-870.

30. Rao, P., and Moldave, K. "Interaction of Polypeptide Chain Elongation Factors with Rat Liver Ribosomal Subunits." Journal of Molecular Biology 46 (1969): 447-457.
31. Felicetti, L., and Lipmann, F. "Comparison of Amino Acid Polymerization Factors Isolated from Rat Liver and Rabbit Reticulocytes," Archives of Biochemistry and Biophysics 125 (1968): 548-557.
32. McKeehan, W., Sepulveda, P., Lin, Y. S., and Hardesty, B. "Two Distinct Transfer Enzymes from Rabbit Reticulocytes with Ribosome Dependent Guanosine Triphosphate Phosphohydrolase Activity." Biochemical and Biophysical Research Communication 34 (1969): 668-680.
33. Skogarson, L., and Moldave, K. "Evidence for Aminoacyl-tRNA Binding, Peptide Bond Synthesis, and Translocase Activities in the Aminoacyl Transfer Reaction." Archives of Biochemistry and Biophysics 125 (1968): 497-505.
34. Hunt, T., Hunter, T., and Munro, A. "Control of Haemoglobin Synthesis: Distribution of Ribosomes on the Messenger RNA for and Chains." Journal of Molecular Biology 36 (1969): 31-45.
35. Scolnick, M. E., and Caskey, T. C. "Peptide Chain Termination, V. The Role of Release Factors in mRNA Terminator Codon Recognition." Proceedings of the National Academy of Sciences of the United State of America 64

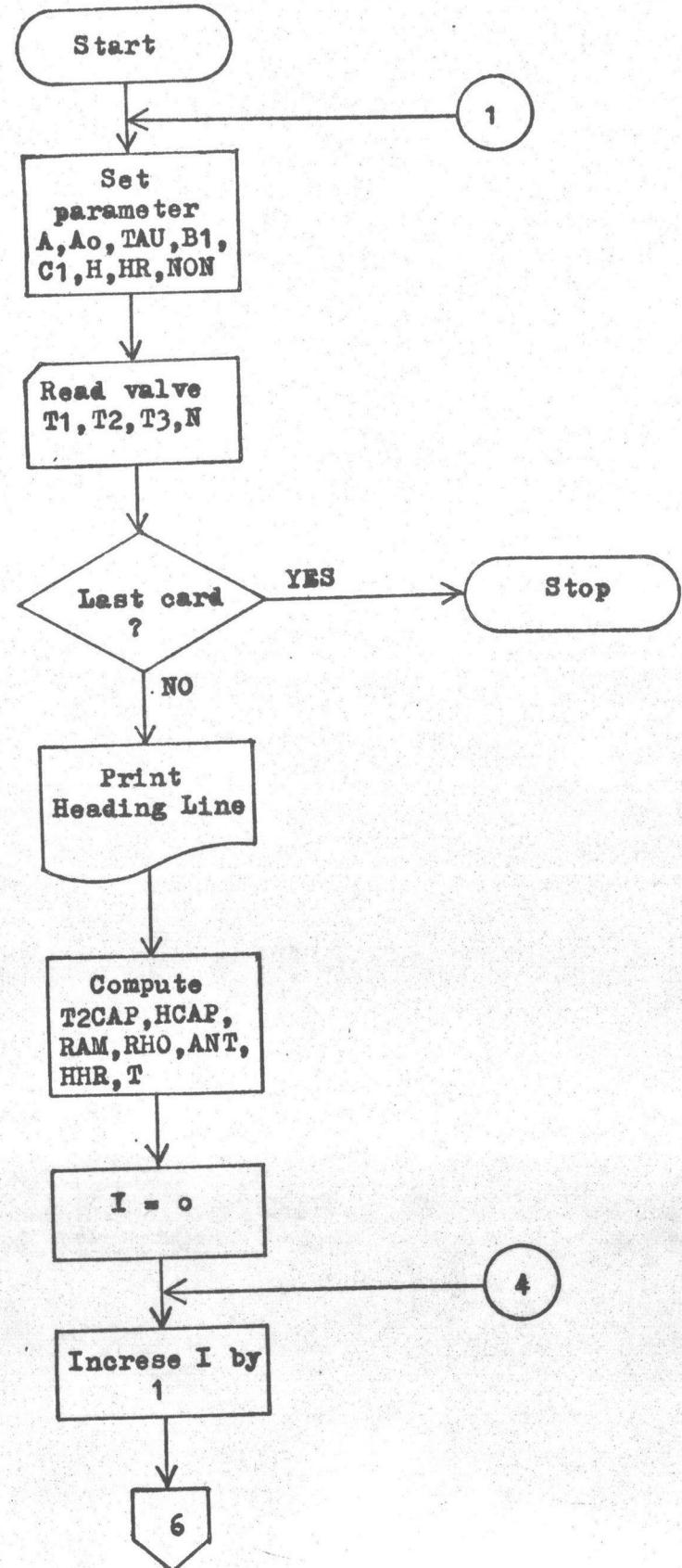
(1969): 1235-1241.

