การทำให้เอนไซม์ 1,2 ดีใฮโดรเรติคิวถีนรีดักเทสจากต้นกล้าฝิ่น บริสุทธิ์ในปริมาณมาก



นางสาวจุไรทิพย์ หวังสินทวีกุล

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาเภสัชศาสตรมหาบัณฑิต ภาควิชาเภสัชเวท บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย พ.ศ. 2538 ISBN 974-632-658-9 ลิขสิทธิ์ของบัณฑิตวิทยาลัย

LARGE SCALE PURIFICATION OF 1,2 DEHYDRORETICULINE REDUCTASE FROM THE OPIUM POPPY SEEDLINGS



Miss Juraithip Wungsintaweekul

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements for the Degree of Master of Science in Pharmacy

Department of Pharmacognosy

Graduate School

Chulalongkorn University

1995

ISBN 974-632-658-9

Thesis Title	Large Scale Purification of 1,2 Dehydroreticuline Reductase
D	from the Opium Poppy Seedlings
B y	Miss Juraithip Wungsintaweekul
Department Thesis Advisor	Pharmacognosy Associate Professor Wanchai De-Eknamkul
Thesis Advisor	Associate Professor Wanchar De-Ekhankur
Accepted b	y the Graduate School, Chulalongkorn University in Partial
Fulfillment of the Re	equirements for the Master's Degree.
San	2. Arengeuren Dean of Graduate School
	te Professor Santi Thoongsuwan, Ph.D.)
Thesis Committee	
	Chaire Charle hars topin the Chairman
	(Associate Professor Chaiyo Chaichantipyuth, M.Sc.)
	(Associate Professor Wanchai De-Eknamkul, Ph.D.)
	Limelmas Clarpur Member
	(Associate Professor Vimolmas Lipipun, Ph.D.)
	Ruft Suttine Member
	(Rutt Suttisri, Ph.D.)
	Thitima Pengnyage Member
	(Thitima Pengsuparp, Ph.D.)

พิมพ์ตันฉบับบทกัดย่อวิทยาบิพนธ์ภายในกรอบสีเขียวนี้เพียงแผ่นเดียว

จุโรทิพย์ หวังสินทวีกุล : การทำให้เอนไซม์ 1,2 ดีไฮโดรเรดิคิวลีนรีดักเทสจากดันกล้าฝิ่น บริสุทธิ์ใน ปริมาณมาก (LARGE SCALE PURIFICATION OF 1,2 DEHYDRORETICULINE REDUCTASE FROM THE OPIUM POPPY SEEDLINGS) อ.ที่ปรึกษา : รศ.ดร.วันชัย ดีเอกนามกูล. 100 หน้า. ISBN 974-632-658-9

