การย่อยสลายสารเพนทาคลอโรฟีนอลโคยสายพันธุ์กลายของ Sphingomonas chlorophenolica ATCC 39723

นางสาวพนารัตน์ อรุณรัติยากร



วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต สาขาวิชาชีวเคมี ภาควิชาชีวเคมี บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ปีการศึกษา 2542 ISBN 974-333-083-6 ลิขสิทธิ์ของบัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

DEGRADATION OF PENTACHLOROPHENOL BY

MUTANT STRAINS OF Sphingomonas chlorophenolica ATCC 39723

MISS PANARAT ARUNRATTIYAKORN

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements

for the Degree of Master of Science in Biochemistry

Department of Biochemistry

Graduate School

Chulalongkorn University

Acadcanic Year 1999

ISBN 974-333-083-6

	Sphingomonas chlorophenolica ATCC 39723
Ву	Miss Panarat Arunrattiyakorn
Department	Biochemistry
Thesis Advisor	Suchart Chanama, Ph.D.
Accepted by the	ne Faculty of Science, Chulalongkorn University in Partial
Fulfillment of the Req	uirement for the Master's Degree.
Sues	(Associate Professor Suchada Kiranandana, Ph.D.)
Thesis Committee	Typpom Limpaine Chairman
	(Assist. Prof. Tipaporn Limpaseni, Ph.D.) Thesis Advisor (Suchart Chanama, Ph. D.) Member (Assist. Prof. Vichien Rimphanichayakit, Ph.D.)
4	(Piyasak Chumpluk, Ph.D.)

Degradation of pentachlorophenol by mutant strains of

Thesis Title

พนารัตน์ อรุณรัติยากร: การย่อยสถายสารเพนทาคลอโรฟีนอลโดยสายพันธุ์กลาย ของ Sphingomonas chlorophenolica ATCC 39723. (DEGRADATION OF PENTACHLOROPHENOL BY MUTANT STRAINS OF Sphingomonas chlorophenolica ATCC 39723) อ.ที่ปรึกษา: คร. สุชาติ ชะนะมา, 70 หน้า, ISBN 974-333-083-6

การกลายพันธุ์โดยการสอดแทรกที่บริเวณจำเพาะในจีโนม (Site-directed insertion mutagenesis) ถูกนำมาใช้ในการศึกษาถึงบทบาทของยืน pcpD ต่อการย่อยสลายสารเพนทาคลอโรฟี นอล ใน Shpingomonas chlorophenolica ATCC 39723 โดยสร้างเวกเตอร์เป้าหมายสำหรับขัดขวาง การทำงานของยืน pcpD (ในจีโนม ของ S. chlorophenolica) ซึ่งเป็นพลาสมิคลูกผสมของ pUC 19 ที่มีชิ้นส่วนของยืน pcpD ที่ถูกสอดแทรกด้วยยืนต้านยาคานามัยซิน เมื่อทำการถ่ายโอนเวกเตอร์เป้า หมายเข้าไปในเซลล์ของ S. chlorophenolica ทำให้เกิดการแลกเปลี่ยนสายดีเอนเอระหว่างจีโนม และเวกเตอร์เป้าหมายในบริเวณที่มีลำดับเบสเหมือนกัน (homologous recombination) ซึ่งเป็น บริเวณยืน pcpD ทำให้เกิดการสอดแทรกของชิ้นยืนด้านยาคานามัยซินเข้าไปในจีโนม เกิดเป็นสาย พันธุ์กลายที่มีการกลายของยืน pcpD และสามารถด้านยาคานามัยซินได้

จากผลการทดลอง หลังจากทำการถ่ายโอนเวคเตอร์เป้าหมายเข้าไปในเซลล์ ของ S. chlorophenolica และทำการคัดเลือกสายพันธุ์กลายในอาหารที่มียาคานามัยซิน สามารถพบโคโลนี ได้หลังจากทำการบ่มไว้ 3 วัน นำโคโลนีที่สามารถต้านยาคานามัยซินได้ 27 โคโลนีมาทำการศึกษา ต่อ จากการวิเคราะห์ดีเอนเอค้วย Southern blot พบว่าให้แถบสัญญาณกับตัวคิดตามที่เป็นชิ้นส่วนของยืน pcpD แต่ไม่แสดงแถบสัญญาณกับตัวติดตามที่เป็นชิ้นส่วนของยืนด้านยาคานามัยซิน คัง นั้นทุกโคโลนีเป็นสายพันธุ์กลายของ S. chlorophenolica ที่ไม่มีการสอดแทรกของชิ้นยืนด้านยาเข้าไปในจีโนมแล่สามารถด้านยาคานามัยซินได้ และไม่พบเวคเตอร์เป้าหมายหลังจากทำการสกัด แยกพลาสมิดในสายพันธุ์กลาย เมื่อทำการทดสอบความสามารถในการย่อยสลายสารเพนทาคลอโร ฟินอลพบว่า ภายในเวลา 2 ชั่วโมงสามารถลดปริมาณเพนทาคลอโรฟินอลได้ 25-99 เปอร์เซ็นต์ ในขณะที่สายพันธุ์ปกติสามารถย่อยสลายได้อย่างสมบูรณ์