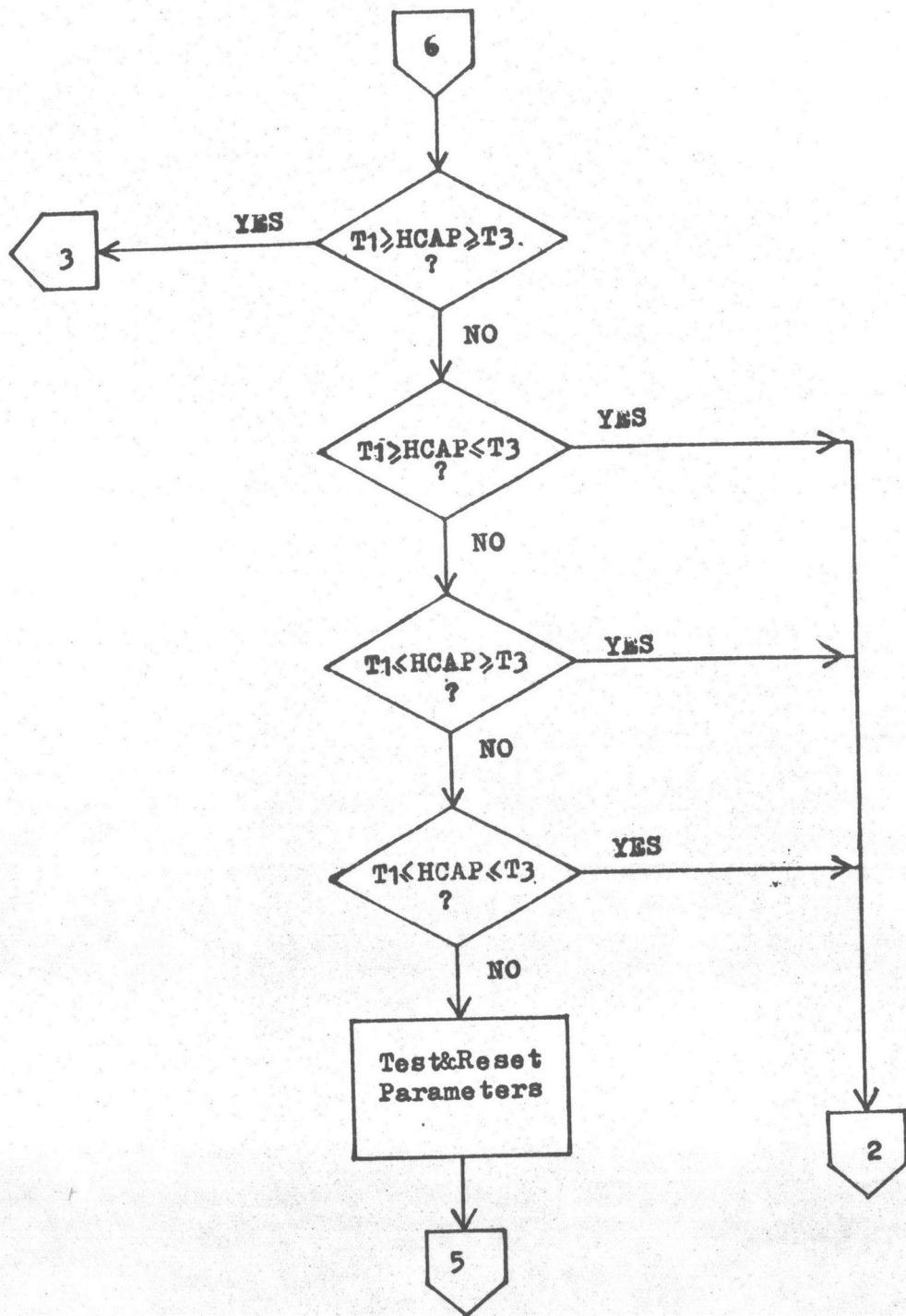
36. Loftfield, B. R., and Eigner, A.E. "The Time Required for the Synthesis of a Ferbitin Molecular in Rat Liver." The Journal Of Biological Chemistry 231 (1958): 925-943.
37. Emshof, J. R., and Sison, R. L. Design & Use of Computer Simulation Models. New York : Mac Millan., 1970.
38. Naylor, H. T., et al. Computer Simulation Technique. New York: John Wiley Son., 1966.
39. Organick, I. E. A Fortran IV Primer. Massachusetts: Addison Wesley Publishing Co., 1972.
40. สวัสดิ์ แสงบางปลา. คำราเรียนวิชาคอมพิวเตอร์ภาษา FORTRAN IV. พิมพ์ครั้งที่ 2. กรุงเทพมหานคร ย้าเวสท์การพิมพ์, 2515.
41. สุรุวิทย์ กองสาสนะ. คณิตศาสตร์ชั้นสูง. กรุงเทพมหานคร สำนักพิมพ์ไทยวัฒนา พันธุ์, 2518.
42. น.ร.ว.พรarcพงศ์สินิท สนิหวงศ์. แคลคูลัสและเรขาคณิตวิเคราะห์. กรุงเทพมหานคร สำนักพิมพ์ไทยวัฒนาพันธุ์, 2508.
43. Marriott, H. C. F. Basic Mathematics for the Biological and Social Sciences. London: Pergamon Press, 1970.
44. Granville, A. W., Smith, P. F., and Longley, R. W. Elements of the Differential and Integral Calculus. New Delhi: Oxford & IBH Publishing, 1969.
45. Niven, Ivan. Calculus An Introductory Approach. New Jersy: D. Van Nostrand Co., 1961.
46. Froberg, C. E. Introduction to Numerical Analysis. 3<sup>rd</sup> ed. Massachusetts: Addison-Wesley Publishing Co., 1973.
47. Gerald, F. C. Applied Numerical Analysis. Massachusetts: Addison Wesley Publishing Co., Reading., 1970.