เอนไซม์ 1,2 ดีใฮโดรเรติคิวลีนรีดักเทส เป็นเอนไซม์ที่ตรวจพบในดันกล้าฝิ่น ทำหน้าที่เร่งปฏิกิริยา ไฮโดรจิเนชันของ 1,2 dehydroreticuline ไปเป็น (R)-reticuline โดยมี NADPH เป็นโคแฟกเตอร์ ในการศึกษา ครั้งนี้ได้สังเคราะห์ สารกัมมันตรังสี [N-C³H³]-1,2-dehydroreticuline ขึ้น เพื่อใช้ในการวิเคราะห์ปริมาณเอนไซม์ แอคติวิตี้ในระหว่างการแยกเอนไซม์ให้บริสุทธิ์ การสังเคราะห์ [N-C³H³]-1,2-dehydroreticuline ใช้ (S)-norreticuline เป็นสารเริ่มต้น และ อาศัยปฏิกิริยาทางเอนไซม์ 2 ปฏิกิริยา โดยใช้เอนไซม์จาก เซลเนื้อเยื่อเพาะ เลี้ยงของ Berberis stolonifera คือ (S)-tetrahydroprotoberberine oxidase และ N-methyltransferase ตามถำดับ ส่วนการทำให้เอนไซม์ 1,2 ดีไฮโดรเรดิคิวลีนรีดักเทสให้บริสุทธิ์ในปริมาณมากต้องอาศัย 6 ขั้นตอน คือ การตก ตะกอนโปรตินด้วยเกลือแอมโมเนียมซัลเฟตที่ 55-85 เปอร์เซนต์อื่มตัว, การใช้โครมาโทกราฟีบน ฟีนิลเซฟาโรส, การใช้โครมาโทกราฟีบน โมโนคิว เป็นครั้งที่ 1, การใช้โครมาโทกราฟีบน ชูเปอร์โรส และ การใช้โครมาโทกราฟีบน โมโนคิว เป็นครั้งที่ 2 โดยผลของการทำให้บริสุทธิ์ โดยขั้นตอนดัง กล่าวทั้งหมดพบว่า เอนไซม์ 1,2 ดีไฮโดรเรดิคิวลีนรีดักเทสบริสุทธิ์เพิ่มขึ้น 1433 เท่า และ ปริมาณแอคดิวิตี้คงเหลือ เป็น 0.002 เปอร์เซนด์ การศึกษาขนาดโมเลกุลของเอนไซม์ 1,2 ดีไฮโดรเรดิคิวลีนรีดักเทส บนคอลัมน์ชูเปอร์โรส และ บน อีเลคโดรโฟเรซิส (SDS-PAGE) ได้ค่า 34 กิโลดาลดัน ในการศึกษาครั้งนี้ได้รายงานถึง ลำดับบางส่วนของ กรดอะมิโนของเอนไซม์ 1,2 ดีไฮโดรเรดิคิวลีนรีดักเทส ปวัดวย

ภาควิชา	เภสัชเวท	ลายมื้
สาขาวิชา	เภสัชเวท	ลายมื
ปีการศึกษา	2538	ลายมือ

ลายมือชื่อนิสิต	<i>વીમોપ</i> ર્શ	12325 mag-	٠.
ลายมือชื่ออาจาระ			
ลายมือชื่ออาจาร	ย์ที่ปรึกษาร่วม	1	



#C575414 : MAJOR PHARMACOGNOSY

KEY WORD: PAPAVER SOMNIFERUM L. SEEDLINGS/ PURIFICATION/ 1,2-

DEHYDRORETICULINE REDUCTASE

JURAITHIP WUNGSINTAWEEKUL: LARGE SCALE PURIFICATION OF

1,2 DEHYDRORETICULINE REDUCTASE FROM THE OPIUM POPPY SEEDLINGS. THESIS ADVISOR: ASSOC.PROF.WANCHAI DE-EKNAMKUL, Ph.D. 100 pp. ISBN 974-

632-658-9

1,2-Dehydroreticuline reductase is an enzyme present in *Papaver somniferum* L. seedlings. It catalyses the hydrogenation of 1,2-dehydroreticuline by using NADPH to form (R)-reticuline, a key intermediate in the morphine biosynthetic pathway. The radioactive labelled [N-C³H₃]-1,2-dehydroreticuline was synthesized enzymatically from (S)-norreticuline by using two consecutive reactions catalysed by *Berberis stolonifera* enzymes, namely (S)-tetrahydroprotoberberine oxidase and N-methyltransferase, respectively. The [N-C³H₃]-1,2-dehydroreticuline was used as substrate for assaying the enzyme activity during a large scale purification of 1,2-dehydroreticuline reductase from *P. somniferum* seedlings. The complete purification procedure included 6 steps: 55-85% ammonium sulfate fractionation, Phenyl Sepharose CL-4B, DEAE Sephacel, the first MonoQ, Superose12 and the second MonoQ. The final enzyme preparation gave a single band on SDS-PAGE and was purified with 1433-fold and a 0.002% yield. The molecular weight of the reductase enzyme based on SDS-PAGE and gel filtration on Superose12 was 34 kD. In this study, we also reported the partial amino acid sequence of 1,2-dehydroreticuline reductase.