ภาควิชา ชีวเดมี	ลายมือชื่อนิสิต พหารัตาน์ อรุณรัตโยากร
	ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา
การศึกษา 25 42	ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม

3971114223

: MAJOR BIOCHEMISTRY

KEY WORD

: Sphingomonas chlorophenolica ATCC 39723 / pentachlorophenol / pcpD gene

/ site-directed insertion mutagenesis / homologous recombination. PANARAT

ARUNRATTIYAKORN: DEGRADATION OF PENTACHLOROPHENOL

BY MUTANT STRAINS OF Sphingomonas chlorophenolica ATCC 39723.

THESIS ADVISOR: MR. SUCHART CHANAMA, Ph.D., 70 p, ISBN 974-

333-083-6

The site-directed insertion mutagenesis of *pcpD* can be obtained via allelic exchange with the corresponding mutated gene for the study of the role of *pcpD* gene in pentachlorophenol degradation in *Sphingomonas chlorophenolica* ATCC 39723. The targeting vector was constructed by cloning the *pcpD* open reading frame into pUC 19 and interrupting the open reading frame by insertion of kanamycin resistance gene. This targeting vector was transformed into *S. chlorophenolica*. Homologous recombination between *pcpD* locus in genome and mutated *pcpD* fragment in targeting vector could be occurred and *pcpD* locus in genome could be replaced by mutated *pcpD* fragment in targeting. Transforments containing mutated *pcpD* gene could be selected in medium containing kanamycin.

In this work, after transformation of this targeting vector into *S. chlorophenolica*, kanamycin resistance colonies became visible after incubation for three days. Southern blot analysis of genomic DNAs isolated from twenty-seven kanamycin resistance clones showed that all of them gave signal bands with *pcpD* gene probe but not with kanamycin resistance gene probe. Therefore, *S. chlorophenolica* did not have kanamycin resistance gene inserted into their genomic DNAs. All of which were mutant strains of *S.chlorophenolica* which did not contain disrupted *pcpD* gene. Extraction of plasmid DNA in mutant strains did not give the targeting vector. Analysis of pentachlorophenol degradation ability by mutant strains showed that these mutants could degrade pentachlorophenol 25-99% in two hours as compared to the wild type strain.

ภาควิชา	न्। वर्ष	ลายมือชื่อนิสิต พาะกรัศณ์ อเนริล์ชกร
		ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา
การศึกษา	2542	ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม



ACKNOWLEDGEMENTS

I would like to express my gratitude to Dr. Suchart Chanama, my advisor for his guidance, suggestion and discussion throughout this research.

The special thank are also extended to Assist. Prof. Dr. Vichien

Rimphanichayakit and Dr. Piyasak Chumpuk for their help in supporting the plasmids and suggestions.

My appreciation is also expressed to Asst. Prof. Dr. Tipaporn Limpaseni for serving as thesis committee.

I wish to express my sincere thanks to all teachers and friends in the Department of Biochemistry and Biotechnology for their help and friendship.

I wish to extend my deepest gratitude to my whole family for their encouragement and understanding throughout my study.

CONTENTS

Page
THAI ABSTRACTiv
ENGLISH ABSTRACTv
ACKNOWLEDGMENTS
CONTENTSvii
LIST OF TABLESix
LIST OF FIGURESx
ABBREVIATIONSxii
CHAPTER 1 INTRODUCTION
1.1 Nature of pentachlorophenol3
1.2 Methods of manufacture of pentachlorophenol4
1.3 Chemical properties of pentachlorophenol
1.4 Physical property of pentachlorophenol
1.5 Biological uptake and transformation of pentachlorophenol9
1.6 Pentachlorophenol degradation by
Sphingomanas chlorophenolica ATCC 3972314
1.7 Gene replacement mediated by homologous recombination
CHAPTER 2.MATERIALS AND METHODS
2.1 Equipment
2.2 Inventory supplies
2.3 Chemicals
2.4 Bacterial strains and plasmids
2.5 Enzymes 19

0	Page
2.6 DNA isolation	19
2.7 Measurement of DNA concentration	21
2.8 Amplification of pcpD open reading frame (ORF) from	
Schlorophenolica ATCC 39723 by Polymerase Chain Reaction	21
2.9 DNA manipulation for gene cloning	22
2.10 Gene cloning	24
2.11 Transformation of plasmid DNA into bacterial cells by	
electroporation	25
2.12 Southern-blot hybridization analysis	27
CHAPTER 3. RESULTS	29
3.1 Construction of plasmid carring pcpD open reading frame	29
3.2 Construction of targeting vector for disruption of	
genomic pcpD	30
3.3 Gene targeting disruption of pcpD in genomic DNA of	
S. chlorophenolica	34
3.4 Pentachlorophenol degradation by mutant strains of	
S. chlorophenolica	38
CHAPTER 4. DISCUSSION	44
CHAPTER 5. CONCLUSION	55
REFERENCES	56
APPENDIXS	64
BIOGRAPHY	70