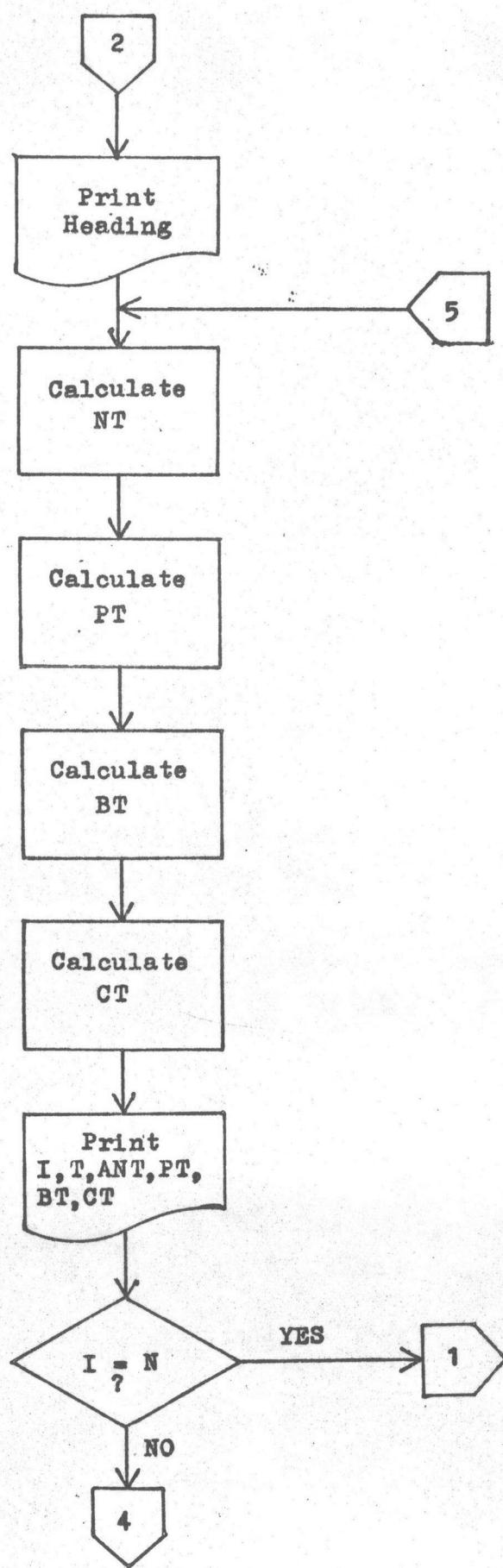
ภาคผนวก

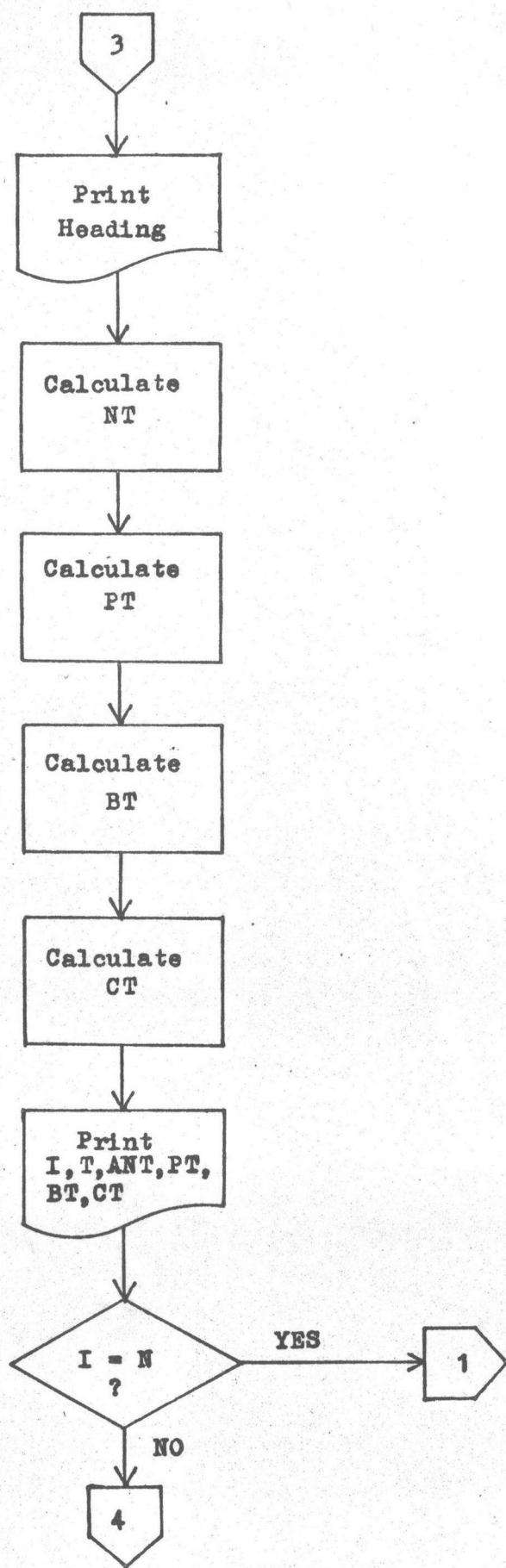
ພາວກ ດ

FLOW CHART OUTLINING THE PROGRAM









ผู้ว่าฯ

โครงการ

FORTRAN 200

## SOURCE LISTING AND DIAGNOSTICS

PROGRAM: 000000

```

***** THE PURPOSE OF THIS PROGRAM IS TO CALCULATE P(T), N(T), R(T) AND C(T)
***** DEFINED AS FOLLOWS.
***** N(T) = THE NUMBER OF RIBOSOMES ON THE M-RNA AT TIME T.
***** R(T) = THE TOTAL AMOUNT OF LABELLED AMINO ACIDS COLLECTED BY THE RIBOSOME
           INTO PARTIALLY COMPLETED PROTEINS ON THE M-RNA AT TIME T.
***** C(T) = THE TOTAL AMOUNT OF LABELLED AMINO ACIDS IN COMPLETED PROTEINS IN
           THE CELLULAR SAP AT TIME T.
***** P(T) = FRACTIONAL CONCENTRATION OF LABELLED FREE AMINO ACIDS AT TIME T.
***** THE BASIC PARAMETERS ARE AS FOLLOWS.
***** H = THE LENGTH OF THE M-RNA A MEASURED BY A UNIT OF TRINUCLEOTIDE.
***** HR = THE NUMBER OF STATES OCCUPIED BY RIBOSOME.
***** T1 = TIME INTERVAL BETWEEN SUCCESSIVE APPEARANCE OF RIBOSOMES AT THE
           INITIATION END.
***** T2 = THE TIME BY A RIBOSOME TO MOVE FROM THE INITIATION END TO THE
           TERMINATION END.