ภาควิชา เภสัชเวท	ลายมือชื่อนิสิต อุภานอ เมิงวิวากรี
สาขาวิชา เภสัชเวท	ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา 😎 😂 🛶 📑
ปีการศึกษา ²⁵³⁸	ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม



ACKNOWLEDGEMENTS

I am deeply indebted to my thesis advisor, Associate Professor Dr. Wanchai De-Eknamkul, Department of Pharmacognosy, Faculty of Pharmaceutical Sciences, Chulalongkorn University, for his guidance, suggestion and encouragement which enable me to carry out this work. His precious instructions are not only confined to the scientific study but also to the general concepts and arts of life. The kindness and devotion he has given to me will be long remembered.

I would like to express my appreciation and thank to Professor Meinhart H. Zenk for his helpful consultation and kindly providing reference compounds, *Berberis* cell culture and opium seeds.

I would like to thank the thesis committee, for their serving as copreceptor.

I would like to thank the University Development Commission (UDC) for a schlolarship the peroid of the study, the Graduate School of Chulalongkorn University and the R&D Unit for Herbs and Spices, Faculty of Pharmaceutical Sciences, Chulalongkorn University, for granting partial financial support to conduct this research work.

I would also like to thank all my dear friends for their contributions and unforgetable friendships during the past years.

Finally, I do extremely appreciate and feel deeply thankful to my dearest father, mother and everyone in my family for their care, love, understanding and encouragement throughout my life. Without their supports, my success would never come true.



CONTENTS

		page
ABSTR	RAC	Γ(Thai)iv
ABSTR	RAC	Γ(English) v
ACKNO	OWI	LEDEMENTS vi
CONTI	ENT	S vii
LIST	OF	TABLESx
LIST	OF	FIGURESxi
ABBRE	EVI	ATIONS xiii
CHAPT	ER	
	I	INTRODUCTION1
	II	HISTORICAL4
		1. Botanical Aspects of Papaver somniferum L 4
		2. The Uses of P. somniferum6
		3. Chemical Constituents 8
		4. Quantitative Analysis of Morphinan Alkaloids13
		5. The Alkaloidal Storage, Translocation and Metabolism
		of P. somniferum15
		6. The Biosynthetic Pathway of Morphinan Alkaloids17
		6.1 The pathway from L-tyrosine to (S)-reticuline 18
		6.2 The pathway from (S)-reticuline to morphine 20
		7. Review of Enzymes Involved in the Morphinan Alkaloid
		Biosynthesis21
		8. 1,2-Dehydroreticuline 29
		8.1 Structure and chemical properties29
		8.2 Synthesis of 1,2-dehydroreticuline
	III	EXPERIMENTAL
		1. Chemicals
		2. Plant Material34
		3. Preliminary Study on the Activity of 1,2-Dehydroreticuline
		Reductase from P. somniferum Seedlings
		4. Synthesis of radiolabelled [N-C ³ H ₃]-1,2-Dehydroreticuline34
		4.1 Preparation of partially purified S-tetrahydroprotoberberine
		oxidase (STOX) and N-methyltransferase (NMT) 34