LIST OF TABLES

Table		Page
1.1 Major registered used of pentachlorophenol in Unitied State of Ame	erica	2
1.2 Non-agriculture used of pentachlorophenol in Great Britain	••••••	2
1.3 Some physical properties pentachlorophenol	••••••	8
3.1 Restricted fragment size generated from digestion of plasmid		
containing pcpD ORF with some restriction endonucleases	• • • • • • • • • •	31
3.2 Restricted fragment size generated from digestion of targeting vector	r	
with some restriction endonucleases		32
3.3 Pentachlorophenol degradation activity of mutant strains of		
S. chlorophenolica and their wild type		38

LIST OF FIGURES

Figure Pa	ge
1.1 Chemical structure of pentachlorophenol	
1.2 Formation of pentachlorophenol and its impurities in pentachlorophenol	
production process5	;
1.3 Photolysis of pentachlorophenol7	
1.4 Biodegradation of pentachlorophenol9)
1.5 The organization of pentachlorophenol degradation1	2
1.6 Degradation pathway for bacterial catabolism of pentachlorophenol	
as determined for identification of pathway intermediates	3
1.7 Depiction of possible crossover events between plasmid and genome 1	5
3.1 Several steps for cloning of pcpD gene fragment into pUC 19	0
3.2 Ethidium bromide staining of DNA from various original sources:	
chromosomal DNA of S. chlorophenolica, PCR products (pcpD) and	
restriction endonuclease digested plasmid containing pcpD	1
3.3 Several steps for insertion of kanamycin resistance gene into plasmid	
carring pcpD ORF3	32
3.4 Ethidium bromide staining of targeting vector digested with various	
restriction endonucleases	3
3.5 Southern blot analysis in mutant strains of S. chlorophenolica no. 1-93	5
3.6 Southern blot analysis in mutant strains of S. chlorophenolica no. 10-183	6
3.7 Southern blot analysis in mutant strains of <i>S. chlorophenolica</i> no. 19-273	7

Figure	36
3.8 Degradation of pentachlorophenol by mutant strains of	
S. chlorophenolica no.1-6 as monitored by UV-spectrophotometric	
method at wavelength of 318nm39	,
3.9 Degradation of pentachlorophenol by mutant strains of	
S. chlorophenolica no.7-12 as monitored by UV-spectrophotometric	
method at wavelength of 318 nm	ł
3.10 Degradation of pentachlorophenol by mutant strains of	
S. chlorophenolica no.13-18 as monitored by UV-spectrophotometric	
method at wavelength of 318 nm	
3.11 Degradation of pentachlorophenol by mutant strains of	
S. chlorophenolica no.19-24 as monitored by UV-spectrophotometric	
method at wavelength of 318 nm	
3.12 Degradation of pentachlorophenol by mutant strains of S. chlorophenolica	
no.25-27 and their wild type as monitored by UV-spectrophotometric	
method at wavelength of 318 nm	

ABBREVIATIONS

Amp^r Ampicillin resistance

AntiDIG-AP Antidigoxigenin conjugated alkaline phosphatase

Bp Boiling point

bp Base pair

^oC Degree Celsius

dATP 2'-deoxyadenisine 5'-triphosphate

dCTP 2'-deoxycytidine 5'-triphosphate

dGTP 2'-deoxyguanosine 5'-triphosphate

dTTP 2'-deoxythymidine 5'-triphosphate

DIG Digoxigenin

DNA Deoxyribonuclease

EDTA Ethylenediamine tetraacetic acid

EtOH Ethyl alcohol

HCl Hydrocloric acid

IPTG Isopropyl-thiogalactoside

Kan^r Kanamycin resistance

kan gene Kanamycin resistance gene

kb Kilobase

l Litre

LB Luria-Bertani

μg Microgram

μl Microlitre

mg Miligram

min Minute

ml

Millilitre

mM

Millimolar

Mp

Melting point

ng

Nanogram

nm

Nanometre

PCP

Pentachlorophenol

PCR

Polymerase Chain Reaction

PEG

Polyethylene glycol

rpm

Revolution per minute

sec

second

SDS

Sodium dodecyl sulphate

TBE

Tris/borate electrophoresis (buffer)

TE

Tris/EDTA (buffer)

Tris-HCl

Tris hydrochloride buffer

UV

Ultraviolet

X-gal

4-bromo-4-chloro-3-indolyl-β-D-galactopyranoside