***** T3 = THE WAITING TIME OF THE RIBOSOME AT THE TERMINATION END.
***** T2CAP= T2/H
***** THIS PROGRAM IN ORDER TO TEST THE DATA ARE CONGESTED CASE OR
***** NON-CONGESTED CASE.
*****
```

```

001   1      A=0.097
002   A=176.0.2991
003   TA J=14.776767
004   B1=0.01705
005   C1=0.06767
006   H=200
007   HR=3
008   NOV=0
010
011   C      IMPUT T1,T2,T3,N
012   READ(2,11)T1,T2,T3,N
013   CALL EOF(J)
014   IF(J.EQ.1) GO TO 6
015   WRITE(3,55)
016   T2CAP=T2/H
017   HCAP=HR*T2CAP
018   IF(T1.GE.HCAP) RAM=T1
019   IF(T1.LT.HCAP) RAM=HCAP
020   RH0=((H/HR)-(T2CAP+H)/RAM)/(1./T1-(1./T3))
021   ANT=(T2CAP*H)/RAM
022   H4R=4/HR
023   T=-2
024
025   C      CALCULATION LOOP.
026   DO 5 I = 1, N
027   T=T+ .2
028   HCAP= HR*T2CAP
029   IF(T1.GE.HCAP) RAM=T1
030   IF(T1.LT.HCAP) RAM= HCAP
031   IF((HCAP.GE.T3).AND.(T1.GE.HCAP)) GO TO 3
032   IF((HCAP.LT.T3).AND.(T1.GE.HCAP)) GO TO 2
033   IF((HCAP.GE.T3).AND.(T1.LT.HCAP)) GO TO 2
034   IF((HCAP.LT.T3).AND.(T1.LT.HCAP)) GO TO 2
035
036   GO TO 4
037   2      IF(I.EQ.1) WRITE(3,22)