page
4.2 Synthesis of radiolabelled
[N-C ³ H ₃]-1,2-dehydroreticuline
5. Determination of 1,2-Dehydroreticuline Reductase Activity 37
6. Protein Determination
7. Preparation of Crude Enzyme Extract
8. Preparation of 55-85% Saturated Ammonium Sulfate
Fractionation
9. Large Scale Purification of 1,2-Dehydroreticuline Reductase 39
10. Molecular Weight Determination
10.1 Determination of molecular weight of 1,2-dehydroreticuline
reductase using denaturing gel electrophoresis
(SDS-PAGE)
10.2 Determination of molecular weight of 1,2-dehydroreticuline
reductase using gel filtration42
11. Amino Acid Sequence Determination42
11.1 Protein blotting42
11.2 Determination of amino acid sequence
IV RESULTS44
1. Synthesis of [N-C ³ H ₃]-1,2-Dehydroreticuline44
1.1 Preparation of STOX and NMT enzymes from Berberis cell
cultures45
1.2 Enzymatic synthesis of 1,2-dehydronorreticuline from
(S)-norreticuline45
1.3 Synthesis of [N-C ³ H ₃]-1,2-dehydroreticuline
2. Detection of 1,2-Dehydroreticuline Reductase Activity52
3. Large Scale Purification of 1,2-Dehydroreticuline Reductase 53
4. Purity Check of the Purified 1,2-Dehydroreticuline
Reductase63
5. Molecular Weight of 1,2-Dehydroreticuline Reductase63
5.1 Determination by SDS-PAGE
5.2 Determination by gel filtration63
6. Partial Amino Acid Sequencing of 1,2-Dehydroreticuline
Reductase67

	pa	ge
V	DISCUSSION	69
	1. Synthesis of [N-C ³ H ₃]-1,2-Dehydroreticuline	69
	2. Enzyme Detection in P. somniferum Seedlings	70
	3. Large Scale Purification of 1,2-Dehydroreticuline Reductase	71
	4. Partial Amino Acid Sequencing of 1,2-Dehydroreticuline	
	Reductase	'2
CONCLUSIO	ON	74
REFERENCI	ES	75
APPENDIX	I	35
APPENDIX	II	94
VITA	10	വ

LIST OF TABLES

Table	pa	ige
1.	Isoquinoline alkaloids from Papaver somniferum L	9
2.	Alkaloids produced by in vitro cultures of P.somniferum	11
3.	The major alkaloids present in different organs and latex	14
4.	The content of alkaloids in callus and suspension cultures	14
5.	List of enzymes involved in morphinan alkaloid biosynthesis	28
6.	Some properties of the enzymes	28
7.	Composition of SDS-polyacrylamide gel	41
8.	Summary of the purification of 1,2-dehydroreticuline reductase	54
9.	The ammonium sulfate precipitation table	95
10.	Stock solutions for SDS-polyacrylamide gel	96
11.	SDS-polyacrylamide gel electrophoresis preparation	97
12.	Silver staining	98
13.	Coomassie blue R-250 staining of SDS-polyacrylamide gel	99

LIST OF FIGURES

Figu	ire	page
1.	Papaver somniferum L. (Papaverceae)	5
2.	Morphine alkaloid content of the aerial tissue of developing <i>P.somniferum</i>	
	plant	16
3.	Morphine alkaloid content of the root tissue of developing P. somniferum	
	plant	17
4.	Biosynthetic sequence leading from tyrosine to (S)-norcoclaurine	19
5.	Biosynthetic sequence leading from the building blocks to (S)-reticuline	20
6.	The conversion from (S)- to (R)-reticuline via 1,2-dehydroreticuline	21
7.	Proposed biosynthetic pathway of morphine	22
8.	The enzymes involved in the initial steps of (S)-reticuline biosynthesis	23
9.	Various enzymes involved in (S)-reticuline biosynthesis	24
10.	Reaction sequence catalysed by salutaridine: NADPH-7-O-oxidoreductase.	25
11.	Reaction catalysed by acetyl Co A: salutaridinol-7-O-acetyltransferase	
	and subsequent allylic elimination	26
12.	Various enzymes involved in morphine biosynthesis	27
13.	The chemical structure of 1,2-dehydroreticulinium ion	29
14.	The total synthesis of 1,2-dehydroreticulinium chloride	31
15.	The synthesis of 1,2-dehydroreticuline from (S)-norreticuline	
	by two enzymatic steps	32
16.	The synthesis of 1,2-dehydroreticuline from (S)-norreticuline	
	by enzymatic and chemical reactions	32
17.	Berberis stolonifera cell suspension cultures	35
18.	DEAE-Sephacel anion exchange chromatography of partially purified	
	of NMT	46
19.	TLC pattern: the conversion of (S)-norreticuline to 1,2-dehydronorreticulin	e. 47
20.	TLC chromatogram: the conversion of (S)-norreticuline to	
	1,2-dehydronorreticuline	48
21.	UV-absorption spectrum of 1,2-dehydronorreticuline	49
22.	Mass spectrum of 1,2-dehydronorreticuline (LC-MS, APCI)	50
23.	TLC radiochromatogram: the conversion of 1,2-dehydronorreticuline	
	to [N-C ³ H ₃]-1,2-dehydroreticuline	
24.	A. Five-day-old seedlings of P. somniferum	52
	B. The germinated seedlings in aluminium tray	

Figu	re	page
25.	Phenyl Sepharose CL-4B hydrophobic chromatography	. 55
26.	DEAE-Sephacel anion exchange chromatography	. 57
27.	The first FPLC MonoQ HR5/5 anion exchange chromatography	. 58
28.	FPLC Superose12 HR16/50 gel filtration chromatography	. 59
29.	SDS-PAGE in each fraction of Superose12 column	60
30.	The second FPLC MonoQ HR5/5 anion exchange chromatography	. 61
31.	SDS-PAGE in each fraction of MonoQ column	62
32.	SDS-PAGE of purified protein of each purification step	64
33.	SDS-PAGE of purified enzyme	65
34.	Calibration curve of molecular weight against Rf	65
35.	FPLC Superose12 HR16/50 chromatography of 55-85% ammonium	
	sulfate precipitation	. 66
36.	Elution profile of Bio-Rad molecular weight on Superose12 column	. 68
37.	Calibration curve of molecular weight against V ₀ /V _e	68

ABBREVIATIONS

AA = acrylamide

APCI = atmospheric pressure chemical ionization

APS = ammonium persulfate
AUFS = absorbance full scale

Bis = N,N'-methylene bisacrylamide

BSA = bovine serum albumin

cDNA = cloning DNA cm = centimeter

cpm = counts per minute
DEAE = diethylaminoethyl

dpm = disintegrations per minute

EDTA = ethylenediamine tetraacetic acid

eg. = for example
etc. = et cetera
Fig = Figure

FPLC = fast protein liquid chromatography

fr.wt = fresh weight

g = gram

HPLC = high performance liquid chromatography

hr = hour

LS = Linsmaier and Skoog

 M^+ = molecular ion

m/z = mass to charge ratio

mA = miliampere
min = minute
ml = mililiter

Mr = relative molecular mass NAA = α -napthaleneacetic acid

NADP/NADPH = nicotinamide adenine dinucleotide phosphate

nm = nanometer

NMR = nuclear magnetic resonance

NMT = N-methyltransferase

no. = number opt = optimum



pH = hydrogen ion concentration

pkat = pico katal pmol = picomole

PVDF = polyvinylidene difluoride

Rf = distance spot moved/ distance solvent moved(TLC)

rpm = revolutions per minute
SAM = S-adenosyl L-methionine
SDS = sodium dodecyl sulfate

SDS-PAGE = sodium dodecyl sulfate- polyacrylamide gel

electrophoresis

sp.act. = specific activity

STOX = S-tetrahydroprotoberberine

TEMED = N, N, N', N'-tetramethylethylenediamine

TFA = trifluoroacetic acid

TLC = thin layer chromatography

TPCK = tosylamido-2-phenylethyl chloromethyl ketone

³H = tritium

2,4-D = 2,4-dichlorophenoxyacetic acid

 β = beta

oC = degree celsius

g = centrifugal force (relative to gravity) λ_{max} = wavelength at maxima absorption

 μCi = microCurie μmol = micromole