```

```

040      NON=0
041      GO TO 4
042      3      IF(T1.LT.HCAP) T1 = HCAP
043      IF(I.EQ.1) WRITE (3,33)
044      NON=1
045      4      IF(HCAP.GE.T3) T0=T1
046      IF (HCAP.LT.T3) T0=T3
047      IF(NON.EQ.0)GO TO 7
048      C      CALCULATE THE VALUE OF N(T).
049      ANT=A*T2CAP*(1./T1 - 1./T0)*T + (T2CAP*4)/RAM
050      HCAPN=HCAP+ (T3-HCAP)*((1.-EXP(-T/R-10))/0.63212066)
051      41     NNT=ANT+.5
052      ANT = NNT
053      T2CAPN=HCAPN/HR
054      EXPX= EXP(-T / TAJ)
055      C      CALCULATE THE VALUE OF P(T).
056      PT = A0 * EXPX
057      NPT= PT+.5
058      PT=NPT
059      A1=B1*A0*(1./T1+ANT/T2CAP)
060      A2=C1/T3
061      ALPHA=A1/(A2-1./TAJ)
062      EXPY = EXP(-A2 * T)
063      C      CALCULATE THE VALUE OF B(T).
064      BT = ALPHA * (EXPX - EXPY)
065      NBT = BT+.5
066      BT = NBT
067      C      CALCULATE THE VALUE OF C(T).
068      CT = ((ALPHA * C1) / T3) * (-TAJ * EXPX + (1./A2)*EXPY+TAU-1./A2)
069      NCT = CT+.5
070      CT = NCT
071      C      OUTPUT SENDING.
072      WRITE(3,44) I,T,ANT,PT,BT,CT
073      IF(NON.EQ.1) GO TO 5
074      IF(T2CAPN*HR.GT.T1) T1=T2CAPN*HR
075      T2CAP=T2CAPN
076      CONTINUE
077      5      C      END OF THIS STEP AND BEGENING THE NEW STEP
078      GO TO 1
079      7      IF(ANT.GE.-HHR) GO TO 8
080      ANT=A*T2CAP*(1./T1-1./T0)*T + ANT
081      GO TO 41
082      6      ANT= HHR
083      GO TO 41
084      6      STOP
085      11     FORMAT(F3.2,F4.2,F3.2,I2)
086      22     FORMAT(15H CONGESTED CASE)
087      33     FORMAT(18H NONCONGESTED CASE)
088      44     FORMAT(10X,I6,F8.2,4F10.0/)
089      55     FORMAT(1H1,13X,3HNO.,5X,1HT,8X,2HNT,9X,2HPT,7X,2HBHT,9X,2HCT/)
090      END

```

ผนวก ๓

ข้อมูลตัวอย่าง

๑. ในการวัดปกติ

$$T_1 = 0.15 \text{ นาที}$$

$$T_2 = 1.5 \text{ นาที}$$

$$T_3 = 0.01 \text{ นาที}$$

$$N = 90$$

๒. ในการวัดผิดปกติ

$$T_1 = 0.15 \text{ นาที}$$

$$T_2 = 1.5 \text{ นาที}$$

$$T_3 = 0.42 \text{ นาที}$$

$$N = 90$$

ผนวก ง

ตัวอย่างผลที่ได้รับจากโปรแกรมตามข้อมูลที่ระบุ

NO.	T	NT	PT	BT	CT
NONCONGESTED CASE					
1	0.00	10.	1760.	0.	0.
2	.20	10.	1737.	137.	2.
3	.40	10.	1713.	170.	7.
4	.60	10.	1690.	177.	12.
5	.80	10.	1668.	177.	17.
6	1.00	10.	1645.	175.	22.
7	1.20	10.	1623.	173.	27.
8	1.40	10.	1601.	171.	32.
9	1.60	10.	1580.	168.	37.
10	1.80	10.	1558.	166.	42.
11	2.00	10.	1537.	164.	47.
12	2.20	10.	1517.	162.	51.
13	2.40	10.	1496.	159.	56.
14	2.60	10.	1476.	157.	61.
15	2.80	10.	1456.	155.	65.
16	3.00	10.	1437.	153.	70.
17	3.20	10.	1418.	151.	74.
18	3.40	10.	1398.	149.	78.
19	3.60	10.	1380.	147.	83.
20	3.80	10.	1361.	145.	87.
21	4.00	10.	1343.	143.	91.
22	4.20	10.	1325.	141.	95.
23	4.40	10.	1307.	139.	99.
24	4.60	10.	1289.	137.	103.
25	4.80	10.	1272.	136.	107.
26	5.00	10.	1255.	134.	111.
27	5.20	10.	1238.	132.	115.
28	5.40	10.	1221.	130.	118.
29	5.60	10.	1205.	128.	122.

30	5.80	10.	1189.	127.	126.
31	6.00	10.	1173.	125.	130.
32	6.20	10.	1157.	123.	133.
33	6.40	10.	1142.	122.	137.
34	6.60	10.	1126.	120.	140.
35	6.80	10.	1111.	118.	144.
36	7.00	10.	1096.	117.	147.
37	7.20	10.	1081.	115.	150.
38	7.40	10.	1067.	114.	154.
39	7.60	10.	1052.	112.	157.
40	7.80	10.	1038.	111.	160.
41	8.00	10.	1024.	109.	163.
42	8.20	10.	1011.	108.	166.
43	8.40	10.	997.	106.	170.
44	8.60	10.	984.	105.	173.
45	8.80	10.	970.	103.	176.
46	9.00	10.	957.	102.	179.
47	9.20	10.	944.	101.	181.
48	9.40	10.	932.	99.	184.
49	9.60	10.	919.	98.	187.
50	9.80	10.	907.	97.	190.
51	10.00	10.	895.	95.	193.
52	10.20	10.	883.	94.	196.
53	10.40	10.	871.	93.	198.
54	10.60	10.	859.	92.	201.
55	10.80	10.	848.	90.	204.
56	11.00	10.	836.	89.	206.
57	11.20	10.	825.	88.	209.
58	11.40	10.	814.	87.	211.
59	11.60	10.	803.	86.	214.
60	11.80	10.	792.	84.	216.

61	12.00	10.	781.	83.	219.
62	12.20	10.	771.	82.	221.
63	12.40	10.	761.	81.	223.
64	12.60	10.	750.	80.	226.
65	12.80	10.	740.	79.	228.
66	13.00	10.	730.	78.	230.
67	13.20	10.	720.	77.	232.
68	13.40	10.	711.	76.	235.
69	13.60	10.	701.	75.	237.
70	13.80	10.	692.	74.	239.
71	14.00	10.	683.	73.	241.
72	14.20	10.	673.	72.	243.
73	14.40	10.	664.	71.	245.
74	14.60	10.	655.	70.	247.
75	14.80	10.	647.	69.	249.
76	15.00	10.	638.	68.	251.
77	15.20	10.	629.	67.	253.
78	15.40	10.	621.	66.	255.
79	15.60	10.	612.	65.	257.
80	15.80	10.	604.	64.	259.
81	16.00	10.	596.	64.	261.
82	16.20	10.	588.	63.	262.
83	16.40	10.	580.	62.	264.
84	16.60	10.	572.	61.	266.
85	16.80	10.	565.	60.	268.
86	17.00	10.	557.	59.	270.
87	17.20	10.	550.	59.	271.
88	17.40	10.	542.	58.	273.
89	17.60	10.	535.	57.	275.
90	17.80	10.	528.	56.	276.

NO.	T	NT	FT	BT	CT
<b>CONGESTED CASE</b>					
1	0.00	10.	1760.	0.	0.
2	.20	10.	1737.	246.	0.
3	.40	10.	1713.	427.	0.
4	.60	11.	1690.	566.	1.
5	.80	12.	1668.	642.	1.
6	1.00	13.	1645.	679.	1.
7	1.20	15.	1623.	748.	2.
8	1.40	17.	1601.	805.	2.
9	1.60	19.	1580.	858.	3.
10	1.80	21.	1558.	914.	3.
11	2.00	23.	1537.	973.	4.
12	2.20	24.	1517.	998.	4.
13	2.40	25.	1496.	1030.	5.
14	2.60	25.	1476.	1030.	5.
15	2.80	25.	1456.	1036.	6.
16	3.00	25.	1437.	1048.	6.
17	3.20	25.	1418.	1065.	7.
18	3.40	25.	1398.	1085.	7.
19	3.60	25.	1380.	1107.	8.
20	3.80	25.	1351.	1132.	9.
21	4.00	25.	1343.	1157.	9.
22	4.20	25.	1325.	1183.	10.
23	4.40	25.	1307.	1208.	11.
24	4.60	25.	1289.	1233.	12.
25	4.80	25.	1272.	1257.	13.
26	5.00	25.	1255.	1279.	13.
27	5.20	25.	1238.	1301.	14.
28	5.40	25.	1221.	1321.	15.
29	5.60	25.	1205.	1340.	16.

30	5.80	25.	1189.	1351.	17.
31	6.00	25.	1173.	1374.	18.
32	6.20	25.	1157.	1388.	19.
33	6.40	25.	1142.	1402.	20.
34	6.60	25.	1126.	1415.	21.
35	6.80	25.	1111.	1426.	22.
36	7.00	25.	1096.	1436.	23.
37	7.20	25.	1081.	1445.	24.
38	7.40	25.	1067.	1453.	25.
39	7.60	25.	1052.	1460.	26.
40	7.80	25.	1038.	1466.	27.
41	8.00	25.	1024.	1472.	28.
42	8.20	25.	1011.	1476.	29.
43	8.40	25.	997.	1480.	30.
44	8.60	25.	984.	1482.	31.
45	8.80	25.	970.	1484.	32.
46	9.00	25.	957.	1486.	33.
47	9.20	25.	944.	1486.	34.
48	9.40	25.	932.	1486.	35.
49	9.60	25.	919.	1486.	36.
50	9.80	25.	907.	1484.	37.
51	10.00	25.	895.	1482.	38.
52	10.20	25.	883.	1480.	39.
53	10.40	25.	871.	1477.	40.
54	10.60	25.	859.	1474.	41.
55	10.80	25.	848.	1470.	42.
56	11.00	25.	836.	1465.	43.
57	11.20	25.	825.	1461.	44.
58	11.40	25.	814.	1455.	45.
59	11.60	25.	803.	1450.	46.
60	11.80	25.	792.	1444.	47.

61	12.00	25.	781.	1438.	48.
62	12.20	25.	771.	1431.	49.
63	12.40	25.	761.	1424.	50.
64	12.60	25.	750.	1417.	51.
65	12.80	25.	740.	1409.	52.
66	13.00	25.	730.	1401.	53.
67	13.20	25.	720.	1393.	54.
68	13.40	25.	711.	1385.	55.
69	13.60	25.	701.	1377.	56.
70	13.80	25.	692.	1368.	57.
71	14.00	25.	683.	1359.	58.
72	14.20	25.	673.	1350.	59.
73	14.40	25.	664.	1341.	59.
74	14.60	25.	655.	1331.	60.
75	14.80	25.	647.	1322.	61.
76	15.00	25.	638.	1312.	62.
77	15.20	25.	629.	1302.	63.
78	15.40	25.	621.	1292.	64.
79	15.60	25.	612.	1282.	65.
80	15.80	25.	604.	1272.	66.
81	16.00	25.	596.	1262.	67.
82	16.20	25.	588.	1252.	68.
83	16.40	25.	580.	1241.	68.
84	16.60	25.	572.	1231.	69.
85	16.80	25.	565.	1220.	70.
86	17.00	25.	557.	1210.	71.
87	17.20	25.	550.	1199.	72.
88	17.40	25.	542.	1189.	73.
89	17.60	25.	535.	1178.	73.
90	17.80	25.	528.	1167.	74.

ພນວກ ຈ

ศัพท์

ไทย

อังกฤษ

หนา

การแข็งตัวของเดือด	blood clotting	๗
การคั่ง	congested	๓๗
การทำงาน	activity	๗
การปั่น	centrifugation	๗
การเริ่มต้น	initiation	๓๖
การเริ่มแปลรหัสพันธุกรรม	initiation of trauslation	๒๓
การเรียงตัว	sequence	๘
การเดินลาก	simulation	๒
การสังเคราะห์โปรตีน	protein synthesis	๙
การสังเคราะห์โปรตีนในภาวะปกติ	non-congested case	๓๓
การสังเคราะห์โปรตีนในภาวะผิดปกติ	congested case	๓๓
การสร้างเปปไทด์บนค์และโปรตีน	elongation process	๒๓
การสร้างโปรตีน และแบล็ด	translation	๒๐
การหยุดการสร้างโปรตีน	termination step	๒๖
กระดูกสันหลัง	backbone	๑๕
กระตุน	stimulate	๗
กรดดีออกซีไรบอนิวคลีอิก	deoxyribonucleic acid	๑๖
กรดนิวคลีอิก	nucleic acid	๑๖
กรดไรบอนิวคลีอิก	ribonucleic acid	๑๖
กรดอะมิโน	amino acid	๗
กล่อง	box	๓๔
เกลียว	helix	๘

ไทย	อังกฤษ	หนา
เกลี่วคู	double helix	๑๗
ไกลโคซิດิกบอนด์	glycosidic bond	๑๘
ไกลโคโปรตีน	glycoprotein	๖
ขักเป็นก้อนกลม	globular	๔
ขันตอน	step	๔
ขอความทางพันธุกรรม	genetic information	๑๖
คงที่	constance	๓๓
คาดบีบ	raw value	๕๔
คาดสะสม	accumulation value	๖๐
คาดสูงสุด	peak	๕๖
เคเชิน	casein	๗
ไกคอน	codon	๒๙
โครงสร้างของโปรตีน	protein structure	๗
โครงสร้างจัตุรภูมิ	quaternary structure	๕
โครงสร้างศีบภูมิ	tertiary structure	๔
โครงสร้างปฐมภูมิ	primary structure	๔
โครงสร้างทุติยภูมิ	secondary structure	๔
คลอแรมphenical	chloramphenical	๕๔
เคลื่อนยาย	translocate	๒๖
ความเฉพาะ	specificity	๒๐
คอมเพล็กซ์	complex	๗
คอลลาเจน	collagen	๖
การบักซิลิก	carboxylic group	๗
เงื่อนไข	condition	๔
จับคู่	complement	๑๔

ไทย	อังกฤษ	หนา
ซีเลีย	cilia	๗
ซูโครัสเกรเดียน	sucrose gradient	๗
ซูโคบูราซิล	pseudouracil	๑๘
ไฮโคลเอ็กโนไมค์	cyclohexamide	๕๕
ไฮโคลปลาสม	cytoplasm	๑๓
Dalton	daltons	๙
ดีออกซีไรบอส	deoxyribose	๑๒
ไนนามิก	dynamic	๓๓
ไนนิวคลีโอไทด์	dinucleotide	๑๕
ไนเนอิน	dinein	๗
ไดโอกอกรูบูราซิล	dihydrouracil	๑๘
เตตրะไซคลิน	tetracycline	๕๕
ตัวควบคุม	regulator	๗
ตัวแปร	variable	๗
ตัวพา	carrier	๒๖
ตัวพิษ	toxin	๗
ตัวเร่ง	catalyse	๖
ต่อมไร้ท่อ	endocrine gland	๗
ถูกดูด	transcribe	๒๗
แท่งยาว	rod	๕
thrombin	trombin	๗
ไทนีน	thymine	๑๘
นิวคลีอิน	nuclein	๑๕
นิวคลีโอไทด์	nucleoside	๑๖
นิวคลีโอไทด์	nucleotide	๑๒

ไทย	อังกฤษ	หนา
นิวเคลียส	nucleus	๗
นำมานป้อน	load	๙
นำยา	solution	๓
เบส	base	๑๒
แบบจำลอง	model	๒
ปฏิบัติ	execute	๓
ปีเปต	pipette	๔๕
เเปปไทด์บอนด์	peptide bond	๗
โนบลีสตรอนิก	polycistronic	๒๗
โนบลีนิวคลีโอไทด์	polynucleotide	๑๖
โนบลีเปปไทด์	polypeptide	๘
โนบลีเมอร์	polymer	๑๕
โนบลีไรโนบลี	polyribosome	๙
ปัจจัยริเริ่ม	initiation factor	๒๗
โปรแกรม	program	๗
โปรตีน	protein	๖
โปรตีนขนส่ง	transport protein	๖
โปรตีนโครงสร้าง	structural protein	๖
โปรตีนที่มีหน้าที่ป้องกัน	protective protein	๗
โปรตีนที่หักตัวได้	contractile protein	๗
โปรตีนสะสม	storage protein	๗
แผ่นผลึก	pleated sheet	๘
พิริมิดีน	pyrimidine	๑๒
พิมคอก็อบ	diphtheria toxin	๗
พิมอหิราต์	cholera toxin	๗

ไทย	อังกฤษ	หนา
พิสัย	range	๓๖
เพียรีน	purine	๑๒
เพียโรไมซิน	puromycin	๕๔
เพ็นโตส	pentose	๑๔
ฟอสฟอไกโอดีสเตรอร์บอนด์	3', 5' phosphodiester bond	๑๔
แฟลคเจลล่า	flagella	๙
ไฟบริน	fibrin	๙
ไฟบรอิน	fibroin	๖
ไฟแทรน ๔	Fortran IV	๓
เมtababolism	metabolism	๗
แมปปิ้ง	template	๑๔
ไมโทคอนเทเรีย	mitochondria	๑๖-๑๗
ไมโอกลوبิน	myoglobin	๖
ไมอติน	myosin	๙
ไม่อง่าว	inactive	๙
ไมโนซิสตรอนิก	monocistronic	๑๖
ไมโนเมอร์	monomer	๙
ยาปฏิชีวนะ	antibiotic	๕๔
ยีน	gene	๙
เยื่อเซลล์	cell membrane	๖
รหัสพันธุกรรม	genetic code	๑๙
เรซิดิว	residue	๑๒
ไรโบส	ribose	๑๒
ไรโบโซม	ribosome	๙
ไวรัสเบี้ยบ	random coil	๙

ไทย

อังกฤษ

หนา

ไลโปโปรตีน	lipoprotein	๖
วิทยาศาสตร์ชีวภาพ	life science	๗
วิธีเตรียมและส่วนประกอบ	matherials and method	๙๘
เวลาการถอดรหัสโคดอน	codon decoding time	๓๗
วงศ์	active	๗
สเตปโตไมซิน	streptomycin	๕๔
สมการทางคณิตศาสตร์	mathematic equation	๔
สมมุติฐาน	assumption	๓๔
สภาพคงที่	steady state	๓๘
ส่วนตะกอน	pellet	๙๘
ส่วนน้ำ	sap	๙๘
สารพันธุกรรม	genetic material	๑๔
เส้น	fibrous	๔
เส้นเดี่ยว	single stranded	๑๓
สัดส่วน	fraction	๕๔
สัมประสิทธิ์การตกตะกอน	sedimentation coefficient	๑๓
หนวย	unit	๓๙
หนวยบอย	subunit	๔
หนอง	pus cell	๑๔
หมูอะมีโน	amino group	๔
หลอดแก้วทดลอง	in vitro	๒
หยุดยั้ง	inhibit	๔
ออกซิเจน	oxygen	๖
อะโรมาติก	aromatic	๙๙
อินซูลิน	insulin	๓

ไทย

อังกฤษ

หนา

อินูโนโกลบูลิน	immunoglobulins	๗
เอไมค์บอนด์	amide bond	๗
เอสเทอร์บอนด์	ester bond	๑๔
เอทีไธโอนีน	ethionine	๕๖
เอนไซม์	enzyme	๖
แอคติน	actin	๗
แอนติเจน	antigen	๗
แอนติบอดี้	antibody	๗
แอนไทโคดอน	anticodon	๑๙
โอลิโกริบิวคลีโอไทด์	oligonucleotide	๑๕
โอลิโกเปปไทด์	oligopeptide	๙
โอลิโกเมอร์	oligomer	๙
โอลัลบูมิน	ovalbumin	๗
อัลฟ่า - คาร์บอนด์	$\alpha$ - C	๙
อัลฟ่า - เคราติน	$\alpha$ - keratin	๖
ฮอร์โมน	hormone	๗
ไฮโมโกลบิน	hemoglobin	๖

## ประวัติการศึกษา

นางสาวชูศรี จุฑพุทธิ สํารวจการศึกษาวิทยาศาสตร์บัณฑิต สาขาวิศวกรรม  
การแพทย์ คณะเทคโนโลยีการแพทย์ มหาวิทยาลัยนิคอล ปีการศึกษา ๒๕๙๔ ได้เข้าศึกษา<sup>ต่อ</sup>  
ที่บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย เมื่อปีการศึกษา ๒๕๙๒